

Masterarbeit zur Erlangung des akademischen Grades "Master of Science in Medical Biometry/Biostatistics"

>>Über den Einfluss unbalanzierter Randomisierungsverhältnisse und Gruppengrößen sowie weiterer Designparameter auf die Genauigkeit verschiedener Schätzmethoden der Hazard Ratio für systematische Übersichtsarbeiten und Metaanalysen – eine Simulationsstudie und Anwendungsempfehlung<<

vorgelegt von

>>Dr. med. Benjamin Thomas<<

## >>2023<<

>>Über den Einfluss unbalanzierter
Randomisierungsverhältnisse und Gruppengrößen
sowie weiterer Designparameter auf die Genauigkeit
verschiedener Schätzmethoden der Hazard Ratio für
systematische Übersichtsarbeiten und Metaanalysen
– eine Simulationsstudie und Anwendungsempfehlung<<

vorgelegt von: Dr. med. Benjamin Thomas

Studiengang: MSc Medical Biometry/Biostatistics

Betreuer und Erstgutachter: Dr. phil. Marietta Kirchner

Universität Heidelberg

Zweitgutachter: Prof. Dr. Peter Martus

Universität Tübingen

Abgabedatum: 09.03.2023

_	Erklärung	_
	Likiaiuiig	_

_	_		
	rk		

Hiermit erkläre ich, dass ich die vorliegende Masterarbeit selbständig verfasst und keine anderen als die angegebenen Hilfsmittel benutzt habe.

Die Stellen der Masterarbeit, die anderen Quellen im Wortlaut oder dem Sinn nach entnommen wurden, sind durch Angaben der Herkunft kenntlich gemacht. Dies gilt auch für Zeichnungen, Skizzen, bildliche Darstellungen sowie für Quellen aus dem Internet.

Mannheim, den 08.03.2023

Benjamin Thomas

- Verwendete Notationen -

#### **Verwendete Notationen**

Alle verwendeten mathematischen Formeln werden gemäß allgemeingültigen mathematischen Notationen eingeführt und fortlaufend in runden Klammern () referenziert.

R-Code bzw. Code-Ausschnitte von besonderer Relevanz werden im Fließtext gesondert formatiert:

Code # Erläuterung

Der verwendeten Programmiersprache R entsprechend, sind alle Erläuterungen im Code in englischer Sprache verfasst.

Da die Veröffentlichung der Inhalte der vorliegenden Masterarbeit in einem internationalen Fachjournal in englischer Sprache geplant ist, wurden alle Beschriftungen innerhalb von Abbildungen und Tabellen ebenso in englischer Sprache verfasst.

Um Verwirrungen zu vermeiden, wurden Dezimalstellen auch im deutschen Fließtext der verwendeten Programmiersprache R entsprechend mit Punkten anstatt Kommata gekennzeichnet.

## Glossar verwendeter Abkürzungen und Begrifflichkeiten

Abb. = Abbildung

ADEMP = Akronym, steht für Aims, Data-generating mechanisms, Estimands,

Methods und Performance measures

 $\alpha$  = (berichtetes) Signifikanzniveau

APA = American Psychological Association

C<sub>exp</sub> = Exponentialverteilung auftretender (Rechts-) Zensierungen

C<sub>unif</sub> = Gleichverteilung auftretender (Rechts-) Zensierungen

CI = Konfidenzintervall (englisch: confidence interval)

DGM = Data-generating mechanisms

et al. = et aliae bzw. et alii

E = Erwartungswert

Exp = Exponentialverteilung bzw. exponentialverteilt

h(t) = Funktion der Ausfallrate, Ereignisrate (englisch: *hazard function*)

 $h_0(t)$  = Funktion der Ausfallrate, Ereignisrate der Kontrollgruppe

 $h_1(t)$  = Funktion der Ausfallrate, Ereignisrate der Experimentalgruppe

H(t) = kumulative Hazardfunktion (englisch: *cumulative hazard function*)

HR bzw. HR<sub>i</sub> = Hazard Ratio

HR<sub>obs</sub> = im Rahmen der Cox-Regression beobachtetes Hazard Ratio

HR<sub>true</sub> = wahres Hazard Ratio

i.d.R. = in der Regel

inkl. = inklusive

 $\lambda$  = Ausfallrate, Ereignisrate der Kontrollgruppe (englisch: *baseline hazard*)

In = natürlicher Logarithmus, gleichbedeutend mit log

(die Annotationen In und log werden im Folgenden nicht differenziert)

log = natürlicher Logarithmus, gleichbedeutend mit In

(die Annotationen In und log werden im Folgenden nicht differenziert)

log var = Log-Rang-Varianz (englisch: *logrank variance*)

MCSE = Monte Carlo Standardfehler (englisch: *Monte Carlo Standard Error*)

MSE = mittlerer quadrierter Fehler

n<sub>obs</sub> = Gesamtfallzahl einer Studie

n<sub>sim</sub> = Anzahl an Simulationsdurchläufen

o.g. = oben genannt

- Glossar verwendeter Abkürzungen und Begrifflichkeiten -

p = (berichteter) P-Wert

Φ = Verteilungsfunktion der Standardnormalverteilung (griechisch: *Phi*)

r = Allokationsrate

RMSE = Wurzel des mittleren quadrierten Fehlers

s. = siehe

S(t) = Überlebensfunktion (englisch: *survival function*)

sog. = sogenannte

t = Zeitpunkt t

Tab. = Tabelle

 $\theta$  = unbekannter Parameter (griechisch: *Theta*)

 $\hat{\theta}$  = Schätzer für den unbekannter Parameter

 $\bar{\theta}$  = arithmetischer Mittelwert der Schätzer für den unbekannter Parameter

Unif = Gleichverteilung bzw. gleichverteilt

 $V_i$  = Varianz der Studie i im Rahmen einer Metanalyse

var = Varianz

vgl. = vergleiche

 $w_i$  = Gewicht der Studie *i* im Rahmen einer Metanalyse

z.B. = zum Beispiel

## Inhaltsverzeichnis

Titel	2 -
Erklärung	3 -
Verwendete Notationen	4 -
Glossar verwendeter Abkürzungen und Begrifflichkeiten	5 -
Inhaltsverzeichnis	8 -
Danksagung	10 -
Einleitung	11 -
Einführung in die Überlebenszeitanalyse	11 -
Einführung in die Metaanalyse	
Die Inverse Varianz-Methode	
Metaanalyse von Überlebenszeitstudien	
Aktueller Stand der Forschung	
Wissenschaftlich-biometrische Fragestellung der vorliegenden Arbeit	
Biometrisch-biostatistische Bedeutung von Simulationsstudien	
Material und Methoden	
Szenarien der vorgelegten Simulationsstudie	
Aims: motivierende Fragestellung der vorliegenden Simulationsstudie	
Data-generating mechanisms: Daten-generierende Modelle in der vorliegenden	
Simulationsstudie	21 -
1) Binäre Kovariable "Treatment"	21 -
2) Univariat exponentialverteilte Kovariable "Survivaltime"	
3) Univariat exponential-/uniformverteilte Kovariable "Censoring"	22 -
4) Univariat exponentialverteilte Kovariable "Observed" in Abhängigkeit von der Zensierungsrate -	22 -
Estimands: zu schätzende Zielgrößen der vorliegenden Simulationsstudie	
Methods: beobachtete log HRs und Varianzen	
Cox-Regression	
Methoden 1 bis 9 nach Tierney	
Berechnungsmethoden nach Tierney umgesetzt in RStudio	27 -
Performance measures 1: Erwartungstreue und Verzerrtheit der Punktschätzer für log(HR)	in der
vorliegenden Simulationsstudie	29 -
Verzerrtheit (Bias)	
Monte Carlo Standardfehler des Bias (MCSE)	
Varianz der Punktschätzer	
Der mittlere quadrierte Fehler (MSE)	
Die Wurzel des mittleren quadrierten Fehlers (RMSE)	31 -
calculate_performances()	31 -
Performance measures 2: Punktschätzer für var(log(HR)) und jeweiliger prozentualer	
Gewichtanteil in der vorliegenden Simulationsstudie	
calculate_variances()	
Relative Studiengewichte	34 -

### - Inhaltsverzeichnis -

Ergebnisse	36 -
Erzeugte Ergebnisdatenmatrix	
Deskriptive Statistik der Ergebnisdatenmatrix "GRID"	
Performance measures der log(HR)-Schätzmethoden pro Hazard Ratio	- 38
Gepoolte log(HR)-Schätzer pro Hazard RatioGepoolter Bias der log(HR)-Schätzer pro Hazard Ratio	
Gepoolte log(HR)-Schätzer und gepoolter Bias pro Hazard Ratio unter faktorieller Variation d Designparameter "Allocation Ratio", "Baseline Hazard", "Censoring Distribution" und "Trial Size"	
Bias und Verteilung der Punktschätzer unter faktorieller Variation der Designparameter "Allocation	
Ratio", "Baseline Hazard", "Censoring Distribution" und "Trial Size" bei Hazard Ratio von 0.1:	- 43 -
Bias und Verteilung der Punktschätzer unter faktorieller Variation der Designparameter "Allocation	
Ratio", "Baseline Hazard", "Censoring Distribution" und "Trial Size" bei Hazard Ratio von 0.3:	- 45 -
Bias und Verteilung der Punktschätzer unter faktorieller Variation der Designparameter "Allocation Ratio", "Baseline Hazard", "Censoring Distribution" und "Trial Size" bei Hazard Ratio von 0.5:	- 47 -
Bias und Verteilung der Punktschätzer unter faktorieller Variation der Designparameter "Allocation	٦,
Ratio", "Baseline Hazard", "Censoring Distribution" und "Trial Size" bei Hazard Ratio von 0.7:	- 49 -
Bias und Verteilung der Punktschätzer unter faktorieller Variation der Designparameter "Allocation	
Ratio", "Baseline Hazard", "Censoring Distribution" und "Trial Size" bei Hazard Ratio von 0.9:	- 51 -
Performance measures der var(log(HR))-Punktschätzer	- 53 -
Relative Studiengewichte basierend auf verschiedenen var(log(HR))-Schätzern unter faktorie	
Variation aller Designparameter	
• .	
Diskussion und Fazit	56 -
Rekapitulation der Ausgangslage und Motivation der Fragestellung	
Anhand bisher verfügbarer Literatur erwartbarer Ergebnisanteil	· 57 -
Bias der $log(HR_{obs})$ -Schätzer im Cox-Modell	
Zusammenfassung der Ergebnisse der vorliegenden Simulationsstudie	
Bias und MCSE der approximativen log(HR)-Schätzer	- 58 -
Interpretation und Bewertung der Ergebnisse der vorliegenden Simulationsstudie	
Beobachteter Bias der log(HR)-Schätzer der Cox-Regression	
Beobachteter Bias der log(HR)-Schätzer der Methoden 1 bis 9	
Approximative var(log(HR))-Schätzer und relative Gewichte der Methoden 1 bis 9	
Anwendungsempfehlungen für die Praxis	61 -
Limitationen der vorliegenden Simulationsstudie	62 -
Verwendung mittels Pseudozufallszahlen simulierter Datensätze	- 62 -
Verwendung exponentialverteilter Überlebenszeitdaten, proportionaler Hazards und exponential- /uniformverteilter Zensierungen	
Ausblick und Ansatzpunkte für weiterführende Untersuchungen	64 -
Abbildungsverzeichnis	
Literaturverzeichnis	
Verzeichnis verwendeter R-Pakete	
verzeicnnis verwenaeter k-rakete	71 -

## **Danksagung**

Auf diesem Wege möchte ich bei all denjenigen Unterstützerinnen und Unterstützern bedanken, die mich während der letzten drei Jahre und insbesondere der letzten sechs Monate auf dem Weg zur Erlangung des Master of Science in medizinischer Biometrie und Biostatistik begleitet haben.

Allen voran gebührt mein Dank Frau Dr. Marietta Kirchner, die meinen Initiativvorschlag für das Thema dieser Masterarbeit von Anfang an unterstütze. Für ihre kontinuierliche Betreuung, ihre zahlreichen hilfreichen Anregungen und ihr konstruktives Feedback bei der Erstellung dieser Arbeit und nicht zuletzt für die Begutachtung der Arbeit möchte ich mich herzlich bedanken. Darüber hinaus möchte ich mich insbesondere auch für die hervorragende Organisation des gesamten Studienganges gerade in den schwierigen Zeiten der Corona-Pandemie bedanken. An dieser Stelle möchte ich mich auch bei Frau Andrea Wendel bedanken, die den Studierenden immer mit Rat und Tat zur Seite stand. Mein Dank gilt außerdem Herrn Prof. Dr. Martus, der sich bereit erklärt hat, die vorliegende Arbeit als Zweitgutachter zu bewerten.

Herzlich bedanken möchte ich mich auch bei Herrn Prof. Dr. Kneser, Direktor der Klinik für Hand-, Plastische-, Rekonstruktive und Mikrochirurgie an der BG Unfallklinik Ludwigshafen, meinem Chef, der mich in all meinen Bestrebungen über den klinischen Tellerrand zu blicken immer unterstützt hat und meine Teilnahme an diesem berufsbegleitenden Studiengang durch seine Unterstützung erst möglich gemacht hat. Für die hohe Flexibilität und uneingeschränkte Unterstützung in der Umsetzung der Personalplanung zur Ermöglichung der zahlreichen Studientage möchte ich mich bei Herrn PD Dr. Gazyakan, Herrn PD Dr. Bigdeli und Frau Prof. Harhaus-Wähner bedanken.

Zuletzt möchte ich einen besonderen Dank an meine Partnerin und meine Eltern richten, die mich durch die schöne, aber auch anstrengende Zeit des Studiums und der Erstellung der vorliegenden Arbeit begleitet haben und auch in schwierigen Zeiten immer an meiner Seite waren.

## **Einleitung**

Einführung in die Überlebenszeitanalyse

Sogenannte *time-to-event* Daten stellen die Grundlage der Überlebenszeitanalyse dar. Typischerweise wird in diesem Kontext die Wirksamkeit einer Intervention anhand des Vergleichs der Zeiträume bis zum Auftreten eines definierten Ereignisses innerhalb eines Beobachtungsintervalles zwischen Kontroll- und Experimentalgruppe beurteilt. Mögliche Anwendungsbereiche erstrecken sich von der Ableitung von mittleren Erwartungszeiträumen über die Bewertung von therapeutischen Wirksamkeiten bis hin zur Vorhersage von entitätsspezifischen Überlebenszeitprognosen.<sup>1</sup> Die Struktur der zugrundeliegenden Daten weist dabei folgende spezifische Gemeinsamkeiten auf:

- Dem eigentlichen Beobachtungszeitraum (sog. "follow-up time") ist im Rahmen prospektiver Studiendesigns eine Rekrutierungsphase vorgeschaltet (sog. "accrual time").
- 2. Das Zielereignis muss nicht zwangsläufig für alle Probanden innerhalb des Beobachtungszeitraumes auftreten (sog. "Zensierungen").
- 3. Das Zielereignis kann auch bedingt durch die Exposition gegenüber einem alternativen Risiko aufgetreten sein (sog. "competing risk").
- 4. Die Verteilungen von Überlebenszeiten folgen selten einer Normalverteilung, sondern weisen i.d.R. eine deutliche Rechtsschiefe auf.

Den vorgenannten und weiteren Aspekten Rechnung tragend wurden spezielle Auswertungs- und Analyseansätze entwickelt, die im Wesentlichen auf dem Vergleich zweier in Zusammenhang stehender Wahrscheinlichkeitsverteilungen beruhen – der *Survivalfunktion* und der *Hazardfunktion*. Die Überlebensfunktion beschreibt dabei die Wahrscheinlichkeit, einen Zeitpunkt t ereignisfrei zu überleben und ist definiert als S(t). Der negative natürliche Logarithmus der Überlebensfunktion – log(S(t)) beschreibt das Integral vom Zeitpunkt 0 bis zum Zeitpunkt t über die *Ausfallraten*  $\int_0^t h(t)$  als *kumulative Hazardfunktion* H(t).

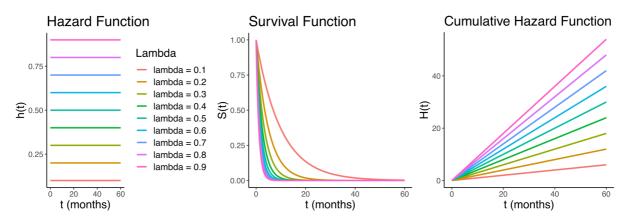


Abb. 1: Zusammenhang zwischen h(t), S(t) und H(t). Konstante Ereignisraten bedingen exponentialverteilte Überlebenskurven und monoton ansteigende kumulative Inzidenzdichten.

Das  $Hazard\ Ratio\ HR = \frac{h_1(t)}{h_0(t)}$  ermöglicht schließlich den Vergleich zweier Gruppen, indem man deren Hazards ins Verhältnis setzt.

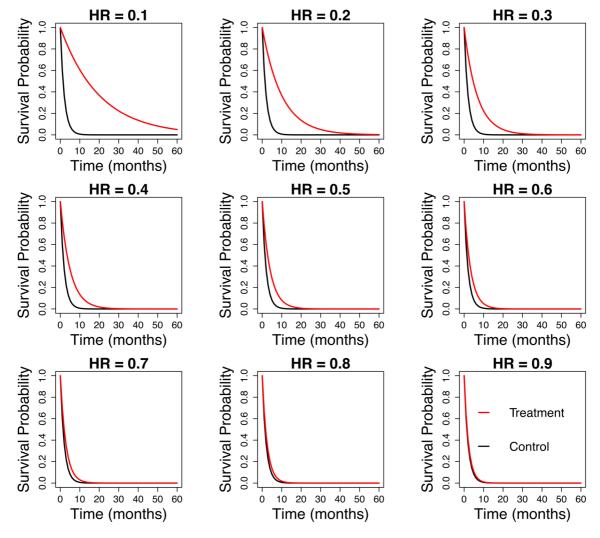


Abb. 2: Hazard Ratios quantifizieren die Verhältnisse von Ausfallraten unter Therapie versus Kontrolle im selben Zeitintervall. Ein Wert von 1 entspricht keinem Unterschied. Ein Wert von 0.1 bedeutet eine 90%-ige Wahrscheinlichkeitsreduktion des Ereigniseintritts unter Therapie.

### Einführung in die Metaanalyse

Um Entscheidungen über Diagnostik, Behandlung und Versorgung auf einer soliden Evidenzgrundlage zu treffen, ist die systematische Analyse verfügbarer biomedizinischer Daten unverzichtbar.³ Um eine präzisere Schätzung wissenschaftlich untersuchter Behandlungseffekt zu erlangen, als dies durch die individuelle Analyse einzelner Studien möglich wäre, werden Daten aus mehreren Studien mit gemeinsamen Fragestellungen daher im Rahmen von Metaanalysen kombiniert.⁴ Die Metaanalyse ist damit ein wichtiger Teil des Evidenz-basierten Denkens und stellt die Methode der Wahl zur Überprüfung einzelner und Synthese mehrere Ergebnisse publizierter Studien zu einem bestimmten Thema oder einer bestimmten Fragestellung dar.⁵ Durch die Verwendung eigens zu diesem Zweck entwickelter biostatistischer Methoden kann im Rahmen einer Metaanalyse eine präzisere Schätzung zugrundeliegender Behandlungseffekte erreicht werden, indem Verzerrungen einzelner Studien aufgedeckt und ausgeglichen werden. Die Methodik einer Metaanalyse umfasst fünf Hauptbestandteile:6

- 1. Die Identifikation aller relevanten Studien.
- 2. Die Überprüfung der Qualität aller identifizierten Studien.
- 3. Die Synthese aller Daten aus den eingeschlossenen Studien.
- 4. Die Überprüfung der Varianz der Effektschätzer der einzelnen Studien.
- 5. Die Visualisierung und Interpretation der Ergebnisse.

Die Varianzanalysetechniken bei der Datensynthese können im Wesentlichen in zwei Ansätze unterteilt werden, den *Modellen mit festen Effekten* und den *Modellen mit zufälligen Effekten*. Festeffekte-Modelle betrachten den Effekt einer Intervention als konstant und gleich für alle Studien in einer Metaanalyse und berechnen den durchschnittlichen Effekt über alle Studien. Zufällige Effekte-Modelle hingegen berücksichtigen die Tatsache, dass der Effekt einer Intervention von Studie zu Studie variieren kann. Diese Modelle berechnen für jede Studie einen individuellen Effektschätzer und berechnen im Nachgang einen durchschnittlichen Effekt, der die vorgenannte Variabilität der studienspezifischen Effekte berücksichtigt.

Das Ergebnis einer Metaanalyse wird dabei i.d.R. in Form von statistischen Kenngrößen, bestehend aus gemittelten Effektmaßen mit dazu gehörigen Konfidenzintervallen, präsentiert. Um Unterschieden in der Qualität eingeschlossener und analysierter Studien dabei entsprechend Rechnung zu tragen, werden diese

unterschiedlich gewichtet, um den Einfluss individueller Studien auf das Gesamtergebnis der Metaanalyse zu berücksichtigen und ggf. zu korrigieren.<sup>8</sup> In diesem Rahmen ist die Studiengröße neben der Qualität des Studiendesigns ein wichtiger Parameter, denn es besteht ein gegenläufiger Zusammenhang zwischen der Anzahl der Studienteilnehmer und der Unsicherheit des studienspezifischen Effektschätzers. Generell gilt, dass größere Studien eine geringere Varianz und somit eine geringere Fehlerrate bei der Effektschätzung aufweisen, wohingegen kleinere Studien zu einer höheren Varianz und einer höheren Fehlerrate führen.

#### Die Inverse Varianz-Methode

Zur Gewichtung von Studien in einer Metaanalyse kommen i.d.R. Vertreter der inversen Varianz-Methode zum Einsatz.<sup>8</sup> Die grundlegende Idee hinter dieser Methode ist, dass Studien mit einer kleineren Varianz und entsprechend geringerer Unsicherheit der Effektschätzer ein höheres Gewicht und damit mehr Einfluss bei der Berechnung des gepoolten Effektschätzers erhalten sollten als Studien mit einer größeren Varianz und höherer Unsicherheit. Dies wird praktisch erreicht, indem die Varianz jeder Studie berechnet wird und dann die inverse Varianz diese Studie als prozentualer Anteil der inversen Gesamtvarianz verwendet wird. Auf diese Weise erhält jede Studie ein höheres Gewicht, wenn ihre Varianz gering ist und ein geringeres Gewicht, wenn ihre Varianz hoch ist. In ihrer ursprünglichsten Form ist die inverse Varianz-Methode einfach zu berechnen und einfach zu interpretieren.

$$w_{fixed} = \frac{1}{V} \tag{1}$$

$$w_{random} = \frac{1}{V + \mathcal{T}^2} \tag{2}$$

$$w_{j_{relative}}[\%] = \frac{w_j}{\sum_{j=1}^k w_j} \times 100 \tag{3}$$

V = Varianz der eingeschlossenen Studie

bei j = 1, ..., k eingeschlossenen Studien

 $T^2 = Interstudienvarianz$ 

## Metaanalyse von Überlebenszeitstudien

Um die Ergebnisse einzelner Überlebenszeitstudien auf einer linearen Skala zusammenzufassen, wird die Datensynthese anhand der jeweils studienspezifischen *log HRs* bzw. *log(HR)* und ihrer Varianzen *var(log(HR))* durchgeführt.<sup>9</sup>

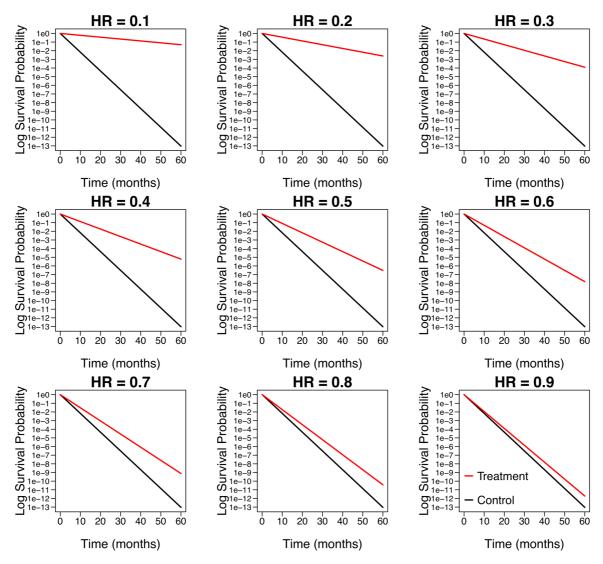


Abb. 3: Die Log-Transformation ermöglicht die lineare Darstellung von Hazard Ratios. Abstände zwischen benachbarten y-Achsenwerten entsprechen nunmehr Zehnerpotenzen.

Jedoch werden diese in der medizinischen Literatur oft nicht ausreichend berichtet. <sup>10–12</sup> Hierin begründen sich zahlreiche Bestrebungen *log HRs* und ihre dazugehörige Varianzen aus aggregierten Daten publizierter Studien zu schätzen. Denn die Evidenzsynthese in Form systematischer Reviews und Metaanalysen stellt eine elementare Arbeitstechnik zur Bewertung von Wirksamkeit und Sicherheit medizinischer Maßnahmen und ist in diesem Rahmen von zentraler Bedeutung. <sup>13</sup> Dementsprechend wird eine große Anzahl von Metaanalysen jährlich publiziert, wobei die Zahl kontinuierlich steigt und zuletzt fast 30000 im Jahre 2019 betrug. <sup>14</sup> Dabei konnte nachgewiesen werden, dass sich über 95% der Metaanalysen auf aggregierte Daten stützen. <sup>15</sup> Hieraus lässt sich schlussfolgern, dass gerade im Rahmen der Überlebenszeitanalyse, wo relevante Kenngrößen in hohem Maße unberichtet bleiben, approximative Schätzungen zwangsläufig an der Tagesordnung sind.

#### Aktueller Stand der Forschung

Parmar und Kollegen schlugen verschiedene Methoden zur indirekten Schätzung des *log HR* aus der Gesamtereignisanzahl einer Studie und der Log-Rang-Teststatistik mit dazugehörigem P-Wert, sowie der Varianz des *log HR* aus ggf. berichteten symmetrischen 95% Konfidenzintervallen vor.<sup>9</sup> Dabei wiesen sie bereits auf eine Unzuverlässigkeit der Schätzung im Falle unbalanzierter Designs hin. Außerdem schlugen die Autoren einen Ansatz zur Rekonstruktion des *log HR* aus Kaplan-Meier Kurven vor, der von Tudor und Williamson weiterentwickelt wurde.<sup>16,17</sup> Da die vorgenannten Daten – Ereigniszahlen, Log-Rang-Teststatistik, P-Wert – jedoch ebenfalls nur selten ausreichend berichtet werden, schlugen Michiels und Kollegen die Schätzung anhand medianer Überlebenszeiten vor, was sich allerdings als sehr unpräzise erwies.<sup>18</sup>

Tierney et al. fassten schließlich alle bis dato publizierten Vorschläge zusammen, definierten 11 Szenarien individueller Datenverfügbarkeit und entwickelten ein entsprechendes fallbasiertes Berechnungstool. Die Arbeit der Autoren umfasst zwei direkte Berechnungswege und sieben indirekte Schätzmethoden der *log HRs* und ihrer Varianzen aus aggregierten Daten publizierter Studien. Dabei sind die Autoren zum einen bemüht der Leserschaft möglichst benutzerfreundliche Formeln an die Hand zu geben, müssen aber zum anderen ebenso auf wichtige Limitationen hinweisen – insbesondere im Falle unbalanzierter Gruppengrößen, inkonstanter Zensierungsraten, stark variierender Studienpopulationen oder Eventraten. Eine systematische Untersuchung der Präzision der Schätzmethoden im Zuge unterschiedlicher Designparameter und entsprechend dafür ableitbare Empfehlungen fehlen jedoch.

Ein im Anschluss ebenfalls von Tierney durchgeführter Vergleich von aus 18 Metaanalysen berichteter *log HRs*, welche zum Zeitpunkt der Veröffentlichung jeweils auf Grundlage individueller Patientendaten berechnet worden waren, mit aus der jeweils korrespondierenden Primärliteratur durch die Autoren geschätzten *log HRs*, zeigte zunehmende Diskrepanzen bei sinkenden Fallzahlen, kleineren Effektmaßen und niedrigeren Eventraten.<sup>20</sup> Allerdings konnten die Autoren zum einen nur knapp die Hälfte der Studien einschließen und differenzierten zum anderen nicht zwischen den verschiedenen direkten und indirekten Schätzmethoden. Darüber hinaus wurden nur 1:1 randomisierte Studien analysiert. Eine erste Empfehlung zur hierarchischen

Ordnung zur Verfügung stehender Verfahren formulierte Hebert 2022.<sup>21</sup> Allerdings verglichen die Autoren nur vier verschiedene Methoden und untersuchten insbesondere nicht den potentiellen Einfluss der vorgenannten Designparameter auf die Performance der Schätzmethoden.

Wissenschaftlich-biometrische Fragestellung der vorliegenden Arbeit Die nach wie vor offene wissenschaftliche und dementsprechend zu beantwortende biometrische Fragestellung der vorliegenden Arbeit ist es den potentiellen Einfluss unterschiedlicher Ausprägungen von Designparametern auf die Genauigkeit der in der Literatur vorgeschlagenen Schätzmethoden der log HR im Kontext unzureichend berichteter Überlebenszeitstudien systematisch zu quantifizieren. Entsprechend der wissenschaftlichen Fragestellung sollen zum einen Performancegrenzen verfügbarer Schätzmethoden der log HR im Kontext unzureichend Überlebenszeitstudien systematisch abgeleitet und zum anderen darauf basierende Anwendungsempfehlung bzw. Vorschläge zur situationsspezifischen Wahl der Schätzmethoden formuliert werden.

### Biometrisch-biostatistische Bedeutung von Simulationsstudien

Um die Präzision biometrischer Schätzmethoden systematisch in einem standardisierbaren Untersuchungsansatz zu analysieren, eignen sich Simulationsstudien. Diese sind computerbasierte Experimente, in deren Rahmen Datensätze aus Pseudozufallszahlen vorgegeber Verteilungen generiert werden, um die Performance biostatistischer Methoden in mannigfaltig variierbaren Szenarien im frequentistischen Sinne zu beurteilen.<sup>22</sup> Im Gegensatz zu realen biomedizinischen Daten, deren zugrundeliegende Struktur im Regelfall unbekannt ist und dem Wissenschaftler verborgen bleibt, ermöglicht die aktive Festlegung determinierender Faktoren, wie bspw. der Verteilungsparameter des Pseudozufallszahlengenerators, dem Experimentator das Verhalten biostatistischer Methoden im Kontext bekannter Szenarien zu untersuchen.<sup>23</sup> Mit dem Ziel die Durchführung, Auswertung und Kommunikation von Simulationsstudien zu standardisieren, führten Morris et al. 2019 die "ADEMP"-Struktur ein, die breite Akzeptanz erfuhr und folgende Bausteine umfasst:24

• *Aims* = Motivierende Fragestellung der Simulationsstudie:

Die Identifikation neuer Auswertungsmethoden für bekannte Szenarien oder die Evaluation bereits bestehender Auswertungsmethoden in extremen Szenarien können Beispiele für Ausgangsfragestellungen darstellen.

- Data-generating mechanisms (DGM) = Eigenschaften der Datensatzerzeugung:
   Die der Simulationsstudie zugrundeliegenden Datensätze werden
   üblicherweise mithilfe eines Pseudozufallszahlengenerators erzeugt,
   wobei entweder wiederholte Ziehungen aus prädefinierten Verteilungen
   ("parametric draws"), oder aber Stichprobenwiederholungen ohne
   Verteilungsannahme ("resampling") durchgeführt werden. Dabei können
   einzelne Paramter der Datensatzerzeugung faktoriell variiert werden, um
   ihren Einfluss zu untersuchen.
- Estimands = Gesamtheit der zu schätzenden Effekte / Ziele der Simulation:
   In Abhängigkeit von der Fragestellung der Simulationsstudie können z.B.

   Präzision und Richtigkeit von Schätzmethoden, Fehlerraten,
   Fallzahlkalkulationen, oder Designparameter von Interesse sein.
- **M**ethods = Zu untersuchende Methoden:

Typischerweise werden biostatistische Methoden entweder auf ihre Funktionalität ("proof-of-concept") oder auf ihre Limitationen ("robustness") hin untersucht bzw. verglichen.

• **P**erformance measures = Messgrößen zur quantitativen Beurteilung der untersuchten Methoden:

Maßzahlen, wie die mittlere Abweichung von Schätzmethoden im Vergleich zum wahren Wert ("Bias"), werden a priori definiert, um die Ergebnisse der Simulationsstudie quantifizierbar zu machen. In Abhängigkeit von der Anzahl der Simulationsdurchläufe steigt dabei die Genauigkeit der zugrundeliegenden Berechnung ("Monte-Carlo Fehler").

### **Material und Methoden**

Szenarien der vorgelegten Simulationsstudie

Eine Simulationsstudie nach der o.g. ADEMP-Struktur sollte durchgeführt werden, um den Grad der Übereinstimmung bzw. Abweichung jeweils geschätzter log(HR) von den wahren  $log(HR_{true})$  im Zweigruppenvergleich unter proportionalen und konstanten Ausfallraten in Abhängigkeit folgender faktoriell iterierter Parameter im Kontext exponentialverteilter Überlebenszeiten zu untersuchen:

- (1) Vorgegebene Hazard Ratios:  $HR_{true} = h_1(t)/h_0(t) = \{0.1, 0.3, 0.5, 0.7, 0.9\}$
- (2) Vorgegebene Gesamtfallzahlen:  $n_{obs}$  = {100, 500, 1000}
- (3) Vorgegebene Allokationsraten:  $r = \{1:4, 1:2, 1:1, 2:1, 4:1\}$
- (4) Vorgegebene Baseline Hazards:  $\lambda = \{0.25, 0.5, 0.75\}$
- (5) Vorgegeben Zensierungsraten:
  - a. Keine zusätzliche Zensierung während des Beobachtungszeitraumes
  - b.  $C_{exp} = Exp(0.5)$
  - c.  $C_{unif} = Unif(0,\tau)$

mit Wahl von Tzum Erreichen einer 50% Zensierungsrate

Im Folgenden werden die Schritte der im Rahmen der Konzipierung der vorliegenden Simulationsstudie konsentierten Aspekte gemäß der ADEMP-Struktur einzeln erläutert. Zudem sind die entsprechenden Teilaspekte in Tabelle 1 aufgelistet:

	Tabelle 1: ADEMP-Struktur der vorliegenden Simulationsstudie		
Aims:	Beurteilung der Performance approximativer Berechnungmethoden für log(HR) und var(log(HR)) unzureichend berichteter Überlebenszeitstudien.	Etablieren einer hierarchischen Wertung der Schätzmethoden und Formulieren szenarienspezifischer Verwendungsempfehlungen.	
DGM:	Exponentialverteilte Überlebenszeitdaten im Zweigruppenvergleich:	$X_1, X_2,, X_{nx} \sim \text{Exp}(\lambda)$ $mit \ X_1 \ bis \ X_{nx} \ Überlebenszeiten \ der \ Kontrollgruppe$ $und \ nx \ Probanden \ in \ der \ Kontrollgruppe$ $Y_1, \ Y_2,, \ Y_{ny} \sim \text{Exp}(\lambda^*HR)$ $mit \ Y_1 \ bis \ Y_{ny} \ Überlebenszeiten \ der \ Experimentalgruppe$ $und \ ny \ Probanden \ in \ der \ Experimentalgruppe$	
	Mit faktorieller Variation folgender Designparameter:	Hazard Ratio: HR = {0.1, 0.3, 0.5, 0.7, 0.9}	

Estimands:	Mit 1000 Wiederholungen pro Szenario ausgehend von einem Startwert von 30121988 für die Pseudozufallszahlen:  Genauigkeit der approximativen Berechnungsmethoden für log(HR), bestehend aus Abweichung und Streuung.	Gesamtfallzahl: $n_{obs} = n_x + n_y = \{100, 500, 1000\}$ Allokationsrate $r = n_x : n_y \{1:4, 1:2, 1:1, 2:1, 4:1\}$ Baseline Hazard: $\lambda = \{0.25, 0.5, 0.75\}$ Zusätzliche Zensierungen:  Keine zusätzlichen Zensierungen $C_{exp} \sim \text{Exp}(0.5)$ $C_{unif} \sim \text{U}(0,\text{T})$ mit $\text{T}=2^*\text{X}$ bzw. Y  zum Erreichen einer ca. 50%-igen Zensierungsrate $nsim = 1000$ $seed = 30121988$ Resultierende Gewichtung der Methoden auf Grundlage der Varianzschätzer im Kontext der inversen Varianz-Methode.
Methods:		
	Cox-Regression	Methoden 1 bis 9 aus Tierney et al.
Performance Measures:	Bias und MCSE, Varianz, MSE, RMSE	Inverse Varianzen und prozentuale Gewichte

Aims: motivierende Fragestellung der vorliegenden Simulationsstudie

Die im Methodenpapier von Tierney et al. zusammengetragenen direkten und indirekten Berechnungsmethoden für log(HR) und var(log(HR)) unzureichend berichteter Überlebenszeitstudien sollen in Abhängigkeit systematisch variierter potentiell einflussreicher Designparameter an mittels Pseudozufallszahlen generierter simulierter *time-to-event* Datensätze evaluiert werden. Ziel dieser Simulationsstudie ist es i) mithilfe der so gewonnen Erkenntnisse im frequentistischen Sinne Schlussfolgerungen bzgl. der Erwartungstreue und Präzision der genannten Methoden zu inferieren, um ii) schlussendlich eine datenbasierte hierarchische Wertung der Genauigkeit der selbigen zu formulieren.

**D**ata-generating mechanisms: Daten-generierende Modelle in der vorliegenden Simulationsstudie

Zunächst wurde eine Parametermatrix durch faktorielle Kombination der zu variierenden Designparameter mit jeweils 1000 Wiederholungen pro Szenario angelegt und der Startwert 30121988 für die Pseudozufallszahlen festgelegt:

```
nsim = 1000 # number of repetitions
set.seed(30121988) # random seed key

grid <- expand.grid(sim = 1:nsim, # 1000 repetitions

hr = c(0.1,0.3,0.5,0.7,0.9), # true hazard ratios

nobs = c(100,500,1000), # trial sizes

r_c = round_half_up(c(4,2,1,1/2,1/4),2), # allocation ratios

r_t = 1,

lambda_c = c(0.25,0.5,0.75), # baseline event rates

censoring = c("none","exp0.5","unif0.5")) # censoring rates</pre>
```

Im Anschluss wurde eine Datenmatrix, deren Zeilen jeweils einer simulierten Beobachtung, also einem Patienten, entsprachen, bestehend aus vier Kovariablen, mithilfe der folgenden Pseudozufallszahlengeneratoren erzeugt:

#### 1) Binäre Kovariable "Treatment"

```
r = r_c + r_t # corresponds to allocation ratios

group_0 = (nobs/r)*r_c # unrounded size of control arm

group_1 = (nobs/r)*r_t # unrounded size of treatment arm

group_c = round_half_up(group_0,0) # rounded size of control arm

group_t = nobs-group_c # rounded size of treatment arm

treatment = c(rep(0,group_c), rep(1,group_t)) # treatment indicator
```

#### 2) Univariat exponentialverteilte Kovariable "Survivaltime"

```
lambda_t = lambda_c*HR # event rate of treatment arm
survtimec = rexp(n=group_c, rate=lambda_c) # survival time of control arm
survtimet = rexp(n=group_t, rate=lambda_t) # survival time of treatment arm
survivaltime = c(survtimec, survtimet) # survival times of both arms
```

- 3) Univariat exponential-/uniformverteilte Kovariable "Censoring" und
- 4) Univariat exponentialverteilte Kovariable "Observed" in Abhängigkeit von der Zensierungsrate

```
duration = 60 # simulated trial observation time in months

accrualt = runif(n=nobs,min=0,max=12) # uniformly distributed accrual time

followupt = duration-accrualt # follow-up time

    if (censoring == "none") { # no additional censoring

    censoring = ifelse(survivaltime > followupt,0,1) # censoring at trial end only

observed = pmin(survivaltime, followupt) # observed time (censored/event)

    } else if (censoring == "exp0.5") { # exponential distribution

    C <- rexp(n=nobs, rate=0.5) # exponentially distributed variable

    censoring <- as.numeric(survivaltime <= C) # censoring status

observed = pmin(C, survivaltime, followupt) # observed time (censored/event)

    } else if (censoring == "unif0.5") {# uniform distribution

    C <- runif(n=nobs,min=0,max=2*survivaltime) # uniformly distributed variable

    censoring <- as.numeric(survivaltime <= C) # censoring status

observed = pmin(C, survivaltime, followupt) # observed time (censored/event)

}</pre>
```

Der Matrixstruktur der Daten-generierenden Modelle entsprechend erfolgte die Simulation zeilenweise, wobei eine Zeile der Datenmatrix jeweils einer simulierten Überlebenszeitstudie entsprach und jeweils 1000 Wiederholungen bzw. Zeilen einem Szenario (also einer faktoriellen Kombination der zu variierenden Designparameter).

# Estimands: zu schätzende Zielgrößen der vorliegenden Simulationsstudie

Um die Genauigkeit der direkten und indirekten Berechnungsmethoden für log(HR) zu evaluieren sollten i) die mittlere Abweichung der log(HR)-Schätzer von den wahren  $log(HR_{true})$ -Werten (Bias) und ihre Präzision in Form der Streuung (Precision) quantifiziert werden. Um die var(log(HR)) und etwaige Gewichtung zu beurteilen sollten ii) die inversen der var(log(HR))-Schätzer evaluiert werden.

Im Nachgang sollte auf Grundlage der vorliegenden Genauigkeiten der Schätzmethoden eine hierarchische Ordnung der selbigen im Sinne einer szenarienspezifischen Verwendungsempfehlung formuliert werden.

## **M**ethods: beobachtete log HRs und Varianzen

Als Bestandteil der faktoriellen Designparameter der vorliegenden Simulationsstudie wurden die vorgegebenen Hazard Ratios von 0.1 bis 0.9 in Schritten von 0.2 iteriert:

$$HR_{true} = h_1(t)/h_0(t) = \{0.1, 0.3, 0.5, 0.7, 0.9\}$$

Da sich die überwiegende Mehrheit publizierter Überlebenszeitanalysen der semiparametrischen *Cox-Regression* bedient,<sup>12</sup> wurde basierend auf den vier Kovariablen
der per Pseudozufallszahlengeneratoren erzeugten Datenmatrix (*Treatment, Survivaltime, Censoring, Observed,* s.o.) zunächst eine solche mithilfe der "coxph"Funktion aus dem R-Paket "survival" berechnet (Version 3.2-3; Therneau, 2020), um
dann die in etwaigen fiktiven Publikationen beobachteten *log(HR<sub>obs</sub>)* und  $var(log(HR_{obs}))$ , sowie 95% Konfidenzintervalle und P-Werte dementsprechend zu
bestimmen:<sup>25</sup>

#### **Cox-Regression**

```
coxph <- coxph(Surv(observed, censoring)~treatment, data) # Cox PH model

# Corresponding hazard ratio rounded to two decimal places:

HRobs = round_half_up(exp(coef(coxph))[[1]],2)

# Lower 95% confidence interval limit rounded to two decimal places:

L95 = round_half_up(exp(confint(coxph))[[1]],2)

# And limited to 0.01:

Low95obs <- ifelse(L95 == 0, 0.01, L95)

# Upper 95% confidence interval limit rounded to two decimal places:

Up95obs = round_half_up(exp(confint(coxph))[[2]],2)

# Corresponding p-value rounded to three decimal places (p < 0.001):

pvals = round_half_up(summary(coxph)$sctest['pvalue'][[1]],3)

# And limited to 0.0001:

pvalobs <- ifelse(pvals == 0, 0.0001, pvals)</pre>
```

```
# Corresponding log(HRobs):
lnHRobs = coef(summary(coxph))[,'coef']
# Corresponding var(log(HRobs)):
lnVobs = diag(coxph$var)
```

Dabei wurden Hazard Ratios und Konfidenzintervallgrenzen entsprechend des *American Psychological Association* (APA) "Numbers and Statistics Guide" auf zwei Nachkommastellen und P-Werte auf drei Nachkommastellen gerundet, um den üblichen Konventionen und damit dem Reporting etwaiger fiktiver Publikationen zu entsprechen.<sup>26</sup>

#### Methoden 1 bis 9 nach Tierney

Im Anschluss wurden die direkten und indirekten Berechnungsmethoden für log(HR) und var(log(HR)) aus Tierney et al. auf denselben Datensatz angewendet. Diese umfassen fünf Methoden zur approximativen Berechnung des Hazard Ratio und sechs Methoden zur approximativen Berechnung der Log-Rang-Varianz.

#### Berechnungen der HR nach Tierney:

$$HR = \frac{observed \ events \ research/logrank \ expected \ events \ research}{observed \ events \ control/logrank \ expected \ events \ control} \tag{4}$$

$$HR = exp \left[ \frac{observed - expected\ events\ research\ (O-E)}{variance\ of\ the\ logrank\ test\ statistic} \right] \tag{5}$$

where O-E is the logrank observed minus expected events

$$O - E = \sqrt{\frac{observed \ events \ research \times observed \ events \ control}{total \ observed \ events}} \times \Phi^{-1} \left(1 - \frac{p}{2}\right)$$
 (6)

where p is the reported p-value of the study to be included then using equation (5)

$$0 - E = \frac{1}{2} \times \sqrt{total \ observed \ events} \times \Phi^{-1} \left( 1 - \frac{p}{2} \right)$$
 (7)

where p is the reported p-value of the study to be included then using equation (5)

$$O - E = \sqrt{\frac{total\ observed\ events \times analyzed\ research \times analyzed\ control}{analyzed\ research + analyzed\ control}} \times \Phi^{-1} \left(1 - \frac{p}{2}\right)$$
 (8)

where p is the reported p-value of the study to be included then using equation (5)

### Berechnungen der log var nach Tierney:

$$logrank \ variance = \frac{1}{(1/expected \ events \ research) + (1/expected \ events \ control)}$$
 (9)

$$logrank \ variance = \frac{observed - expected \ evens \ research \ (O - E)}{log(HR)} \tag{10}$$

$$logrank \ variance = 1 / \left[ \frac{log(upper 95\% \ CI \ limit) - \ log(lower 95\% \ CI \ limit)}{2 \times \Phi^{-1} \left(1 - \alpha/2\right)} \right]^2 \tag{11}$$

where  $\alpha$  is the significance level stated in the study to be included

$$logrank \ variance = \frac{observed \ events \ research \times observed \ events \ control}{total \ observed \ events}$$
 (12)

$$logrank \ variance = \frac{total \ observed \ events}{4} \tag{13}$$

$$logrank \ variance = \frac{total \ observed \ events \times analyzed \ research \times analyzed \ control}{(analyzed \ research + analyzed \ control)^2} \tag{14}$$

Dem Kontext der Metaanalyse Rechnung tragend wurden die o.g. Formeln zur approximativen Bestimmung der Hazard Ratio und Log-Rang-Varianz um die nachfolgenden Umwandlungen in die korrespondierenden log(HR) und var(log(HR)) direkt erweitert:

#### Berechnung der log(HR) und var(log(HR)):

$$log(HR) \cong log_{a}(HR) \tag{15}$$

$$var(log(HR)) = \frac{1}{\log var} \tag{16}$$

Die aufgeführten direkten und indirekten Berechnungsmethoden für log(HR) und var(log(HR)) setzen sich wie folgt zu neun Methoden, abhängig vom Informationsgehalt der berichteten Studien, zusammen:

#### - Material und Methoden -

 Methode 1 (Anzahl beobachteter und erwarteter Ereignisse oder Ausfallraten von Kontroll- und Experimentalgruppe werden berichtet):

> $InHR_{dir}1: (4)$ var( $InHR_{dir}$ )1: (9)

 Methode 2 (Differenz zwischen beobachteten und unter Nullhypothese erwarteten Ereignissen und Varianz der Log-Rang-Teststatistik werden berichtet):

> InHR<sub>dir</sub>2: ( 5 ) var(InHR<sub>dir</sub>)2: ( 10 )

 Methode 3 (Hazard Ratio und 95% Konfidenzintervall werden berichtet):

> InHR<sub>indir</sub>1: HRobs var(InHR<sub>indir</sub>)1: ( 11 )

 Methode 4 (Hazard Ratio und Anzahl der Ereignisse von Kontrollund Experimentalgruppe bei einer Allokationsrate von 1 zu 1 werden berichtet):

> InHR<sub>indir</sub>2: HRobs var(InHR<sub>indir</sub>)2: (12)

 Methode 5 (Hazard Ratio und Gesamtanzahl der Ereignisse bei einer Allokationsrate von 1 zu 1 werden berichtet):

> InHR<sub>indir</sub>3: HRobs var(InHR<sub>indir</sub>)3: (13)

 Methode 6 (Hazard Ratio und Gesamtanzahl der Ereignisse werden berichtet, wobei nicht alle randomisierten Patienten ausgewertet wurden):

> InHR<sub>indir</sub>4: HRobs var(InHR<sub>indir</sub>)4: (14)

 Methode 7 (P-Wert und Anzahl der Ereignisse von Kontroll- und Experimentalgruppe bei einer Allokationsrate von 1 zu 1 werden berichtet):

```
InHR<sub>indir</sub>5: (6)
var(InHR<sub>indir</sub>)5: (12)
```

 Methode 8 (P-Wert und Gesamtanzahl der Ereignisse bei einer Allokationsrate von 1 zu 1 werden berichtet):

```
InHR<sub>indir</sub>6: (7)
var(InHR<sub>indir</sub>)6: (13)
```

 Methode 9 (P-Wert und Gesamtanzahl der Ereignisse bei einer Allokationsrate ungleich 1 zu 1 werden berichtet):

```
InHR<sub>indir</sub>7: ( 8 )
var(InHR<sub>indir</sub>)7: ( 14 )
```

## Berechnungsmethoden nach Tierney umgesetzt in RStudio

Der Struktur der Datenmatrix entsprechend erfolgte die Ausweitung zeilenweise, mit einer simulierten Überlebenszeitstudie pro Zeile. Die nachfolgenden Ergebnisvektoren wurden daher zeilenweise pro Simulationsdurchgang befüllt, wobei jede log(HR)- und var(log(HR))-Schätzmethode auf dieselbe simulierte Überlebenszeitstudie angewendet wurde.

```
# Total number of simulated patients:
Obs = nrow(data)
# Number of simulated patients per study arm:
Res = sum(data$treatment)
Con = Obs-Res
# Logrank statistic:
logrank <- survdiff(Surv(observed, censoring)~treatment, data)
m <- survfit(Surv(observed, censoring)~treatment, data)</pre>
```

#### - Material und Methoden -

```
# METHOD 1 #
lnHRdir1 = log((logrank$obs[2]/logrank$exp[2])/(logrank$obs[1]/logrank$exp[1]))
lnVdir1 = 1/(1/(1/logrank$exp[2] + 1/logrank$exp[1]))
# METHOD 2 #
   O Edir = logrank$obs[2]-logrank$exp[2]
   Vdir2 = O Edir^2/logrank$chisq
 lnHRdir2 = log(exp(O Edir/Vdir2))
 lnVdir2 = 1/Vdir2
# METHOD 3 #
lnHRindir1 = lnHRobs
lnVindir1 = ((log(Up95obs) - log(Low95obs)) / (2*qnorm(1-0.05/2)))^2
# METHOD 4 #
lnHRindir2 = lnHRobs
lnVindir2 = 1/((logrank$obs[2]*logrank$obs[1])/(logrank$obs[2]+logrank$obs[1]))
# METHOD 5 #
lnHRindir3 = lnHRobs
 lnVindir3 = 1/((logrank$obs[2]+logrank$obs[1])/4)
# METHOD 6 #
lnHRindir4 = lnHRobs
lnVindir4 = 1/(((logrank$obs[2]+logrank$obs[1])*Con*Res)/(Con+Res)^2)
# METHOD 7 #
    O Eindir5 = -(sqrt((logrank$obs[2]*logrank$obs[1]/
                      (logrank$obs[2]+logrank$obs[1]))))*(qnorm(1-pvalobs/2))
```

Dabei muss auf Unterschiede in der Berechnung der Hazard Ratios auf Grundlage der Log-Rang-Teststatistik versus der Cox-Regression hingewiesen werden, die im Nachgang diskutiert werden. <sup>25,27,28</sup>

**P**erformance measures 1: Erwartungstreue und Verzerrtheit der Punktschätzer für log(HR) in der vorliegenden Simulationsstudie

#### **Verzerrtheit (Bias)**

Neben der Ausgabe der arithmetischen Mittelwerte der Punktschätzer für log(HR) sollen Erwartungstreue versus systematischer Fehler der approximativen Schätzmethoden jeweils als mittlere Abweichung vom "wahren" vorgegebenen  $HR_{true}$  bzw.  $log(HR_{true})$  als Maß für die Verzerrtheit quantifiziert werden (Bias):<sup>24</sup>

Monte Carlo Standardfehler Messgröße Definition Schätzer

Bias 
$$\mathbb{E}[\hat{\theta}] - \theta \quad \frac{1}{n_{sim}} \sum_{i=1}^{n_{sim}} \hat{\theta}_i - \theta \quad \sqrt{\frac{1}{n_{sim} \times (n_{sim} - 1)} \sum_{i=1}^{n_{sim}} (\hat{\theta} - \bar{\theta})^2}$$

n<sub>sim</sub> = Anzahl der Simulationsdurchläufe

 $\hat{\theta}_i$  = geschätztes log(HR) pro Simulationsdurchlauf

## Monte Carlo Standardfehler des Bias (MCSE)

Der dazugehörige Monte Carlo Standardfehler (MCSE) misst dabei die der stochastischen Natur der Simulationsstudie geschuldete Unsicherheit, die durch die endliche Zahl der Wiederholungen begründet ist. Er ist somit ein Maß für die inhärente Streuung der Simulationsergebnisse selbst und somit für die Präzision der Simulation.

#### Varianz der Punktschätzer

Die Varianz der Punktschätzer gibt Auskunft über die Streuung der Schätzmethoden:

Messgröße Definition Schätzer  $Var(\widehat{\theta}) = \frac{1}{n_{sim}} \sum_{i=1}^{n_{sim}} (\widehat{\theta}_i - \overline{\theta})^2$ Varianz

n<sub>sim</sub> = Anzahl der Simulationsdurchläufe

 $\hat{\theta}_i$  = geschätztes log(HR) pro Simulationsdurchlauf

#### **Der mittlere quadrierte Fehler (MSE)**

Der mittlere quadrierte Fehler (MSE) entspricht der erwarteten quadratischen Abweichung und setzte sich aus Varianz und Bias zusammen, ist somit ein kombiniertes Maß für Verzerrtheit und Streuung (Genauigkeit):

Messgröße	Definition	Schätzer
MSE	$\mathrm{E}\left[\left(\hat{\theta}-\theta\right)^{2}\right]$	$\frac{1}{n_{sim}} \sum_{i=1}^{n_{sim}} (\hat{\theta}_i - \theta)^2$

n<sub>sim</sub> = Anzahl der Simulationsdurchläufe

 $\hat{\theta}_i$  = geschätztes log(HR) pro Simulationsdurchlauf

#### Die Wurzel des mittleren quadrierten Fehlers (RMSE)

Um die Interpretation des mittleren quadrierten Fehlers durch Wiederherstellung des ursprünglichen Skalenniveaus der Schätzer zu erleichtern, wird die Wurzel gebildet (*RMSE*):

#### calculate\_performances()

Um alle vorgenannten Berechnungen zu ermöglichen, wurde die "calc\_absolute"-Funktion aus dem "simhelpers" Paket von Joshi und Pustejovsky umprogrammiert:<sup>29</sup>

```
calculate performances <- function(res dat, estimates, true param,</pre>
perfm criteria = c("Estimate", "Variance", "Bias", "MCSE", "MSE", "RMSE"))
 estimates <- res dat %>% # define data set
    dplyr::filter(!is.na({{estimates}})) %>% # exclude NAs
    dplyr::pull({{estimates}}) # pull estimates from data set
 Iterations <- length(estimates) # number of iterations (nsim)</pre>
 true param <- res dat %>% dplyr::pull({{true param}}) # pull true parameters
 true param <- true param[1] # set true parameters</pre>
# calculate sample stats:
 t bar <- mean(estimates) # mean of estimates
 var t <- var(estimates) # variance of estimates</pre>
 bias <- t bar - true param # bias of estimates</pre>
 s t <- sd(estimates) # standard deviation of estimates
 mse <- mean((estimates - true_param)^2) # calculate mse</pre>
# initialize tibble:
 dat <- tibble::tibble(Iterations = Iterations)</pre>
```

#### - Material und Methoden -

```
if("Estimate" %in% perfm_criteria) { #POINT ESTIMATES
  dat <- dat %>%
    dplyr::mutate(Theta = t bar)
}
 if("Variance" %in% perfm criteria) { #VARIANCE OF POINT ESTIMATES
  dat <- dat %>%
    dplyr::mutate(Variance = var t)
 if("Bias" %in% perfm criteria) { #BIAS OF POINT ESTIMATES
  dat <- dat %>%
    dplyr::mutate(Bias = bias)
}
 if("MCSE" %in% perfm_criteria) { #MCSE OF BIAS
  dat <- dat %>%
     dplyr::mutate(MCSE = sqrt(var t / Iterations),
                   Lower = bias-qnorm(0.975)*MCSE,
                   Upper = bias+qnorm(0.975) *MCSE)
 if("MSE" %in% perfm_criteria) { #MSE
  dat <- dat %>%
    dplyr::mutate(MSE = mse)
}
if("RMSE" %in% perfm criteria) { #RMSE
  dat <- dat %>%
    dplyr::mutate(RMSE = sqrt(mse))
return (dat)
```

**P**erformance measures 2: Punktschätzer für var(log(HR)) und jeweiliger prozentualer Gewichtanteil in der vorliegenden Simulationsstudie

Neben der Beurteilung der Genauigkeit der *log(HR)*-Punktschätzer (Formeln 4 bis 8), sollen die *var(log(HR))*-Punktschätzer (Formeln 9 bis 14) inkl. der dazugehörigen simulationsbedingten Standardfehler ausgegeben werden (MCSE).

### calculate\_variances()

Um die Varianzschätzer und Standardfehler auszugeben, wurde die "calc\_absolute"-Funktion aus dem "simhelpers" Pakets nochmals wie folgt umprogrammiert:<sup>29</sup>

```
calculate variances <- function(res dat, estimates,</pre>
output = c("Estimate", "Variance", "MCSE"))
 estimates <- res dat %>% # define data set
   dplyr::filter(!is.na({{estimates}})) %>% # exclude NAs
   dplyr::pull({{estimates}}) # pull estimates from data frame
 Iterations <- length(estimates) # number of iterations (nsim)</pre>
# calculate sample stats:
 t bar <- mean(estimates) # mean of estimates</pre>
 var t <- var(estimates) # variance of estimates</pre>
 s t <- sd(estimates) # standard deviation of estimates
# initialize tibble:
 dat <- tibble::tibble(Iterations = Iterations)</pre>
 if("Estimate" %in% output) { #POINT ESTIMATES
   dat <- dat %>%
      dplyr::mutate(Theta = t bar)
 if("Variance" %in% output) { #VARIANCE OF POINT ESTIMATES
    dat <- dat %>%
     dplyr::mutate(Variance = var t)
```

```
if("MCSE" %in% output) { #STANDARD ERROR OF POINT ESTIMATES

  dat <- dat %>%

  dplyr::mutate(MCSE = sqrt(var_t / Iterations))
}

return(dat)
}
```

#### **Relative Studiengewichte**

Der inversen Varianz-Methode im Festeffekte-Modell entsprechend, sollen auf Grundlage der beobachteten Varianzen der Cox-Regression und der approximativ berechneten var(log(HR))-Punktschätzer (Formeln 9 bis 14) relative Studiengewichte für jede Schätzmethode nach den Formeln 1 und 3 bestimmt werden.

```
# Sum of weights:
Weigths all$total <- 1/Weigths all$lnVobs +
                     1/Weigths all$lnVdir1 +
                     1/Weigths all$lnVdir2 +
                     1/Weigths all$lnVindir1 +
                     1/Weigths all$lnVindir2 +
                     1/Weigths all$lnVindir3 +
                     1/Weigths all$lnVindir4
# Relative study weight for COX Model [in percent]:
Weigths_all$COX = (1/Weigths_all$lnVobs)/Weigths_all$total*100
# Relative study weight for Method 1 [in percent]:
Weigths all$Dir1 = (1/Weigths all$lnVdir1)/Weigths all$total*100
# Relative study weight for Method 2 [in percent]:
Weigths all$Dir2 = (1/Weigths all$lnVdir2)/Weigths all$total*100
# Relative study weight for Method 3 [in percent]:
Weigths all$Indir1 = (1/Weigths all$InVindir1)/Weigths all$total*100
# Relative study weight for Method 4 [in percent]:
Weigths_all$Indir2 = (1/Weigths_all$lnVindir2)/Weigths_all$total*100
```

#### - Material und Methoden -

```
# Relative study weight for Method 5 [in percent]:
Weigths_all$Indir3 = (1/Weigths_all$InVindir3)/Weigths_all$total*100
# Relative study weight for Method 6 [in percent]:
Weigths_all$Indir4 = (1/Weigths_all$InVindir4)/Weigths_all$total*100
# Note:
Methods 7 through 9 comprise the same variance estimators as Methods 4 through 6
```

So sollen die zeilenweise pro simuliertem Überlebenszeitdatensatz berechneten relativen Gewichte der Schätzmethoden und der Cox-Regression untereinander verglichen werden, wobei sich die inverse Gesamtvarianz aus den inversen Varianzen der Cox-Regression und der Schätzmethoden zusammensetzt. Neben der Beurteilung der Genauigkeit der Schätzmethoden, soll so die ihnen im Rahmen einer etwaigen Metaanalyse potentiell zuteilwerdende Gewichtung simuliert und beurteilt werden.

## **Ergebnisse**

## Erzeugte Ergebnisdatenmatrix

Nach 12.1 Tagen Rechenzeit enthielt die ausgegebene Ergebnisdatenmatrix 675000 Zeilen, entsprechend 675000 simulierten Überlebenszeitstudien mit 675 faktoriell variierten Szenarien, und 35 Spalten. In insgesamt 1356 Fällen hatte der Pseudozufallszahlengenerator ein beobachtetes Hazard Ratio von 0 erzeugt, in zwei Fällen ein beobachtetes Hazard Ratio von über 10. Nach Entfernung der vorgenannten Iterationen, verblieb ein Datensatz von 673642 simulierten Studien:

## Deskriptive Statistik der Ergebnisdatenmatrix "GRID"

Im Folgenden wird die Ausgabe der "summary"-Funktion, angewendet auf die Ergebnisdatenmatrix "GRID", abgedruckt, welche eine spaltenweise Deskription der Ergebnisvektoren mit Minima und Maxima sowie 25%-Quantilen ausgibt:

```
# Simulation numbers, simulated trial sizes, allocation ratios, baseline hazards
        sim
                       nobs
                                                      r t
                                                               lambda c
                                       r c
   Min. : 1.0
                   Min. : 100.0
                                 Min. :0.250
                                                Min. :1
                                                            Min.
                                                                  :0.2500
   1st Qu.: 250.0
                   1st Qu.: 100.0
                                 1st Qu.:0.500
                                                1st Qu.:1
                                                            1st Qu.:0.2500
   Median: 500.0 Median: 500.0 Median: 1.000
                                                Median :1
                                                            Median : 0.5000
                  3rd Qu.:1000.0
                                  3rd Qu.:2.000
   3rd Ou.: 750.0
                                                            3rd Ou.:0.7500
                                                 3rd Qu.:1
        :1000.0
                  Max. :1000.0
                                  Max. :4.000
                                                 Max. :1
                                                            Max. :0.7500
   Max.
# Given true HR, censoring distributions, given log(true HR), number of scenario
                                       lnhr
                                                      Scenario
                     censoring
  Min.
        :0.1000
                 none :224999
                                 Min. :-2.3030
                                                   Min. : 1.0
  1st Qu.:0.3000
                                                   1st Qu.:169.0
                   exp0.5 :223750
                                 1st Qu.:-1.2040
  Median :0.5000
                  unif0.5:224893 Median :-0.6930
                                                  Median :339.0
   3rd Ou.:0.7000
                                  3rd Ou.:-0.3570
                                                  3rd Qu.:507.0
   Max. :0.9000
                                  Max. :-0.1050
                                                   Max.
                                                         :675.0
# Number of patients on control/research arms, observed HR and lower 95%CI bound
##
        Con
                      Res
                                                   Low95obs
                                    HRobs
        : 20.0
                Min. : 20.0
                               Min. :0.0100
                                                Min. :0.0100
   1st Qu.: 67.0 1st Qu.: 67.0 1st Qu.:0.2500
                                                1st Qu.:0.1500
                                Median :0.4800
   Median :200.0 Median :200.0
                                                Median :0.3300
```

#### - Ergebnisse -

```
## 3rd Qu.:400.0 3rd Qu.:400.0 3rd Qu.:0.7400 3rd Qu.:0.5400
## Max. :800.0 Max. :800.0 Max. :7.1100 Max. :2.1400
# Upper 95%CI bound, p-value of Cox Regression, log (observed HR) and variance
    Up95obs
                  pvalobs
                                lnHRobs
                                            lnVobs
## Min. : 0.0400 Min. :0.0001 Min. :-5.2619 Min. :0.004006
## 1st Qu.: 0.3600 1st Qu.:0.0001 1st Qu.:-1.3800 1st Qu.:0.012235
## Median: 0.6800 Median: 0.0001 Median: -0.7297 Median: 0.024175
## 3rd Qu.: 1.0300 3rd Qu.:0.0670 3rd Qu.:-0.3078 3rd Qu.:0.080226
## Max. :52.6400 Max. :1.0000 Max. : 1.9616 Max. :2.214175
# Results of Methods 1 and 2:
## lnHRdir1 lnVdir1 lnHRdir2 lnVdir2
## Min. :-4.5327 Min. :0.00400 Min. :-13.6626 Min. :0.004007
## 1st Qu.:-1.1874 1st Qu.:0.01026
                                 1st Qu.: -1.5007 1st Qu.:0.011284
## Median:-0.6787 Median:0.02195 Median:-0.7455 Median:0.023314
## 3rd Qu.:-0.2999 3rd Qu.:0.07310 3rd Qu.: -0.3084 3rd Qu.:0.078886
  Max. : 1.9277 Max. :4.25325 Max. : 2.2348 Max. :4.434986
# Results of Methods 3 and 4:
   lnHRindir1 lnVindir1 lnHRindir2 lnVindir2
##
## Min. :-5.2619 Min. :0.003636 Min. :-5.2619 Min. :0.004000
## 1st Qu.:-1.3800 1st Qu.:0.012332 1st Qu.:-1.3800 1st Qu.:0.009352
## Median:-0.7297 Median:0.024358 Median:-0.7297 Median:0.019883
## 3rd Qu.:-0.3078 3rd Qu.:0.079352 3rd Qu.:-0.3078 3rd Qu.:0.062500
## Max. : 1.9616 Max. :1.986843 Max. : 1.9616 Max. :2.000000
# Results of Methods 5 and 6:
   lnHRindir3 lnVindir3 lnHRindir4 lnVindir4
 Min. :-5.2619 Min. :0.00400 Min. :-5.2619 Min. :0.004000
## 1st Qu.:-1.3800 1st Qu.:0.00800 1st Qu.:-1.3800 1st Qu.:0.009238
## Median:-0.7297 Median:0.01587 Median:-0.7297 Median:0.018731
## 3rd Qu.:-0.3078 3rd Qu.:0.04040 3rd Qu.:-0.3078 3rd Qu.:0.062500
```

```
## Max. : 1.9616 Max. :2.00000 Max. : 1.9616 Max. :3.125000
# Results of Methods 7 and 8:
    lnHRindir5 lnVindir5 lnHRindir6 lnVindir6
  Min. :-4.4925 Min. :0.004000 Min. :-3.8906 Min. :0.00400
  1st Qu.:0.00800
 Median :-0.4149 Median :0.019883 Median :-0.3501 Median :0.01587
  3rd Qu.:-0.2612 3rd Qu.:0.062500 3rd Qu.:-0.2461
                                           3rd Qu.:0.04040
  Max. : 0.0000 Max. :2.000000 Max. : 0.0000 Max. :2.00000
# Results of Method 9:
    lnHRindir7 lnVindir7
##
 Min. :-4.8632 Min. :0.004000
  ## Median :-0.4067 Median :0.018731
  3rd Qu.:-0.2612 3rd Qu.:0.062500
  Max. : 0.0000 Max. :3.125000
```

Performance measures der log(HR)-Schätzmethoden pro Hazard Ratio Tabelle 2 listet die Ergebnisse der Funktion calculate performances() angewendet auf die Ergebnisvektoren der Cox-Regression (Spalte "InHRobs") und der Methoden 1, 2, 7, 8 und 9 (Spalten "InHRdir1", "InHRdir2", "InHRindir5", "InHRindir6" und "InHRindir7"), stratifiziert nach den vorgegebenen  $HR_{true} = \{0.1, 0.3, 0.5, 0.7, 0.9\}$ . Die Spalte "Methods" bezeichnet die jeweils analysierte Auswertungsmethode und die Spalte "Iterations" die Anzahl der zugrundeliegenden Simulationen. Die Spalte "Theta" enthält die arithmetischen Mittelwerte der geschätzten log(HR) und die Spalte "Variance" die dazugehörigen empirischen Varianzen, wobei pro Methode und vorgegebenem Hazard Ratio über alle Szenarien mit jeweils n<sub>sim</sub> = 1000 pro Szenario gepoolt wurde (s. "Material und Methoden: Szenarien der vorgelegten Simulationsstudie"). Die Spalten "Bias" und "MCSE", sowie "Lower" und "Upper" enthalten die mittleren Schätzmethoden vom vorgegebenen Abweichungen der  $log(HR_{true}),$ dazugehörigen Standardfehler und ihre 95% Konfidenzintervalle. Die Spalten "MSE" und "RMSE" listen schließlich die mittleren quadrierten Fehler und ihre Wurzeln.

Method	Iterations	Theta	Variance	Bias	MCSE	Lower	Upper	MSE	RMSE
Summary Statistics	and Bias for	Methods 1	through 9 w	ith HR true	= 0.1 [log(l	HR true) = -	2.303]:		
InHRobs	133747	-2.41090	0.12654	-0.10790	0.00097	-0.10981	-0.10600	0.13819	0.37174
InHRdir1	133747	-1.77653	0.15318	0.52647	0.00107	0.52437	0.52857	0.43035	0.65601
InHRdir2	133747	-2.76677	1.62501	-0.46377	0.00349	-0.47060	-0.45693	1.84008	1.35650
InHRindir5	133747	-0.85878	0.38353	1.44422	0.00169	1.44090	1.44754	2.46930	1.57140
InHRindir6	133747	-0.66268	0.16118	1.64032	0.00110	1.63817	1.64247	2.85182	1.68873
InHRindir7	133747	-0.74545	0.21434	1.55755	0.00127	1.55507	1.56003	2.64031	1.62490
Summary Statistics and Bias for Methods 1 through 9 with HR true = 0.3 [log(HR true) = -1.204]:									
InHRobs	134916	-1.26173	0.06748	-0.05773	0.00071	-0.05911	-0.05634	0.07081	0.26610
InHRdir1	134916	-1.08705	0.04585	0.11695	0.00058	0.11581	0.11810	0.05952	0.24398
InHRdir2	134916	-1.39466	0.23268	-0.19066	0.00131	-0.19323	-0.18809	0.26903	0.51868
InHRindir5	134916	-0.67691	0.13971	0.52709	0.00102	0.52510	0.52909	0.41754	0.64617
InHRindir6	134916	-0.58227	0.08994	0.62173	0.00082	0.62013	0.62333	0.47649	0.69028
InHRindir7	134916	-0.65358	0.11573	0.55042	0.00093	0.54861	0.55224	0.41869	0.64707
Summary Statistics	and Bias for	Methods 1	through 9 w	ith HR true	= 0.5 [log(l	HR true) = -	0.693]:		
InHRobs	134982	-0.72711	0.05319	-0.03411	0.00063	-0.03534	-0.03288	0.05435	0.23313
InHRdir1	134982	-0.67303	0.03996	0.01997	0.00054	0.01891	0.02104	0.04036	0.20090
InHRdir2	134982	-0.76549	0.08387	-0.07249	0.00079	-0.07403	-0.07094	0.08912	0.29854
InHRindir5	134982	-0.53252	0.06074	0.16048	0.00067	0.15916	0.16179	0.08649	0.29410
InHRindir6	134982	-0.46892	0.04310	0.22408	0.00057	0.22297	0.22519	0.09331	0.30547
InHRindir7	134982	-0.52544	0.05452	0.16756	0.00064	0.16631	0.16880	0.08260	0.28740
Summary Statistics	and Bias for	Methods 1	through 9 w	ith HR true	= 0.7 [log(l	HR true) = -	0.357]:		
InHRobs	134998	-0.37503	0.04632	-0.01803	0.00059	-0.01917	-0.01688	0.04665	0.21598
InHRdir1	134998	-0.35973	0.03968	-0.00273	0.00054	-0.00380	-0.00167	0.03968	0.19920
InHRdir2	134998	-0.38353	0.05323	-0.02653	0.00063	-0.02776	-0.02530	0.05394	0.23224
InHRindir5	134998	-0.36267	0.03361	-0.00567	0.00050	-0.00665	-0.00470	0.03365	0.18343
InHRindir6	134998	-0.32214	0.02493	0.03486	0.00043	0.03402	0.03570	0.02614	0.16169
InHRindir7	134998	-0.36026	0.03146	-0.00326	0.00048	-0.00421	-0.00232	0.03148	0.17741
Summary Statistics	and Bias for	Methods 1	through 9 w	ith HR true	= 0.9 [log(l	HR true) = -	0.105]:		
InHRobs	134999	-0.11029	0.04365	-0.00529	0.00057	-0.00641	-0.00418	0.04368	0.20900
InHRdir1	134999	-0.10726	0.03961	-0.00226	0.00054	-0.00332	-0.00120	0.03961	0.19903
InHRdir2	134999	-0.11143	0.04607	-0.00643	0.00058	-0.00758	-0.00529	0.04611	0.21473
InHRindir5	134999	-0.17347	0.02427	-0.06847	0.00042	-0.06930	-0.06764	0.02896	0.17017
InHRindir6	134999	-0.15361	0.01799	-0.04861	0.00037	-0.04933	-0.04790	0.02035	0.14267
InHRindir7	134999	-0.17230	0.02308	-0.06730	0.00041	-0.06811	-0.06649	0.02761	0.16617

Tab. 2: Über alle Szenarien gemittelte Punktschätzer für log(HR) gemäß Cox-Regression und Methoden 1, 2, 7, 8 und 9 ("Theta") mit dazugehöriger mittlerer Abweichung ("Bias") inkl. Standardfehler ("MCSE") vom jeweiligen log(HR<sub>true</sub>) (vgl. kursive Zwischenüberschriften).

### Gepoolte log(HR)-Schätzer pro Hazard Ratio

Abbildung 5 visualisiert die Verteilung der log(HR)-Schätzer, stratifiziert nach den vorgegebenen  $HR_{true} = \{0.1, 0.3, 0.5, 0.7, 0.9\}$ , anhand jeweils um  $log(HR_{true})$  zentrierter Dichtekurven:

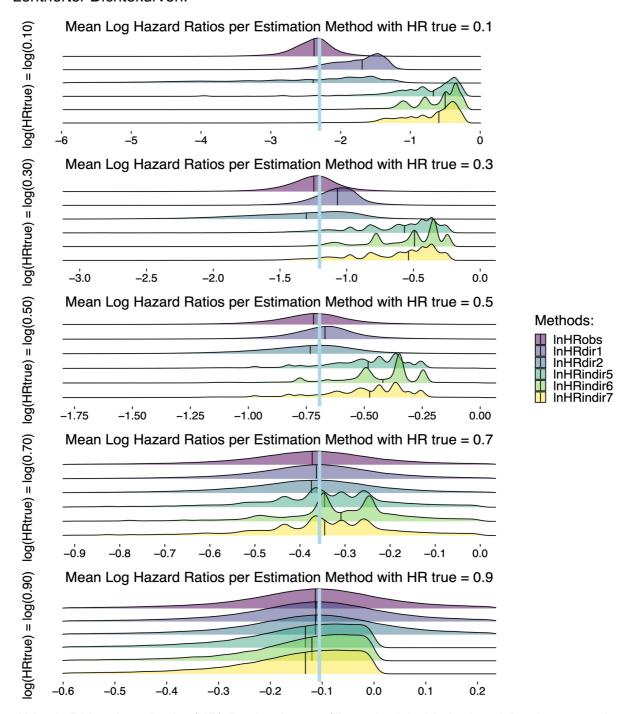


Abb. 4: Ridgeplots der log(HR)-Punktschätzer (Formeln 4-8, Methoden 1-2,7-9, gestapelte Dichtekurven mit Median). Die hellblauen Vertikalen markieren die vorgegebenen log(HR<sub>true</sub>).

### Gepoolter Bias der log(HR)-Schätzer pro Hazard Ratio

Abbildung 6 visualisiert die mittleren Abweichungen der log(HR)-Schätzer von den jeweiligen  $log(HR_{true})$ -Werten anhand jeweils um 0 zentrierter Fehlerbalken, analog stratifiziert nach den vorgegebenen  $HR_{true} = \{0.1, 0.3, 0.5, 0.7, 0.9\}$ :

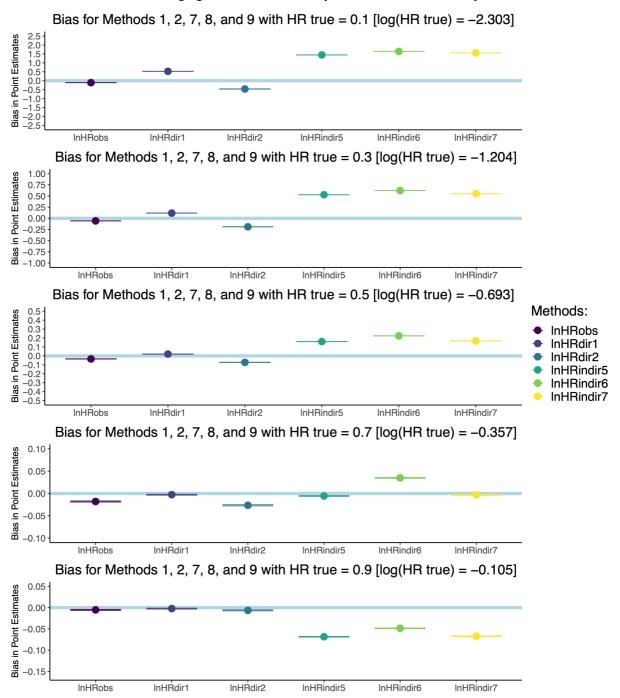


Abb. 5: Fehlerbalkendiagramme der absoluten mittleren Abweichungen der log(HR)-Punktschätzer (Formeln 4-8, Methoden 1-2,7-9, x-Achse). Die hellblauen Horizontalen markieren einen absoluten Bias von 0, entsprechend unverzerrten Schätzern. Der Beträge der Abweichungen nehmen mit steigendem log(HR<sub>true</sub>) ab, weshalb die Skalierung der y-Achsen feiner wird.

Gepoolte log(HR)-Schätzer und gepoolter Bias pro Hazard Ratio unter faktorieller Variation der Designparameter "Allocation Ratio", "Baseline Hazard", "Censoring Distribution" und "Trial Size"

Nach globaler Anwendung der Funktion *calculate\_performances()* auf den lediglich nach den vorgegebenen  $HR_{true} = \{0.1, 0.3, 0.5, 0.7, 0.9\}$  stratifizierten Ergebnisdatensatz, wurde die Auswertung im nächsten Schritt um eine weitere Subgruppierung der stratifizierten Datensätze anhand der faktoriell variierten Designparameter erweitert. Die Abbildungen 7 bis 16 visualisieren nachfolgend jeweils paarweise anhand von Fehlerbalkendiagrammen zum einen und anhand von gestapelten Dichtekurven zum anderen den Einfluss verschiedener Allokationsraten (die jeweiligen Paneele sind mit "A)" für "Allocation Ratio" gekennzeichnet), verschiedener Basisausfallraten (die jeweiligen Paneele sind mit "B)" für "Baseline Hazard" gekennzeichnet), verschiedener Zensierungsraten (die jeweiligen Paneele sind mit "C)" für "Censoring Distribution" gekennzeichnet) und verschiedener Gesamtfallzahlen (die jeweiligen Paneele sind mit "S)" für "Trial Size" gekennzeichnet). Die zugrundeliegenden Daten sind in Analogie zu Tabelle 2 in den Tabellen 4 bis 23 im Anhang abgedruckt.

Bias und Verteilung der Punktschätzer unter faktorieller Variation der Designparameter "Allocation Ratio", "Baseline Hazard", "Censoring Distribution" und "Trial Size" bei Hazard Ratio von 0.1:

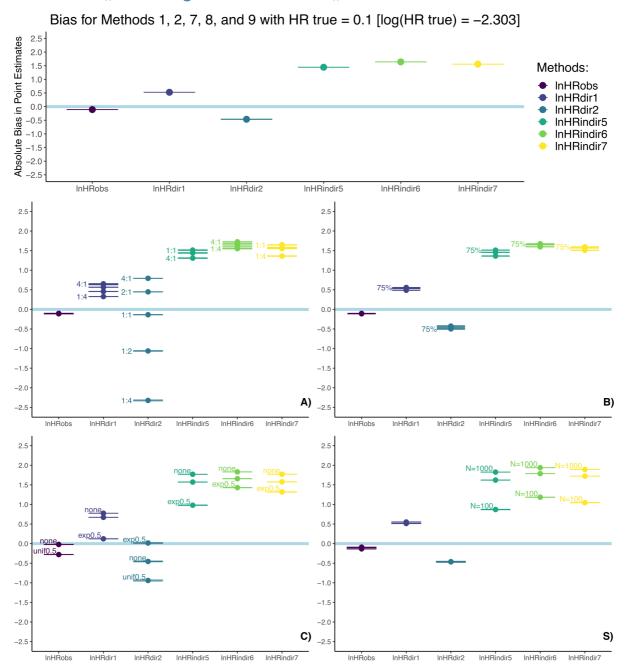


Abb. 6: Abweichungen der log(HR)-Punktschätzer bei vorgegebenem Hazard Ratio von 0.1; gepoolt (oben) und unter Veränderung der Allokationsrate (A), Basisausfallrate (B), Zensierungsrate (C) und Gesamtfallzahl (S). Die auf berichteten P-Werten basierenden Methoden 7 bis 9 (vgl. Formeln 6 bis 8) weisen den höchsten Bias auf, denn höhere Fallzahlen und kleinere P-Werte verzerren die zugrundeliegenden Schätzer stark (S). Unbalanzierte Allokationsraten (A) hingegen verzerren insbesondere die Schätzmethode 2 (vgl. Formel 5). Zensierungen beeinflussen alle Schätzer (C), haben jedoch den geringsten Einfluss auf die Cox-Regression (InHRobs). Die hellblauen Referenzlinien markieren jeweils einen Bias von 0.

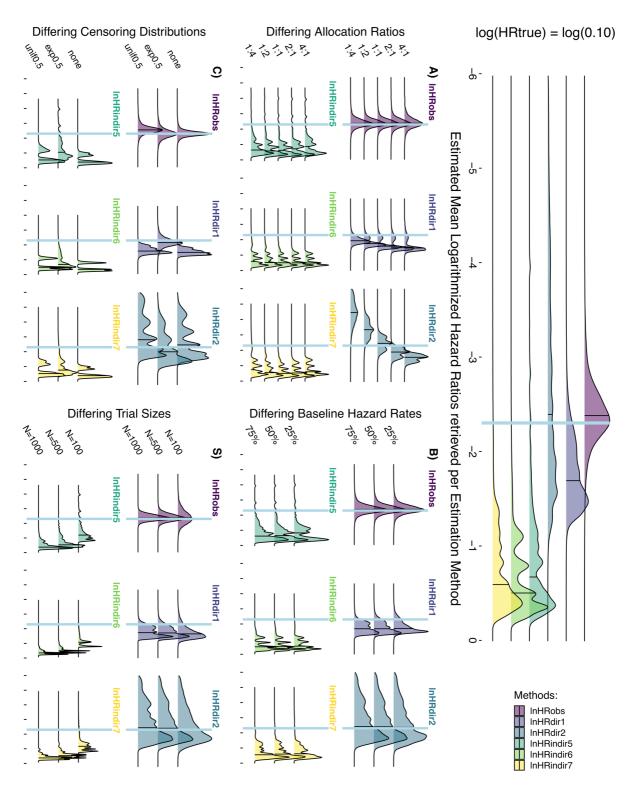


Abb. 7: Ridgeplots (gestapelte Dichtekurven mit Kennzeichnung des Median) der Verteilungen der log(HR)-Punktschätzer bei vorgegebenem Hazard Ratio von 0.1; gepoolt (rechts) und unter Veränderung von Allokationsrate (A), Basisausfallrate (B), Zensierungsrate (C) und Gesamtfallzahl (S). Die hellblauen Referenzlinien markieren das vorgegebenen log(HR<sub>true</sub>). In Übereinstimmung mit Abb. 6 liegen die Methoden 7 bis 9 (InHRindir5 bis 7) am weitesten vom wahren Wert entfernt und wird die Schätzmethode 2 durch unbalanzierte Allokationsraten bidirektional verzerrt, was eine breite Streuung ihrer gepoolten Dichtekurve bedingt (InHRdir2).

Bias und Verteilung der Punktschätzer unter faktorieller Variation der Designparameter "Allocation Ratio", "Baseline Hazard", "Censoring Distribution" und "Trial Size" bei Hazard Ratio von 0.3:

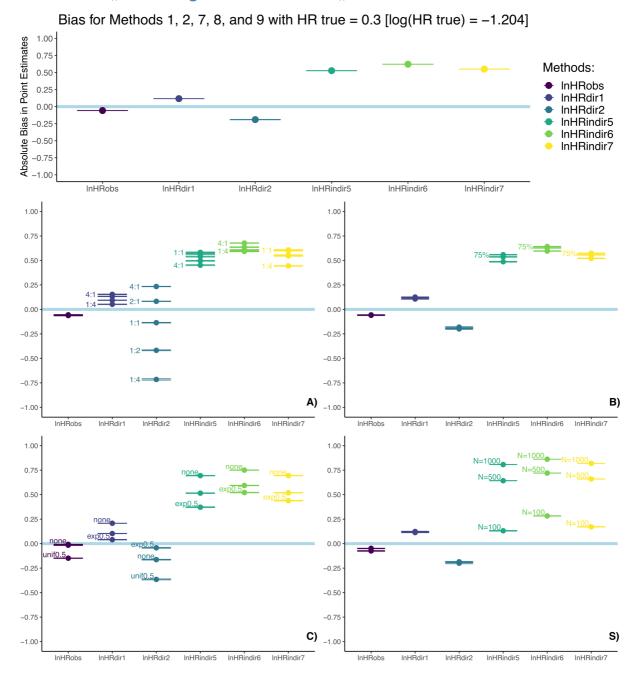


Abb. 8: Abweichungen der log(HR)-Punktschätzer bei vorgegebenem Hazard Ratio von 0.3; gepoolt (oben) und unter Veränderung der Allokationsrate (A), Basisausfallrate (B), Zensierungsrate (C) und Gesamtfallzahl (S). Die auf berichteten P-Werten basierenden Methoden 7 bis 9 (vgl. Formeln 6 bis 8) weisen wiederum bei hohen Fallzahlen und kleinen P-Werten starke Verzerrungen auf (S). Unbalanzierte Allokationsraten, insbesondere zugunsten der Experimentalgruppe (A), verzerren dagegen die Methode 2 (Formel 5). Zensierungen beeinflussen alle Schätzer (C), haben jedoch einen geringeren Einfluss auf Schätzer der Cox-Regression und Methode 1. Die hellblauen Referenzlinien markieren jeweils einen Bias von 0.

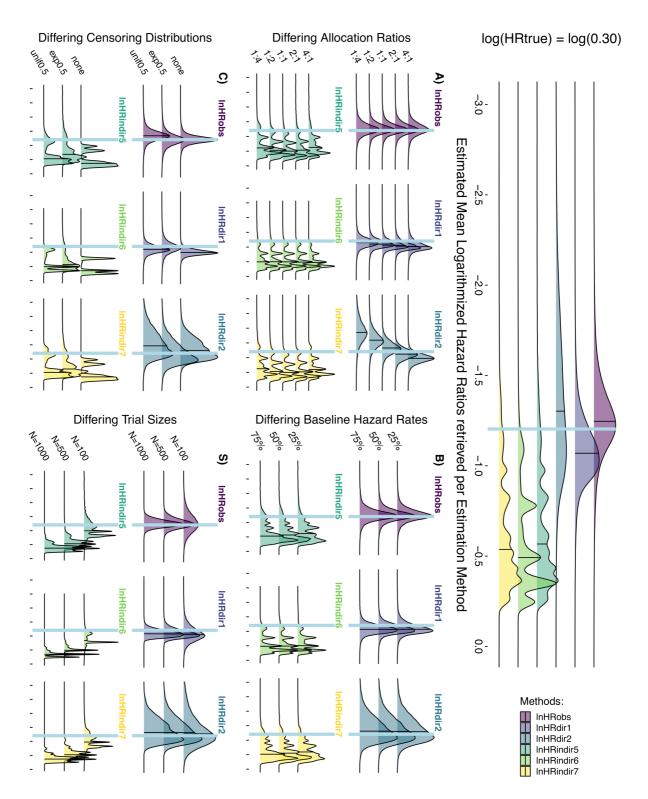


Abb. 9: Ridgeplots der Verteilungen der log(HR)-Schätzer mit Kennzeichnung des Median bei vorgegebenem Hazard Ratio von 0.3; gepoolt (rechts) und unter Veränderung von Allokationsrate (A), Basisausfallrate (B), Zensierungsrate (C) und Gesamtfallzahl (S). Die hellblauen Referenzlinien markieren das vorgegebene log(HR<sub>true</sub>). In Übereinstimmung mit Abb. 8 liegen die Schätzmethoden 7 bis 9 (InHRindir5 bis 7) bei Fallzahlen über 100 (S) und die Schätzmethode 2 bei unbalanzierten Allokationsraten (A) weit vom wahren Wert entfernt (InHRdir2).

Bias und Verteilung der Punktschätzer unter faktorieller Variation der Designparameter "Allocation Ratio", "Baseline Hazard", "Censoring Distribution" und "Trial Size" bei Hazard Ratio von 0.5:

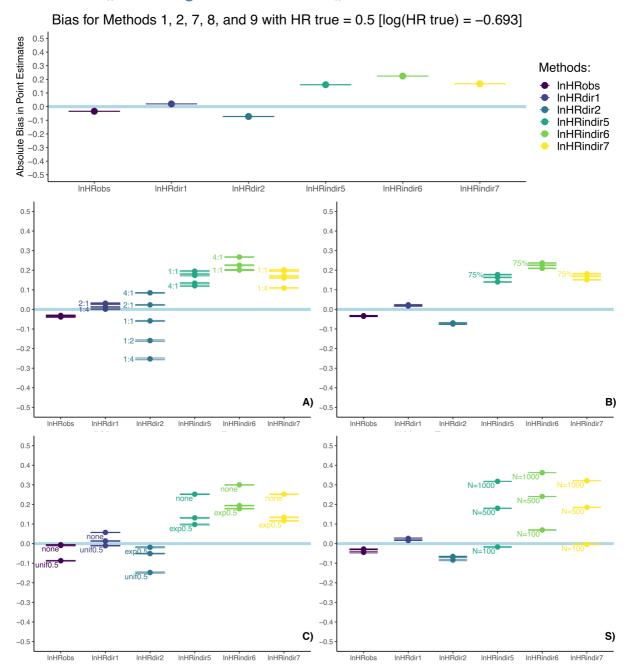


Abb. 10: Abweichungen der log(HR)-Punktschätzer bei vorgegebenem Hazard Ratio von 0.5; gepoolt (oben) und unter Veränderung der Allokationsrate (A), Basisausfallrate (B), Zensierungsrate (C) und Gesamtfallzahl (S). Nachwievor weisen die Methoden 7 bis 9 (Formeln 6 bis 8) bei Gesamtfallzahlen von 1000 und entsprechend kleinen P-Werten deutliche Verzerrungen auf (S). Die Schätzmethode 2 (Formel 5) wird weiterhin von extremen Allokationsimbalancen zugunsten der Experimentalgruppe deutlich verzerrt (A). Zensierungen beeinflussen weiterhin alle Schätzer (C). Die hellblauen Referenzlinien markieren jeweils einen Bias von 0.

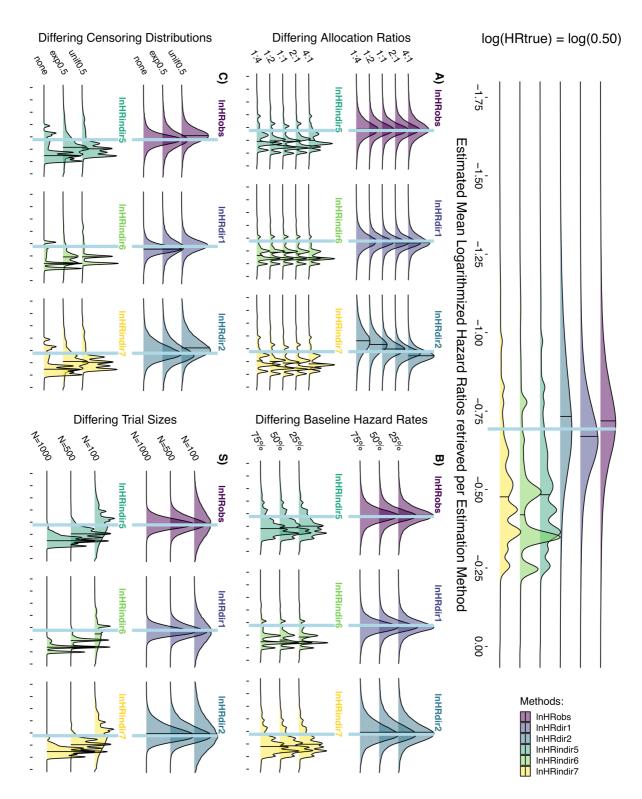


Abb. 11: Ridgeplots der Verteilungen der log(HR)-Schätzer mit Kennzeichnung des Median bei vorgegebenem Hazard Ratio von 0.5; gepoolt (rechts) und unter Veränderung von Allokationsrate (A), Basisausfallrate (B), Zensierungsrate (C) und Gesamtfallzahl (S). Die hellblauen Referenzlinien markieren das vorgegebenen log(HR<sub>true</sub>). In Übereinstimmung mit Abb. 10 liegen die Verteilungen der Schätzwerte nunmehr zum einen insgesamt weniger weit von den wahren Werten entfernt und zum anderen mit ähnlichen Streubreiten. Die Methoden 7 bis 9 (InHRindir5 bis 7) weichen bei hohen Fallzahlen (S) dennoch deutlich ab.

Bias und Verteilung der Punktschätzer unter faktorieller Variation der Designparameter "Allocation Ratio", "Baseline Hazard", "Censoring Distribution" und "Trial Size" bei Hazard Ratio von 0.7:

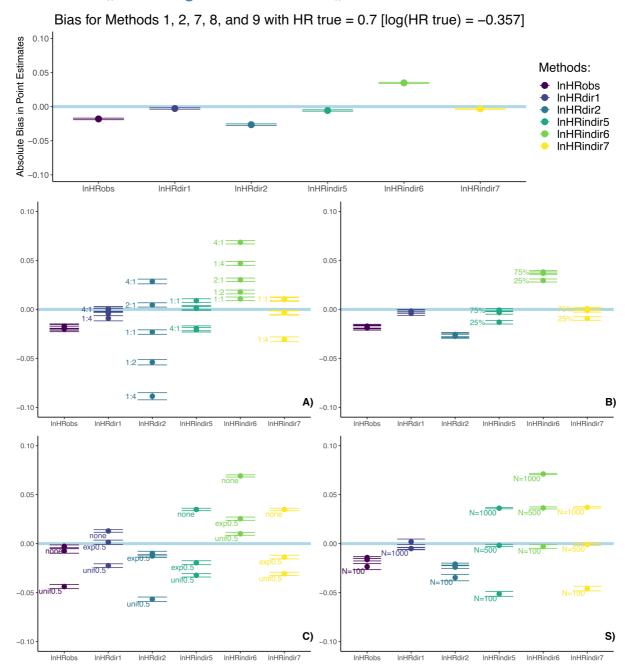


Abb. 12: Abweichungen der log(HR)-Punktschätzer bei vorgegebenem Hazard Ratio von 0.7; gepoolt (oben) und unter Veränderung der Allokationsrate (A), Basisausfallrate (B), Zensierungsrate (C) und Gesamtfallzahl (S). Die Beträge der Abweichungen sind nun deutlich geringer. Die Methoden 2 (Formel 5), und 8 (Formel 7) sind global betrachtet am stärksten verzerrt, was insbesondere auf Szenarien mit Allokationsimbalancen zurückzuführen ist (A). Verschiedene Zensierungsmuster (C) beeinflussen alle Schätzer in verschiedene Richtungen. Hohe Fallzahlen bedingen eine positive Verzerrung des Punktschätzers 8, niedrige Fallzahlen hingegen eine negative Verzerrung der Punktschätzers 7 und 9 (S).

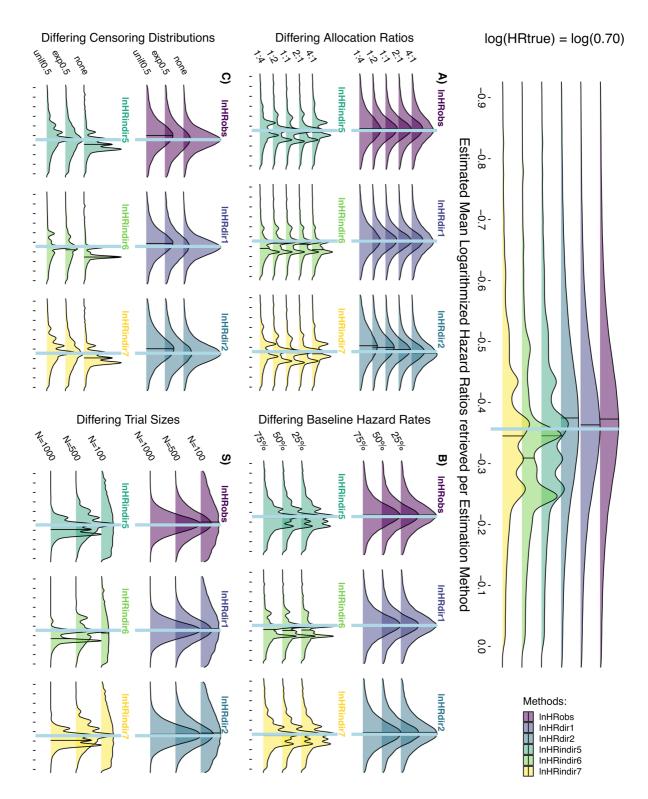


Abb. 13: Ridgeplots der Verteilungen der log(HR)-Schätzer mit Kennzeichnung des Median bei vorgegebenem Hazard Ratio von 0.7; gepoolt (rechts) und unter Veränderung von Allokationsrate (A), Basisausfallrate (B), Zensierungsrate (C) und Gesamtfallzahl (S). Die hellblauen Referenzlinien markieren das vorgegebenen log(HR<sub>true</sub>). In Übereinstimmung mit Abb. 12 liegen die Verteilungen der Schätzwerte nah am wahren log(HR<sub>true</sub>), mit Ausnahme der Schätzmethode 8. Diese weist bei extremen Allokationsimbalancen (A) und hohen Fallzahlen (S) deutliche positive Kurvenverschiebungen auf (InHRdir6).

Bias und Verteilung der Punktschätzer unter faktorieller Variation der Designparameter "Allocation Ratio", "Baseline Hazard", "Censoring Distribution" und "Trial Size" bei Hazard Ratio von 0.9:

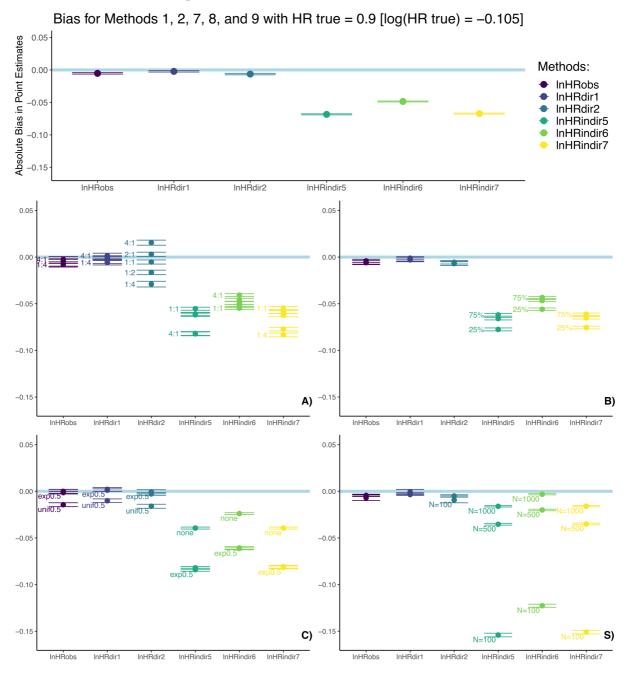


Abb. 14: Abweichungen der log(HR)-Punktschätzer bei vorgegebenem Hazard Ratio von 0.9; gepoolt (oben) und unter Veränderung der Allokationsrate (A), Basisausfallrate (B), Zensierungsrate (C) und Gesamtfallzahl (S). Die Beträge der Abweichungen sind nachwievor gering. Leidglich die auf berichteten P-Werten basierenden Methoden 7 bis 9 (vgl. Formeln 6 bis 8) sind mit einer nunmehr negativen Abweichung assoziiert, was insbesondere auf Szenarien mit Allokationsimbalancen (A), geringeren Basisausfallraten (B), sowie niedrigeren Eregnisinzidenzen aufgrund von etwaigen Zensierungen (C) und geringeren Fallzahlen (S) zurückzuführen ist.

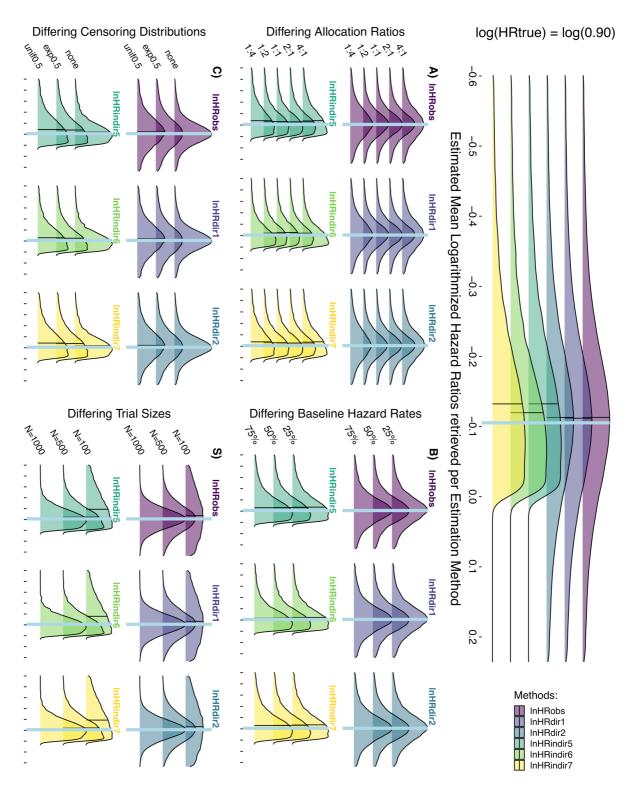


Abb. 15: Ridgeplots der Verteilungen der log(HR)-Schätzer mit Kennzeichnung des Median bei vorgegebenem Hazard Ratio von 0.9; gepoolt (rechts) und unter Veränderung von Allokationsrate (A), Basisausfallrate (B), Zensierungsrate (C) und Gesamtfallzahl (S). Die hellblauen Referenzlinien markieren das vorgegebenen log(HR<sub>true</sub>). In Übereinstimmung mit Abb. 14 liegen die Verteilungen aller Schätzwerte nah am wahren Wert, mit Ausnahme der Schätzmethoden 7 bis 9 (InHRindir5 bis 7) bei niedrigen Fallzahlen (S).

## Performance measures der var(log(HR))-Punktschätzer

Tabelle 3 listet die Ergebnisse der Funktion *calculate\_variances()* angewendet auf die Ergebnisvektoren der Cox-Regression (Spalte "InVobs") und der Methoden 1 bis 6 (Spalten "InVdir1", "InVdir2", "InVindir1", "InVindir2", "InVindir3" und "InVindir4"). Die Spalte "Methods" bezeichnet die jeweils analysierte Auswertungsmethode und die Spalte "Iterations" die Anzahl der zugrundeliegenden Simulationen. Die Spalte "Theta" enthält die arithmetischen Mittelwerte der geschätzten *var(log(HR))* und die Spalte "Variance" die dazugehörigen empirischen Varianzen, wobei pro Methode und vorgegebenem Hazard Ratio über alle Szenarien mit jeweils n<sub>sim</sub> = 1000 pro Szenario gepoolt wurde (s. "Material und Methoden: Szenarien der vorgelegten Simulationsstudie"). Die Spalten "MCSE" und "Lower" bzw. "Upper" enthalten die dazugehörigen Standardfehler und ihre 95% Konfidenzintervalle.

### Pooled Variance Estimators for Methods 1 through 6

Method	Iterations	Theta	Variance	MCSE	Lower	Upper
InVobs	673642	0.06356	0.01104	0.00013	0.06331	0.06381
InVdir1	673642	0.05507	0.00723	0.00010	0.05487	0.05527
InVdir2	673642	0.05914	0.00823	0.00011	0.05893	0.05936
InVindir1	673642	0.06252	0.00946	0.00012	0.06229	0.06276
InVindir2	673642	0.05182	0.00773	0.00011	0.05161	0.05203
InVindir3	673642	0.03479	0.00190	0.00005	0.03468	0.03489
InVindir4	673642	0.04452	0.00346	0.00007	0.04438	0.04466

Tab. 3: Über alle Szenarien gemittelte Punktschätzer für var(log(HR)) gemäß Cox-Regression und Methoden 1 bis 6 ("Theta") mit dazugehöriger empirischer Varianz ("Variance") inkl. Standardfehler ("MCSE") und 95% Konfidenzintervall.

# Relative Studiengewichte basierend auf verschiedenen var(log(HR))-Schätzern unter faktorieller Variation aller Designparameter

Nach der globalen Anwendung von *calculate\_variances()* auf den unstratifizierten Ergebnisdatensatz, wurde die Auswertung im nächsten Schritt anhand aller faktoriell variierten Designparameter durchgeführt. Mithilfe der inversen Varianz-Methode wurden sodann die relativen Gewichte etwaiger Überlebenszeitstudien bestimmt,

deren Inklusion in eine etwaige Metaanalyse Datenextraktionen mittels der Methoden 1 bis 6 (bzw. 1 bis 9) notwendig machen würde (s. "Material und Methoden: Performance measures 2: Relative Studiengewichte"). Abbildung 17 visualisiert die resultierenden relativen Studiengewichte im Vergleich zur Verwendung der Cox-Regression:

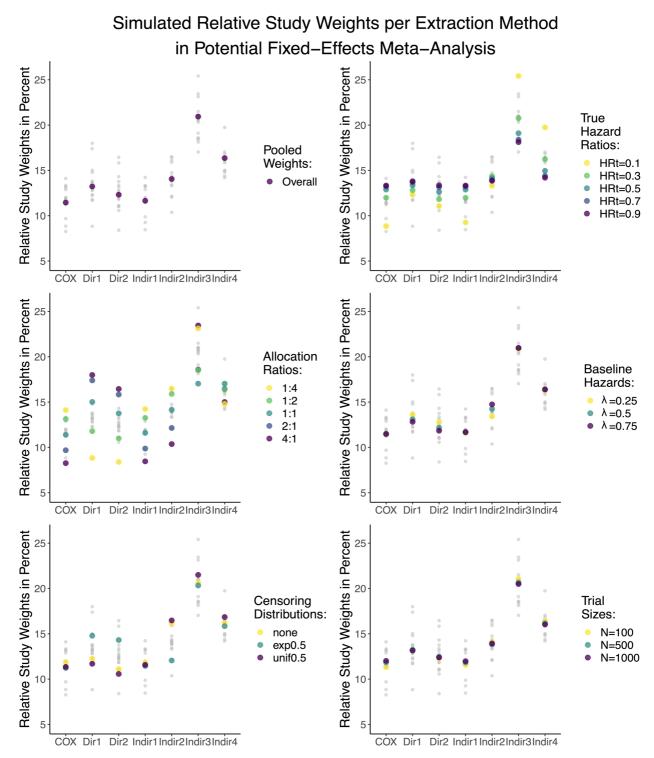


Abb. 16: Scatterplots simulierter relativer Studiengewichte ermittelt mithilfe der inversen Varianz-Methode auf Grundlage der var(log(HR))-Schätzer der Methoden 1 bis 6 (Formeln 9 bis 14).

Die var(log(HR))-Schätzer der Methoden 7 bis 9 entsprechen dabei denen der Methoden 4 bis 6 und sind daher nicht mit abgebildet (InVdir5 ≜ InVdir2, InVdir6 ≜ InVdir3 und InVdir7 ≜ InVdir4). Die Methoden 5 und 6 bzw. 8 und 9 schätzen deutlich geringere Varianzen im Vergleich zur Cox-Regression. Eingeschlossene Studien basierend auf anhand dieser Methoden extrahierter Daten (Formeln 13 und 14) erhalten im Verhältnis deutlich höhere Gewichte.

Wie auch die Ergebnisse der Subgruppenanalysen mithilfe der calculate\_performances()-Funktion in Form der Tabellen 4 bis 23, sind die zugrundeliegenden Daten (gemäß Anwendung der calculate\_variances()-Funktion) als Tabellen 24 bis 28 im Anhang zu finden.

### **Diskussion und Fazit**

Im Folgenden wird die Motivation für die vorliegende Simulationsstudie nochmals dargelegt und die zugrundeliegende Fragestellung hergeleitet sowie anhand der bis dato verfügbaren Literatur zu eben jener Fragestellung a priori zu erwartende Trends beleuchtet. Sodann werden die Ergebnisse der vorliegenden Simulationsstudie zusammengefasst und im Anschluss im Bezug zu den Ihnen zugrundeliegenden Berechnungsmethoden interpretiert und bewertet. Als Fazit wird abschließend eine szenarienbasierte Anwendungsempfehlung der untersuchten Methoden unter Berücksichtigung ihrer Performancegrenzen auf Grundlage der Ergebnisse formuliert. Im Nachgang werden wichtige Limitationen der vorliegende Simulationsstudie erläutert und Ansatzpunkte für weiterführende Untersuchungen aufgezeigt.

### Rekapitulation der Ausgangslage und Motivation der Fragestellung

Die Erkenntnissynthese publizierter biomedizinischer Studien anhand systematischer Reviews und Metanalysen ist unverzichtbarer Bestandteil der Evidenz-basierten Medizin.<sup>3,5,13</sup> Allerdings werden insbesondere im Kontext der Überlebenszeitanalyse die dafür benötigten Kenngrößen, d.h. Hazard Ratio und dazugehörige Streuung, in der biomedizinischen Fachliteratur häufig nicht ausreichend berichtet. 10-12 Um etwaige Studien dennoch berücksichtigen zu können, wurden zahlreiche Schätzmethoden zur Approximation der Hazard Ratios und ihrer dazugehörigen Varianzen aus aggregierten Daten veröffentlicht. 9,16-19 Allerdings warnen die jeweiligen Autoren vor potentiell zunehmender Ungenauigkeit der Schätzmethoden, gerade bei kleineren Fallzahlen, niedrigeren Eventraten, starken Therapieeffekten und Gruppenimbalancen, ergo im Falle von Szenarien, welche in der klinischen Realität nicht selten anzutreffen sind. 9,19-21 Eine systematische Untersuchung der Genauigkeit der Schätzmethoden fehlte jedoch bislang, genauso wie daraus potentiell ableitbare Anwendungsempfehlungen. Die vorliegende Arbeit hatte daher zum Ziel den potentiellen Einfluss verschiedener Designparameter auf die Performance der vorgeschlagenen Schätzmethoden zu quantifizieren und eine Empfehlung zum situationsspezifischen Umgang mit den Schätzmethoden abzuleiten.

# Anhand bisher verfügbarer Literatur erwartbarer Ergebnisanteil

### Bias der log(HR<sub>obs</sub>)-Schätzer im Cox-Modell

Zunächst muss der im Rahmen der Simulationsstudie kalkulierte Bias der Cox-Regression diskutiert werden. Die berechneten  $log(HR_{obs})$ -Werte wichen im Mittel zwischen -0.108 und -0.005 von den  $log(HR_{true})$ -Werten ab. Die Schätzer der Cox-Regression wiesen also einen negativen Bias auf. Im Falle eines "wahren" Hazard Ratios von 0.1 betrug der  $log(HR_{obs})$ -Schätzer -2.411 entsprechend einem Hazard Ratio von 0.0897. Im Falle eines "wahren" Hazard Ratios von 0.9 betrug der  $log(HR_{obs})$ -Schätzer -0.110 entsprechend einem Hazard Ratio von 0.896. Die Abweichungen waren also stets negativ und größer im Falle größerer Therapieeffekte bzw. kleiner im Falle kleinerer Therapieeffekte. Diese geringfügigen Abweichungen waren jedoch aufgrund der Verwendung von (Rechts-) Zensierungen zu erwarten.

### Bias der approximativen *log(HR)*- und var(*log(HR)*)-Schätzer

Parmar und Kollegen warnten bereits vor potentiellen Problemen mit ungenau berichteten P-Werten und damit assoziierten Verzerrungen bei der Verwendung der selbigen zur Kalkulation von Therapieeffekten.9 Somit war eine Anfälligkeit der Methoden 7 bis 9 für Rundungsfehler zu erwarten. Zudem hatten Parmar et al. relevante Verzerrungen der log(HR)-Schätzmethode 2 im Falle Gesamtereigniszahlen beobachtet.9 Dementsprechend wäre eine Anfälligkeit der Methode 2 für niedrigere Eventraten zu erwarten gewesen. Darüber hinaus wiesen die Autoren auf eine potentielle Fehlschätzung der Varianz mithilfe der Approximation  $var(HR) \approx Gesamtereignisse/4$  (Formel 13) in Szenarien mit großen Therapieeffekten und unbalanzierten Allokationsverhältnissen hin.9 Somit war eine Anfälligkeit der Methoden 5 und 8 in solchen Szenarien zu erwarten. Jayne Tierney machte darüber hinaus in ihrer Publikation deutlich, dass Methoden 4 und 5 im Falle unbalanzierter Studiendesigns unangebracht seien, da die Varianz falsch geschätzt würde. 19 Von einer potentiellen Fehlgewichtung unbalanzierter Studien, deren var(log(HR))-Werte mittels dieser Methoden geschätzt würden, war daher auszugehen. Zudem wiederholte sie die warnenden Worte Parmars bzgl. ungenau berichteter P-Werte.<sup>19</sup>

Zusammenfassung der Ergebnisse der vorliegenden Simulationsstudie In der vorliegenden Simulationsstudie wurde der Einfluss verschiedener Therapieeffektstärken, unbalanzierter Allokationsraten, unterschiedlicher Basisausfallund Zensierungsraten, sowie der Gesamtfallzahl auf die Performance approximativer

log(HR)- und var(log(HR))-Punktschätzer untersucht. Hierzu wurden exponentialverteilte rechtszensierte Überlebenszeitdaten mit 1000 Wiederholungen pro spezifischer faktoriell alterierter Kombination der vorgenannten Designparameter simuliert und diese mittels Cox-Regression versus vorgenannter Schätzmethoden analysiert. Dabei wurden folgende Beobachtung gemacht:

### Bias und MCSE der approximativen log(HR)-Schätzer

Alle fünf untersuchten log(HR)-Schätzmethoden wiesen einen Bias im Vergleich zu den jeweils vorgegebenen log(HR<sub>true</sub>)-Werten auf, wobei der Betrag der Abweichung tendenziell mit abnehmendem Therapieeffekt ebenso abnahm. Die log(HR)-Schätzmethode 1 (vgl. Formel 4) wies dabei im Mittel die geringsten Verzerrungen auf. Diese bewegten sich zwischen 0.526 und -0.002, was relativen Abweichungen von weniger als 25% entspricht (s. Tab. 2). Methode 2 (vgl. Formel 5) wies im Mittel die höchste Streuung bzw. geringste Präzision auf. Die breiteste Streuung der Schätzwerte zeigte sich dabei unter Variation der Allokationsverhältnisse mit Abweichungen von -34% bis +101% bei vorgegebenem Hazard Ratio von 0.1 und von -15% bis +28% bei vorgegebenem Hazard Ratio von 0.9 (s. Tab. 4 und 20 im Anhang). Die auf berichteten P-Werten basierenden Methoden 7 bis 9 (vgl. Formeln 6 bis 8) wiesen im Mittel die höchste gepoolte Verzerrung auf, nämlich -63%, -71%, -68% bei HR<sub>true</sub> von 0.1 und 65%, 46%, 64% bei HR<sub>true</sub> von 0.9. Entsprechend dem Zusammenhang zwischen Fallzahl bzw. Ereigniszahl und P-Wert, wiesen die Designparameter Gesamtfallzahl und Zensierungsrate einen großen Einfluss auf die Schätzmethoden 7 bis 9 auf. Die dazugehörigen MCSE lagen stets unter 0.005.

Interpretation und Bewertung der Ergebnisse der vorliegenden Simulationsstudie

### Beobachteter Bias der log(HR)-Schätzer der Cox-Regression

Für den beobachteten Bias der *log(HR)*-Schätzer der Cox-Regression bieten sich mehrere Erklärungsansätze an. Insbesondere die Reduktion der beobachteten Ereignisse durch Zensierungen führt unweigerlich zur Zunahme der Ungenauigkeit im Cox-Modell, was beispielsweise auch bei der Fallzahlplanung berücksichtig werden muss.<sup>30</sup> In der vorliegenden Simulationsstudie erzeugte die Cox-Regression leicht negativ verzerrte *log(HR)*-Schätzer, schätzte also etwas größere Therapieeffekte. Dieselbe Beobachtung wurde bereits von Persson und Khamis in einer 2005 publizierten Simulationsstudie beschrieben, die unter proportionalen Hazards einen

Anstieg des Bias der Cox-Methode mit zunehmendem Anteil der Zensierungen und abnehmenden Gesamtfallzahlen beobachteten.<sup>31</sup> Analoge Verzerrungstrends bestätigen sich auch im Vergleich der absoluten Abweichungen der InHRobs-Schätzer in Szenarien mit zusätzlichen Zensierungen (s. Tab. 6, 10, 14, 18, 22 im Anhang) und in Szenarien mit geringeren Fallzahlen (s. Tab. 7, 11, 15, 19, 23 im Anhang).

### Beobachteter Bias der log(HR)-Schätzer der Methoden 1 bis 9

Schätzmethode 1 für das Hazard Ratio entspricht der direkten Berechnung des Verhältnisses der Hazardraten beider Gruppen (Formel 4). Dementsprechend zeigten sich im Großteil der Szenarien nur sehr geringe Verzerrungen des Schätzers. Auffällig war jedoch, dass in Szenarien mit vorgegebenem Hazard Ratio von 0.1 zu geringe Therapieeffekte berechnet wurden. Hierfür kommen entweder ein relativ zu großer Zähler (Hazardrate der Experimentalgruppe) oder aber ein relativ zu kleiner Nenner (Hazardrate der Kontrollgruppe) bei der Berechnung infrage. Dass sich in Szenarien mit einem Allokationsverhältnis von 1:4 der Bias nahezu halbierte (s. Tab. 4 im Anhang), scheint ein Hinweis auf eine relativ zu geringe berechnete Hazardrate der Kontrollgruppe zu sein. Ein weiteres Indiz für eine relativ zu geringe berechnete Hazardrate der Kontrollgruppe bietet ein Blick in Tabelle 6 im Anhang, die verdeutlicht, dass sich der Bias insbesondere unter exponentialverteilten Zensierungen reduzierte. Dieses Zensierungsmuster bedingt eine höhere Rate an Zensierungen zu Beginn des Beobachtungszeitraumes und damit gerade in Szenarien mit großen Therapieeffekten eine niedrigere Rate an beobachteten Events in der Kontrollgruppe. Schätzmethode 2 für das Hazard Ratio basiert auf dem Verhältnis der Differenz der beobachteten und erwarteten Ereignisse in der Experimentalgruppe (O-E) und der Varianz der Log-Rang-Teststatistik. Der Zähler dieses Verhältnisses, die vorgenannte Differenz O-E, wird maßgeblich durch unausgeglichene Allokationsverhältnisse beeinflusst und führt zur Schätzung geringerer Therapieeffekte bei Imbalancen zugunsten der Kontrollgruppe sowie zur Schätzung größerer Therapieeffekte bei Imbalancen zugunsten der Experimental gruppe (s. Abb. 6A, 8A, 10A, 12A, 14A und Tab. 4, 8, 12, 16, 20 im Anhang). Die jeweiligen Abweichungen der Punktschätzer der Methode 2 von den vorgegebenen log(HR<sub>true</sub>)-Werten waren dagegen im Falle von ausgeglichenen Allokationsverhältnissen gering. Die Eventrate für sich genommen, hatte entgegen der Vermutung von Parmar keinen starken Einfluss.9 Die Schätzmethoden 7, 8 und 9 stellen Abwandlungen der Methode 2 dar und unterscheiden sich in der Herleitung des Zählers, der bereits diskutierten Differenz O-E. Die Approximationen dieser Differenzen setzen sich in den Methoden 7, 8 und 9 jeweils aus Produkten zusammen, in die die Z-Werte der berichteten P-Werte einfließen (s. Formeln 6, 7 und 8). Da diese entsprechen der APA-Konvention in der vorliegenden Simulationsstudie auf drei Nachkommastellen gerundet wurden, ergibt sich für diesen Faktor ein maximaler Wert von  $\Phi^{-1}(1-0.001/2)=3.291$ . Durch so geartete Rundungsfehler fällt der Zähler in Formel 5 zu klein aus, was sich im positiven Bias der drei Schätzmethoden insbesondere in Szenarien mit großen Therapieeffekten niederschlägt (s. Tab. 2 oben). Der Informationsverlust durch Rundungsfehler im Vergleich zum exakten P-Wert nimmt mit höherer Gesamtfallzahl nobs zu, weshalb der positive Bias im Vergleich von n = 100 zu n = 1000 stark zunimmt (s. Abb. 6S und Tab. 7 im Anhang). Der vorgenannte Effekt des Informationsverlusts durch Rundungsfehler und damit die Verzerrung der Schätzmethoden 7, 8 und 9 dreht sich in Szenarien mit geringen Therapieeffekten allerdings um, da die exakten P-Werte nahe bei 1 liegen und hier auf 1 aufgerundet werden. Dies macht sich dann wiederum als negativer Bias der drei Schätzmethoden insbesondere in Szenarien mit kleinen Therapieeffekten bemerkbar (s. Tab. 2 unten). Hier nimmt der Informationsverlust durch Rundungsfehler im Vergleich zum exakten P-Wert entsprechend mit geringerer Gesamtfallzahl nobs zu, we shall der negative Bias im Vergleich von n = 100 zu n = 1000 nun abnimmt (s. Abb. 14S und Tab. 23 im Anhang). Im Falle ungerundeter P-Werte wiesen die Schätzmethoden 7, 8 und 9 hingegen nur geringe Abweichungen auf.

# Approximative *var(log(HR))*-Schätzer und relative Gewichte der Methoden 1 bis 9

Im Gegensatz zur Schätzung der log(HR)-Werte, war nach Berechnung der var(log(HR))-Werte keine Biasbestimmung möglich, da keine "wahre" Varianz vorgegeben werden konnte. Die sechs untersuchten *var(log(HR))*-Approximationen schätzten allesamt geringere gepoolte Varianzen als die Cox-Regression, wobei die Methoden 5 und 6 bzw. 8 und 9 (InVindir3 und InVindir4 bzw. InVindir6 und InVindir7, Formeln 13 und 14) die geringsten gepoolten Varianzen schätzten (s. Tab. 3). Diese betrugen nur 55% (Methode 5 bzw. 8) bzw. 70% (Methode 6 bzw. 9) der jeweiligen Schätzer der Cox-Regression. Dementsprechend würden Studien, deren Varianzschätzer mithilfe der vorgenannten Methoden extrahiert bzw. approximiert werden. im Verhältnis deutlich höhere relative Gewichte erhalten. Diese Varianzunterschätzungen und folglich Übergewichtungen schlugen, wie von Parmar vermutet, insbesondere im Falle niedrigerer Hazard Ratios und ungleicher

Allokationsverhältnisse zu Buche (vgl. Abb. 16 "Allocation Ratios" und "True Hazard Ratios" sowie Tab. 24 und 27 im Anhang). Methode 5 bzw. 8 (InVindir3 bzw. InVindir6, Formel 13) stach mit den niedrigsten Varianzschätzern unter Allokationsimbalancen hervor (vgl. Abb. 16 "Allocation Ratios" und Tab. 24 im Anhang). Anfällig für den Einfluss unbalanzierter Allokationsraten zeigten sich außerdem die Methoden 1 und 2 (InVdir1 und InVdir2, Formeln 9 und 10), die unter Imbalancen zugunsten der Kontrollgruppe niedrige Varianzen und hohe Gewichte schätzten, sowie unter Imbalancen zugunsten der Behandlungsgruppe hohe Varianzen und niedrige Gewichte schätzten (vgl. Abb. 16 "Allocation Ratios" und Tab. 24 im Anhang). Die auf berichteten Konfidenzintervallen basierende Varianzschätzmethode 3 (InVindir1, Formel 11) schätzte dahingegen durchwegs sehr ähnliche Varianzen wie die Cox-Regression und wich in keinem der simulierten Szenarien mehr als 5% von diesen ab. Der größte relative Unterschied von etwas über 4% ergab sich bei einem vorgegebenem Hazard Ratio von 0.1 (vgl. Tab. 27 im Anhang). Der auf beobachteten Ereignissen beruhende Varianzschätzer der Methoden 4 und 7 (InVindir2, Formel 12) wich insbesondere in Szenarien mit großen Therapieeffekten und zusätzlichen Zensierungen von den Werten der Cox-Regression ab (s. Tab. 26 und 26 im Anhang) und zeigte ansonsten moderate Abweichungen. Die MCSE der Varianzschätzungen lagen allesamt unter 0.001.

### Anwendungsempfehlungen für die Praxis

In Anbetracht der vorgenannten beobachteten Ergebnisse der vorliegenden Simulationsstudie und daran angelehnten Diskussion der Performance der log(HR)und var(log(HR))-Schätzmethoden lassen sich folgende Anwendungsempfehlung ableiten:

- 1. Generell nimmt die absolute mittlere Abweichung der *log(HR)*-Schätzer (Bias) mit kleineren Therapieeffekten ab.
- 2. Ab einem HR von 0.5 sind nur noch geringe Abweichungen zu erwarten.
- 3. Die relative Abweichung betrug ab einem simulierten HR<sub>true</sub> von 0.5 maximal 12%.
- 4. Die Basisereignisrate (Baseline Hazard) hat keinen relevanten Einfluss auf die Genauigkeit der *log(HR)* und *var(log(HR))*-Schätzer.
- 5. Die direkte *log(HR)*-Berechnungsmethode 1 (Formel 4) liefert die verlässlichsten Schätzer und ist zu präferieren.

- 6. Die direkte *log(HR)*-Berechnungsmethode 2 (Formel 5) sollte nur bei balancierten Allokationsverhältnissen verwendet werden.
- 7. Die auf berichteten P-Werten basierenden *log(HR)*-Schätzer 7 bis 9 sollten nur beim Vorhandensein exakter P-Werte verwendet werden (Formeln 6 bis 8).
- 8. Die *var(log(HR))*-Approximation über berichtete Konfidenzintervalle (Formel 11) liegt sehr nahe an den Werten der Cox-Regression und ist ausnahmslos zu empfehlen.
- 9. Die direkten *var(log(HR))*-Schätzmethoden 1 und 2 liegen nahe an den Werten der Cox-Regression, sollte jedoch nur bei balancierten Allokationsverhältnissen verwendet werden, wobei Methode 2 (Formel 10) Methode 1 (Formel 9) vorzuziehen ist.
- 10. Der indirekte Varianzschätzer der Methoden 4 und 7 (Formel 12) ist bedingt zu empfehlen und nur bei einem geringen Anteil von Zensierungen und nicht allzu starkem Therapieeffekt.
- 11. Die indirekten Varianzschätzer der Methoden 5 und 6 bzw. 8 und 9 unterschätzen var(log(HR)) stark (Formeln 13 und 14) und sind nicht zu empfehlen.

## Limitationen der vorliegenden Simulationsstudie

Trotz nicht von der Hand zu weisender Vorteile weisen Simulationsstudien im Allgemeinen auch spezifische Nachteile auf. Darüber hinaus schwächen einige methodische Besonderheiten die Generalisierbarkeit der vorliegenden Simulationsstudie im Speziellen. Beide Aspekte werden nun abschließend beleuchtet:

### Verwendung mittels Pseudozufallszahlen simulierter Datensätze

Der größte Vorteil simulierter Datensätze ist zugleich auch der größte Nachteil von biostatistischen Simulationsstudien. Zunächst einmal bedeutet die Datensimulation mittels Pseudozufallszahlengeneratoren einen nicht zu unterschätzenden Rechenaufwand.<sup>23,24</sup> Im Falle der vorliegenden Simulationsstudie betrug die benötigte Rechenzeit über 12 Tage. Dies bedeutet in der schnelllebigen Wissenschaftsrealität mit ihrem immensen Zeitdruck eine wichtige Limitation bei der Verwendung von Simulationsstudien, da zur Minimierung der Rechenzeit ggf. auf Kosten der zu untersuchenden Parameterkombinationen oder zu Lasten der Komplexität der zu untersuchenden Methoden Abstriche gemacht werden. Lösungsansätze bietet hier das Feld des "Parallel Computing", was aber nicht zuletzt im Falle von R-Code einen erheblichen sekundären Umformulierungsaufwand bedeuten kann. 32,33 Im Rahmen

die der vorliegenden Simulationsstudie wurden zu untersuchenden Parameterkombinationen allerdings a priori definiert und auch in Anbetracht der langen Rechenzeit nicht verändert. Neben der Rechenintensität bedeutet die Simulation von Daten darüber hinaus immer auch eine Simplifikation hochkomplexer biologischer Zusammenhänge, weshalb Simulationsstudien trotz der ehrenvollen Absicht der Biasuntersuchung damit selbst äußerst anfällig für ein nicht zu unterschätzendes Verzerrungspotential sind. 23,24 Obwohl durch die artifizielle Konstruktion von Parameterkombinationen eine Vielzahl an Szenarien systematisch untersucht werden kann, besteht zudem die Gefahr schlecht generalisierbare oder für die klinische Praxis vollkommen irrelevante Daten zu erzeugen.<sup>23,24</sup> Der vorliegenden Simulationsstudie diente allerdings eine klinisch höchst relevante Problemstellung als Grundlage und die Simulation der Survivaldaten wurde gemäß etablierter Standards inkl. eines Rekrutierungszeitraumes und verschiedener Zensierungsformen durchgeführt. 10-<sup>12,22,34</sup> Nichtsdestotrotz kann nicht ausgeschlossen werden, dass die verwendeten Daten-generierende Modelle jedweder Simulationsstudie die wahren Gegebenheiten nicht adäquat widerspiegeln. Insbesondere wurden alle zur Berechnung der Schätzmethoden benötigten Größen simuliert, sodass diese uneingeschränkt verglichen werden konnten, was in der Realität unzureichend berichteter Überlebenszeitstudien nicht der Fall ist.

Verwendung exponentialverteilter Überlebenszeitdaten, proportionaler Hazards und exponential-/uniformverteilter Zensierungen

Im Rahmen der vorliegenden Simulationsstudie wurden Überlebenszeitdaten univariat exponentialverteilt simuliert, um Annahmen der Cox-Regression auf der einen und der Log-Rang-Methode auf der anderen Seite nicht grob zu verletzen, wobei dieser Ansatz der gängigen Praxis in diesem Kontext entspricht. Allerdings impliziert dieser Ansatz selbst eine sehr konservative Verteilungsannahme, die in der klinischen Realität nicht immer zutrifft, insbesondere im Falle zeitabhängiger Effekte und inkonstanter oder nicht-proportionaler Ausfallraten. Dementsprechend muss die externe Validität der so gearteten Modellierung von Überlebenszeitdaten kritisch beurteilt werden bzw. ggf. Alternativen bemüht werden. Da jedoch postuliert werden kann, dass die überwiegende Mehrzahl publizierter Überlebenszeitstudien auf der Log-Rang-Methode oder der Cox-Regression unter Annahme proportionaler Hazards beruht, ist die vorliegende Simulationsstudie folgerichtig auch in der

überwiegenden Mehrheit der Fälle etwaiger Metaanalysen in diesem Zusammenhang Relevanz.<sup>2,12,41</sup> von Neben den univariat exponentialverteilt generierten Überlebenszeiten müssen auch die simulierten Zensierungsmechanismen diskutiert werden. Diese entsprachen zum einen Rechtszensierungen bei Erreichen der Follow-Up Zeit ohne zusätzliche Zensierungen, sowie zum anderen zusätzliche exponentialund stetig gleichverteilte Zensierungen. Dieser Herangehensweise liegt das Bestreben zugrunde nicht-informative, unabhängige und zufällige Zensierungsmechanismen zu simulieren, was man in der klinischen Forschung mithilfe des Goldstandards einer doppelblinden randomisierten kontrollierten Studie zu erreichen versucht. Der gewählte Simulationsansatz entspricht dabei den einschlägigen Empfehlungen, kann aber die volle Bandbreite von in der Realität anzutreffenden Zensierungsformen nicht abbilden.22,42,43

### Ausblick und Ansatzpunkte für weiterführende Untersuchungen

Auf Grundlage der vorgebrachten Limitationen der vorliegenden Simulationsstudie muss zum einen gefordert werden, dass die untersuchten Methoden auch in Szenarien mit anders gearteten Datenverteilungen und unter Verletzung wichtiger Annahmen getestet werden, bspw. unter nicht-proportionalen Hazards und inkonstanten Therapieeffekten. Zum anderen sollte die vorliegende Simulationsstudie und der ihr zugrundeliegende Code öffentlich gemacht werden, um eine breite Diskussion der Methoden und Ergebnisse mit maximaler Transparenz zu garantieren und nicht zuletzt eben diese weiterführenden Untersuchungen zu ermöglichen.

In diesem Sinne möchte ich ein auch von Tim Morris referenziertes Zitat hier anbringen: "Simulation studies reveal points of light on a landscape, but cannot illuminate the entire landscape." <sup>24</sup>

# - Abbildungsverzeichnis -

# Abbildungsverzeichnis

Abb.	1: Zusammenhand zwischen h(t), S(t) und H(t)	S. 11
Abb.	2: Hazard Ratios quantifizieren die Verhältnisse von Ausfallraten	S. 11
Abb.	3: Log-Transformation zur linearen Darstellung von Hazard Ratios	S. 14
Abb.	4: Ridgeplots der gepoolten log(HR)-Punktschätzer	S. 39
Abb.	5: Fehlerbalkendiagramme der Abweichungen der log(HR)-Punktschätzer	S. 40
Abb.	6: Abweichungen der log(HR)-Schätzer bei vorgegebenem Hazard Ratio von 0.1 -	S. 42
Abb.	7: Ridgeplots der log(HR)-Schätzer bei vorgegebenem Hazard Ratio von 0.1	S. 43
Abb.	8: Abweichungen der log(HR)-Schätzer bei vorgegebenem Hazard Ratio von 0.3 -	S. 44
Abb.	9: Ridgeplots der log(HR)-Schätzer bei vorgegebenem Hazard Ratio von 0.3	S. 45
Abb.	10: Abweichungen der log(HR)-Schätzer bei vorgegebenem Hazard Ratio von 0.5 -	S. 46
Abb.	11: Ridgeplots der log(HR)-Schätzer bei vorgegebenem Hazard Ratio von 0.5	S. 47
Abb.	12: Abweichungen der log(HR)-Schätzer bei vorgegebenem Hazard Ratio von 0.7 -	S. 48
Abb.	13: Ridgeplots der log(HR)-Schätzer bei vorgegebenem Hazard Ratio von 0.7	S. 49
Abb.	14: Abweichungen der log(HR)-Schätzer bei vorgegebenem Hazard Ratio von 0.9 -	S. 50
Abb.	15: Ridgeplots der log(HR)-Schätzer bei vorgegebenem Hazard Ratio von 0.9	S. 51
Abb.	16: Scatterplots simulierter relativer Studiengewichte	S. 53

## - Tabellenverzeichnis -

# **Tabellenverzeichnis**

Tabelle 1: ADEMP-Struktur der vorliegenden Simulationsstudie	S. 18-19
Tabelle 2: Über alle Szenarien gemittelte Punktschätzer für log(HR)	S. 38
Tabelle 3: Über alle Szenarien gemittelte Punktschätzer für var(log(HR))	S. 52
Tabellen 4 bis 28: siehe Anhang	S. 73-99

### Literaturverzeichnis

- Altman DG, Bland JM. Statistics Notes: Time to event (survival) data. *BMJ*.
   1998;317(7156):468-469. doi:10.1136/bmj.317.7156.468
- Clark TG, Bradburn MJ, Love SB, Altman DG. Survival Analysis Part I: Basic concepts and first analyses. *Br J Cancer*. 2003;89(2):232-238.
   doi:10.1038/sj.bjc.6601118
- Guyatt G. Evidence-Based Medicine. *JAMA*. 1992;268(17):2420. doi:10.1001/jama.1992.03490170092032
- Oxman AD, Guyatt GH. The Science of Reviewing Research. *Ann N Y Acad Sci.* 1993;703(1 Doing More Go):125-134. doi:10.1111/j.1749-6632.1993.tb26342.x
- 5. Egger M, Smith GD. Meta-analysis: Potentials and promise. *Bmj*. 1997;315(7119):1371-1374. doi:10.1136/bmj.315.7119.1371
- Normand S-LT. Meta-analysis: formulating, evaluating, combining, and reporting. Stat Med. 1999;18(3):321-359. doi:10.1002/(SICI)1097-0258(19990215)18:3<321::AID-SIM28>3.0.CO;2-P
- 7. Ziegler A, Lange S, Bender R. Systematische Übersichten und Meta-Analysen.

  \*\*DMW Dtsch Medizinische Wochenschrift. 2007;132(S 01):e48-e52.

  doi:10.1055/s-2007-959042
- 8. Borenstein M, Hedges L V., Higgins JPT, Rothstein HR. A basic introduction to fixed-effect and random-effects models for meta-analysis. *Res Synth Methods*. 2010;1(2):97-111. doi:10.1002/jrsm.12
- Parmar MKB, Torri V, Stewart L. Extracting summary statistics to perform meta-analyses of the published literature for survival endpoints. *Stat Med*. 1998;17(24):2815-2834. doi:10.1002/(SICI)1097-0258(19981230)17:24<2815::AID-SIM110>3.0.CO;2-8
- Mathoulin-Pelissier S, Gourgou-Bourgade S, Bonnetain F, Kramar A. Survival end point reporting in randomized cancer clinical trials: A review of major journals. *J Clin Oncol*. 2008;26(22):3721-3726. doi:10.1200/JCO.2007.14.1192
- Abraira V, Muriel A, Emparanza JI, et al. Reporting quality of survival analyses in medical journals still needs improvement. A minimal requirements proposal.
   J Clin Epidemiol. 2013;66(12):1340-1346.e5. doi:10.1016/j.jclinepi.2013.06.009
- 12. Batson S, Greenall G, Hudson P. Review of the Reporting of Survival Analyses

- within Randomised Controlled Trials and the Implications for Meta-Analysis. Virgili G, ed. *PLoS One*. 2016;11(5):e0154870. doi:10.1371/journal.pone.0154870
- Liberati A, Altman DG, Tetzlaff J, et al. The PRISMA statement for reporting systematic reviews and meta-analyses of studies that evaluate healthcare interventions: explanation and elaboration. *BMJ*. 2009;339(jul21 1):b2700b2700. doi:10.1136/bmj.b2700
- Hoffmann F, Allers K, Rombey T, et al. Nearly 80 systematic reviews were published each day: Observational study on trends in epidemiology and reporting over the years 2000-2019. *J Clin Epidemiol*. 2021;138:1-11. doi:10.1016/j.jclinepi.2021.05.022
- Kovalchik SA. Survey finds that most meta-analysts do not attempt to collect individual patient data. *J Clin Epidemiol*. 2012;65(12):1296-1299. doi:10.1016/j.jclinepi.2012.07.010
- Tudur C, Williamson PR, Khan S, Best LY. The value of the aggregate data approach in meta-analysis with time-to-event outcomes. *J R Stat Soc*. 2001;164(2):357-370. doi:10.1111/1467-985X.00207
- 17. Williamson PR, Smith CT, Hutton JL, Marson AG. Aggregate data metaanalysis with time-to-event outcomes. *Stat Med*. 2002;21(22):3337-3351. doi:10.1002/sim.1303
- 18. Michiels S, Piedbois P, Burdett S, Syz N, Stewart L, Pignon J-P. Meta-analysis when only the median survival times are known: A comparison with individual patient data results. *Int J Technol Assess Health Care*. 2005;21(1):119-125. doi:10.1017/S0266462305050154
- Tierney JF, Stewart LA, Ghersi D, Burdett S, Sydes MR. Practical methods for incorporating summary time-to-event data into meta-analysis. *Trials*.
   2007;8(1):16. doi:10.1186/1745-6215-8-16
- Tierney JF, Fisher DJ, Burdett S, Stewart LA, Parmar MKB. Comparison of aggregate and individual participant data approaches to meta-analysis of randomised trials: An observational study. Shapiro SD, ed. *PLOS Med*. 2020;17(1):e1003019. doi:10.1371/journal.pmed.1003019
- 21. Hebert AE, Kreaden US, Yankovsky A, et al. Methodology to standardize heterogeneous statistical data presentations for combining time-to-event oncologic outcomes. Pathak M, ed. *PLoS One*. 2022;17(2):e0263661.

- doi:10.1371/journal.pone.0263661
- 22. Burton A, Altman DG, Royston P, Holder RL. The design of simulation studies in medical statistics. *Stat Med*. 2006;25(24):4279-4292. doi:10.1002/sim.2673
- 23. Boulesteix A-L, Groenwold RHH, Abrahamowicz M, et al. Introduction to statistical simulations in health research. *BMJ Open*. 2020;10(12):e039921. doi:10.1136/bmjopen-2020-039921
- 24. Morris TP, White IR, Crowther MJ. Using simulation studies to evaluate statistical methods. *Stat Med*. 2019;38(11):2074-2102. doi:10.1002/sim.8086
- 25. Cox DR. Regression Models and Life-Tables. *J R Stat Soc Ser B*. 1972;34(2):187-202. doi:10.1111/j.2517-6161.1972.tb00899.x
- 26. American Psychological Association. APA Style numbers and statistics guide. https://apastyle.apa.org/instructional-aids/numbers-statistics-guide.pdf. Published 2022. Accessed February 2, 2023.
- 27. Peto R, Pike MC, Armitage P, et al. Design and analysis of randomized clinical trials requiring prolonged observation of each patient. II. Analysis and examples. *Br J Cancer*. 1977;35(1):1-39. doi:10.1038/bjc.1977.1
- 28. Lin DY, Dai L, Cheng G, Sailer MO. On confidence intervals for the hazard ratio in randomized clinical trials. *Biometrics*. 2016;72(4):1098-1102. doi:10.1111/biom.12528
- 29. Joshi M, PustejovskyJames. simhelpers: Helper Functions for Simulation Studies. 2022. https://cran.r-project.org/package=simhelpers.
- 30. Schoenfeld DA. Sample-Size Formula for the Proportional-Hazards Regression Model. *Biometrics*. 1983;39(2):499. doi:10.2307/2531021
- 31. Persson I, Khamis H. Bias Of The Cox Model Hazard Ratio. *J Mod Appl Stat Methods*. 2005;4(1):90-99. doi:10.22237/jmasm/1114906200
- 32. Ševčíková H. Statistical Simulations on Parallel Computers. *J Comput Graph Stat.* 2004;13(4):886-906. doi:10.1198/106186004X12605
- 33. Melab N, Gmys J, Korosec P, Chakroun I. Synergy between parallel computing, optimization and simulation. *J Comput Sci.* 2020;44:101168. doi:10.1016/j.jocs.2020.101168
- 34. Higgins JP, Li T, Deeks JJ. Choosing effect measures and computing estimates of effect. In: Higgins J, Thomas J, Chandler J, et al., eds. Cochrane Handbook for Systematic Reviews of Interventions. 2nd Editio. Chichester (UK): John Wiley & Sons; 2019. doi:10.1002/9781119536604

- 35. Bender R, Augustin T, Blettner M. Generating survival times to simulate Cox proportional hazards models. *Stat Med*. 2005;24(11):1713-1723. doi:10.1002/sim.2059
- 36. Austin PC. Generating survival times to simulate Cox proportional hazards models with time-varying covariates. *Stat Med.* 2012;31(29):3946-3958. doi:10.1002/sim.5452
- 37. Jachno K, Heritier S, Wolfe R. Impact of a non-constant baseline hazard on detection of time-dependent treatment effects: a simulation study. *BMC Med Res Methodol*. 2021;21(1):177. doi:10.1186/s12874-021-01372-0
- 38. Taketomi N, Yamamoto K, Chesneau C, Emura T. Parametric Distributions for Survival and Reliability Analyses, a Review and Historical Sketch. *Mathematics*. 2022;10(20):3907. doi:10.3390/math10203907
- 39. Bradburn MJ, Clark TG, Love SB, Altman DG. Survival Analysis Part III: Multivariate data analysis choosing a model and assessing its adequacy and fit. *Br J Cancer*. 2003;89(4):605-611. doi:10.1038/sj.bjc.6601120
- 40. Clark TG, Bradburn MJ, Love SB, Altman DG. Survival analysis part IV: Further concepts and methods in survival analysis. *Br J Cancer*. 2003;89(5):781-786. doi:10.1038/sj.bjc.6601117
- 41. Bradburn MJ, Clark TG, Love SB, Altman DG. Survival Analysis Part II: Multivariate data analysis an introduction to concepts and methods. *Br J Cancer*. 2003;89(3):431-436. doi:10.1038/sj.bjc.6601119
- 42. Wan F. Simulating survival data with predefined censoring rates for proportional hazards models. *Stat Med.* 2017;36(5):838-854. doi:10.1002/sim.7178
- 43. Turkson AJ, Ayiah-Mensah F, Nimoh V. Handling Censoring and Censored Data in Survival Analysis: A Standalone Systematic Literature Review. Tang N, ed. *Int J Math Math Sci.* 2021;2021:1-16. doi:10.1155/2021/9307475

## Verzeichnis verwendeter R-Pakete

Die Software "RStudio" wurde zur Umsetzung des Statistikprogrammes "R" der Version 4.1.3 (2022-03-10) mit den dazugehörigen vorinstallierten Basispaketen verwendet.

## Zusätzlich wurden folgende Pakete geladen:

- ° tidyverse
- ° magrittr
- ° janitor
- ° survival
- ° survminer
- ° svMisc
- ° progress
- ° knitr
- ° kableExtra
- ° ggridges
- ° ggh4x
- ° plotrix
- ° viridis
- ° gghighlight
- ° rockchalk

## **Anhang**

Tabelle 4: Bias der log(HR)-Schätzer 1 bis 9 mit  $HR_{true}$  = 0.1 unter Variation der Allokationsrate Tabelle 5: Bias der log(HR)-Schätzer 1 bis 9 mit  $HR_{true}$  = 0.1 unter Variation des Baselinehazard Tabelle 6: Bias der log(HR)-Schätzer 1 bis 9 mit  $HR_{true}$  = 0.1 unter Variation der Zensierungsrate Tabelle 7: Bias der log(HR)-Schätzer 1 bis 9 mit  $HR_{true}$  = 0.1 unter Variation der Gesamtfallzahl Tabelle 8: Bias der log(HR)-Schätzer 1 bis 9 mit  $HR_{true}$  = 0.3 unter Variation der Allokationsrate Tabelle 9: Bias der log(HR)-Schätzer 1 bis 9 mit  $HR_{true}$  = 0.3 unter Variation des Baselinehazard Tabelle 10: Bias der log(HR)-Schätzer 1 bis 9 mit  $HR_{true}$  = 0.3 unter Variation der Zensierungsrate Tabelle 11: Bias der log(HR)-Schätzer 1 bis 9 mit  $HR_{true}$  = 0.3 unter Variation der Gesamtfallzahl Tabelle 12: Bias der log(HR)-Schätzer 1 bis 9 mit  $HR_{true}$  = 0.5 unter Variation der Allokationsrate Tabelle 13: Bias der log(HR)-Schätzer 1 bis 9 mit  $HR_{true}$  = 0.5 unter Variation des Baselinehazard Tabelle 14: Bias der log(HR)-Schätzer 1 bis 9 mit  $HR_{true}$  = 0.5 unter Variation der Zensierungsrate Tabelle 15: Bias der log(HR)-Schätzer 1 bis 9 mit  $HR_{true}$  = 0.5 unter Variation der Gesamtfallzahl Tabelle 16: Bias der log(HR)-Schätzer 1 bis 9 mit  $HR_{true}$  = 0.7 unter Variation der Allokationsrate Tabelle 17: Bias der log(HR)-Schätzer 1 bis 9 mit HR<sub>true</sub> = 0.7 unter Variation des Baselinehazard Tabelle 18: Bias der log(HR)-Schätzer 1 bis 9 mit HR<sub>true</sub> = 0.7 unter Variation der Zensierungsrate Tabelle 19: Bias der log(HR)-Schätzer 1 bis 9 mit  $HR_{true}$  = 0.7 unter Variation der Gesamtfallzahl Tabelle 20: Bias der log(HR)-Schätzer 1 bis 9 mit  $HR_{true}$  = 0.9 unter Variation der Allokationsrate Tabelle 21: Bias der log(HR)-Schätzer 1 bis 9 mit HR<sub>true</sub> = 0.9 unter Variation des Baselinehazard Tabelle 22: Bias der log(HR)-Schätzer 1 bis 9 mit HR<sub>true</sub> = 0.9 unter Variation der Zensierungsrate Tabelle 23: Bias der log(HR)-Schätzer 1 bis 9 mit  $HR_{true}$  = 0.9 unter Variation der Gesamtfallzahl Tabelle 24: Werte der var(log(HR))-Punktschätzer 1 bis 9 unter Variation der Allokationsrate Tabelle 25: Werte der var(log(HR))-Punktschätzer 1 bis 9 unter Variation des Baslinehazard Tabelle 26: Werte der var(log(HR))-Punktschätzer 1 bis 9 unter Variation der Zensierungsrate Tabelle 27: Werte der var(log(HR))-Punktschätzer 1 bis 9 unter Variation des Hazard Ratio Tabelle 28: Werte der var(log(HR))-Punktschätzer 1 bis 9 unter Variation der Gesamtfallzahl

Bias for Methods 1 through 9 with HR true = 0.1 [log(HR\_true) = -2.303]

Method	Allocation Ratio	Iterations	Theta	Variance	Bias	MCSE	Lower	Upper	MSE	RMSE
СОХ РН										
InHRobs	4:1	26284	-2.41513	0.16620	-0.11213	0.00251	-0.11706	-0.10720	0.17877	0.42281
InHRobs	2:1	26680	-2.41368	0.13243	-0.11068	0.00223	-0.11505	-0.10632	0.14467	0.38036
InHRobs	1:1	26876	-2.41165	0.11175	-0.10865	0.00204	-0.11265	-0.10466	0.12355	0.35150
InHRobs	1:2	26952	-2.41039	0.10650	-0.10739	0.00199	-0.11129	-0.10350	0.11802	0.34355
InHRobs	1:4	26955	-2.40379	0.11679	-0.10079	0.00208	-0.10487	-0.09671	0.12694	0.35629
Method 1										
InHRdir1	4:1	26284	-1.64937	0.20366	0.65363	0.00278	0.64818	0.65909	0.63089	0.79428
InHRdir1	2:1	26680	-1.67109	0.17828	0.63191	0.00258	0.62685	0.63698	0.57758	0.75999
InHRdir1	1:1	26876	-1.73670	0.14153	0.56630	0.00229	0.56181	0.57080	0.46222	0.67987
InHRdir1	1:2	26952	-1.84605	0.09820	0.45695	0.00191	0.45321	0.46069	0.30700	0.55408
InHRdir1	1:4	26955	-1.97509	0.07312	0.32791	0.00165	0.32468	0.33114	0.18064	0.42501
Method 2										
InHRdir2	4:1	26284	-1.50942	0.05577	0.79358	0.00146	0.79072	0.79643	0.68553	0.82797
InHRdir2	2:1	26680	-1.85511	0.09553	0.44789	0.00189	0.44418	0.45159	0.29613	0.54418
InHRdir2	1:1	26876	-2.43846	0.18431	-0.13546	0.00262	-0.14059	-0.13033	0.20265	0.45017
InHRdir2	1:2	26952	-3.36320	0.41293	-1.06020	0.00391	-1.06787	-1.05253	1.53694	1.23973
InHRdir2	1:4	26955	-4.62614	1.03289	-2.32314	0.00619	-2.33527	-2.31100	6.42982	2.53571
Method 7										
InHRindir5	4:1	26284	-0.99448	0.48462	1.30852	0.00429	1.30010	1.31693	2.19681	1.48217
InHRindir5	2:1	26680	-0.86276	0.42589	1.44024	0.00400	1.43241	1.44807	2.50017	1.58119
InHRindir5	1:1	26876	-0.79165	0.36418	1.51135	0.00368	1.50413	1.51856	2.64835	1.62737
InHRindir5	1:2	26952	-0.78812	0.31200	1.51488	0.00340	1.50821	1.52155	2.60685	1.61457
InHRindir5	1:4	26955	-0.86010	0.30646	1.44290	0.00337	1.43629	1.44950	2.38839	1.54544
Method 8										
InHRindir6	4:1	26284	-0.57720	0.08460	1.72580	0.00179	1.72228	1.72931	3.06297	1.75014
InHRindir6	2:1	26680	-0.61538	0.10825	1.68762	0.00201	1.68367	1.69156	2.95630	1.71939
InHRindir6	1:1	26876	-0.65807	0.14383	1.64493	0.00231	1.64040	1.64946	2.84962	1.68808
InHRindir6	1:2	26952	-0.70694	0.19512	1.59606	0.00269	1.59079	1.60134	2.74252	1.65606
InHRindir6	1:4	26955	-0.75320	0.25213	1.54980	0.00306	1.54381	1.55580	2.65401	1.62911
Method 9										
InHRindir7	4:1	26284	-0.72150	0.13219	1.58150	0.00224	1.57710	1.58589	2.63331	1.62275
InHRindir7	2:1	26680	-0.65356	0.12267	1.64944	0.00214	1.64524	1.65364	2.84331	1.68621
InHRindir7	1:1	26876	-0.65807	0.14383	1.64493	0.00231	1.64040	1.64946	2.84962	1.68808
InHRindir7	1:2	26952	-0.75083	0.22093	1.55217	0.00286	1.54656	1.55778	2.63016	1.62178
InHRindir7	1:4	26955	-0.94150	0.39395	1.36150	0.00382	1.35401	1.36900	2.24763	1.49921

- Anhang -

Bias for Methods 1 through 9 with HR true = 0.1 [log(HR\_true) = -2.303]

Method	Baseline Hazard	Iterations	Theta	Variance	Bias	MCSE	Lower	Upper	MSE	RMSE
СОХ РН										
InHRobs	25%	44148	-2.40473	0.14169	-0.10173	0.00179	-0.10524	-0.09822	0.15204	0.38992
InHRobs	50%	44712	-2.41265	0.12106	-0.10965	0.00165	-0.11288	-0.10643	0.13308	0.36480
InHRobs	75%	44887	-2.41523	0.11706	-0.11223	0.00161	-0.11539	-0.10906	0.12965	0.36007
Method 1										
InHRdir1	25%	44148	-1.81426	0.16956	0.48874	0.00196	0.48490	0.49258	0.40843	0.63908
InHRdir1	50%	44712	-1.77160	0.15526	0.53140	0.00186	0.52774	0.53505	0.43764	0.66154
InHRdir1	75%	44887	-1.74432	0.13254	0.55868	0.00172	0.55531	0.56205	0.44466	0.66683
Method 2										
InHRdir2	25%	44148	-2.72921	1.64610	-0.42621	0.00611	-0.43817	-0.41424	1.82772	1.35193
InHRdir2	50%	44712	-2.76959	1.59997	-0.46659	0.00598	-0.47831	-0.45486	1.81763	1.34820
InHRdir2	75%	44887	-2.80090	1.62673	-0.49790	0.00602	-0.50970	-0.48610	1.87459	1.36916
Method 7										
InHRindir5	25%	44148	-0.94080	0.48148	1.36220	0.00330	1.35573	1.36867	2.33706	1.52874
InHRindir5	50%	44712	-0.84647	0.36735	1.45653	0.00287	1.45091	1.46215	2.48883	1.57760
InHRindir5	75%	44887	-0.79037	0.29189	1.51263	0.00255	1.50763	1.51762	2.57992	1.60621
Method 8										
InHRindir6	25%	44148	-0.70538	0.19767	1.59762	0.00212	1.59347	1.60177	2.75006	1.65833
InHRindir6	50%	44712	-0.65539	0.15354	1.64761	0.00185	1.64398	1.65125	2.86817	1.69357
InHRindir6	75%	44887	-0.62795	0.12986	1.67505	0.00170	1.67171	1.67838	2.93563	1.71337
Method 9										
InHRindir7	25%	44148	-0.79325	0.26319	1.50975	0.00244	1.50497	1.51454	2.54254	1.59454
InHRindir7	50%	44712	-0.73716	0.20379	1.56584	0.00213	1.56166	1.57003	2.65566	1.62962
InHRindir7	75%	44887	-0.70670	0.17300	1.59630	0.00196	1.59245	1.60014	2.72116	1.64959

- Anhang -

Bias for Methods 1 through 9 with HR true = 0.1 [log(HR\_true) = -2.303]

Method	Censoring Distribution	Iterations	Theta	Variance	Bias	MCSE	Lower	Upper	MSE	RMSE
СОХ РН										
InHRobs	none	44999	-2.32370	0.05595	-0.02070	0.00112	-0.02288	-0.01851	0.05638	0.23744
InHRobs	exp0.5	43854	-2.32477	0.15960	-0.02177	0.00191	-0.02551	-0.01803	0.16007	0.40009
InHRobs	unif0.5	44894	-2.58245	0.12072	-0.27945	0.00164	-0.28267	-0.27624	0.19881	0.44588
Method 1										
InHRdir1	none	44999	-1.52758	0.03632	0.77542	0.00090	0.77366	0.77718	0.63760	0.79850
InHRdir1	exp0.5	43854	-2.18013	0.12964	0.12287	0.00172	0.11950	0.12624	0.14474	0.38044
InHRdir1	unif0.5	44894	-1.63181	0.05112	0.67119	0.00107	0.66910	0.67328	0.50161	0.70824
Method 2										
InHRdir2	none	44999	-2.75799	1.26861	-0.45499	0.00531	-0.46540	-0.44458	1.47559	1.21474
InHRdir2	exp0.5	43854	-2.28711	1.06101	0.01589	0.00492	0.00625	0.02553	1.06124	1.03017
InHRdir2	unif0.5	44894	-3.24410	2.08058	-0.94110	0.00681	-0.95445	-0.92776	2.96621	1.72227
Method 7										
InHRindir5	none	44999	-0.53313	0.07639	1.76987	0.00130	1.76731	1.77242	3.20882	1.79132
InHRindir5	exp0.5	43854	-1.32293	0.59792	0.98007	0.00369	0.97283	0.98731	1.55844	1.24838
InHRindir5	unif0.5	44894	-0.73179	0.14912	1.57121	0.00182	1.56763	1.57478	2.61781	1.61796
Method 8										
InHRindir6	none	44999	-0.47212	0.05709	1.83088	0.00113	1.82868	1.83309	3.40922	1.84641
InHRindir6	exp0.5	43854	-0.87457	0.24001	1.42843	0.00234	1.42384	1.43301	2.28041	1.51010
InHRindir6	unif0.5	44894	-0.64671	0.10801	1.65629	0.00155	1.65325	1.65933	2.85130	1.68858
Method 9										
InHRindir7	none	44999	-0.53107	0.07549	1.77193	0.00130	1.76939	1.77447	3.21522	1.79310
InHRindir7	exp0.5	43854	-0.98414	0.32617	1.31886	0.00273	1.31352	1.32421	2.06555	1.43720
InHRindir7	unif0.5	44894	-0.72717	0.14225	1.57583	0.00178	1.57234	1.57932	2.62549	1.62034

- Anhang -

Bias for Methods 1 through 9 with HR true = 0.1 [log(HR\_true) = -2.303]

Method	Trial Size	Iterations	Theta	Variance	Bias	MCSE	Lower	Upper	MSE	RMSE
СОХ РН										
InHRobs	N=100	43754	-2.43685	0.27421	-0.13385	0.00250	-0.13876	-0.12894	0.29212	0.54048
InHRobs	N=500	44993	-2.40328	0.06888	-0.10028	0.00124	-0.10271	-0.09786	0.07894	0.28096
InHRobs	N=1000	45000	-2.39329	0.03960	-0.09029	0.00094	-0.09213	-0.08845	0.04776	0.21853
Method 1										
InHRdir1	N=100	43754	-1.75169	0.19648	0.55131	0.00212	0.54715	0.55546	0.50042	0.70740
InHRdir1	N=500	44993	-1.78966	0.14153	0.51334	0.00177	0.50986	0.51681	0.40504	0.63643
InHRdir1	N=1000	45000	-1.78754	0.12183	0.51546	0.00165	0.51223	0.51868	0.38753	0.62252
Method 2										
InHRdir2	N=100	43754	-2.76856	1.86032	-0.46556	0.00652	-0.47834	-0.45278	2.07703	1.44119
InHRdir2	N=500	44993	-2.76383	1.53165	-0.46083	0.00583	-0.47226	-0.44939	1.74398	1.32060
InHRdir2	N=1000	45000	-2.76796	1.48962	-0.46496	0.00575	-0.47624	-0.45368	1.70578	1.30605
Method 7										
InHRindir5	N=100	43754	-1.43301	0.45919	0.86999	0.00324	0.86364	0.87634	1.21605	1.10275
InHRindir5	N=500	44993	-0.68141	0.13612	1.62159	0.00174	1.61818	1.62500	2.76566	1.66303
InHRindir5	N=1000	45000	-0.47779	0.06014	1.82521	0.00116	1.82295	1.82748	3.39153	1.84161
Method 8										
InHRindir6	N=100	43754	-1.11870	0.12878	1.18430	0.00172	1.18094	1.18766	1.53134	1.23747
InHRindir6	N=500	44993	-0.51669	0.02799	1.78631	0.00079	1.78476	1.78785	3.21888	1.79412
InHRindir6	N=1000	45000	-0.36525	0.01389	1.93775	0.00056	1.93666	1.93883	3.76875	1.94133
Method 9										
InHRindir7	N=100	43754	-1.25777	0.18687	1.04523	0.00207	1.04118	1.04928	1.27937	1.13109
InHRindir7	N=500	44993	-0.58153	0.04114	1.72147	0.00096	1.71960	1.72335	3.00461	1.73338
InHRindir7	N=1000	45000	-0.41122	0.02046	1.89178	0.00067	1.89046	1.89311	3.59931	1.89718

Bias for Methods 1 through 9 with HR true = 0.3 [log(HR\_true) = -1.204]

Method	Allocation Ratio	Iterations	Theta	Variance	Bias	MCSE	Lower	Upper	MSE	RMSE
COX PH										
InHRobs	4:1	26923	-1.26643	0.09300	-0.06243	0.00186	-0.06608	-0.05879	0.09690	0.31129
InHRobs	2:1	26994	-1.26311	0.06681	-0.05911	0.00157	-0.06220	-0.05603	0.07030	0.26514
InHRobs	1:1	26999	-1.25948	0.05399	-0.05548	0.00141	-0.05825	-0.05270	0.05707	0.23888
InHRobs	1:2	27000	-1.26013	0.05507	-0.05613	0.00143	-0.05893	-0.05333	0.05822	0.24129
InHRobs	1:4	27000	-1.25949	0.06856	-0.05549	0.00159	-0.05862	-0.05237	0.07164	0.26766
Method 1										
InHRdir1	4:1	26923	-1.05039	0.06221	0.15361	0.00152	0.15063	0.15659	0.08580	0.29292
InHRdir1	2:1	26994	-1.05101	0.04418	0.15299	0.00128	0.15048	0.15550	0.06758	0.25996
InHRdir1	1:1	26999	-1.07150	0.03488	0.13250	0.00114	0.13028	0.13473	0.05244	0.22900
InHRdir1	1:2	27000	-1.11028	0.03441	0.09372	0.00113	0.09151	0.09594	0.04319	0.20782
InHRdir1	1:4	27000	-1.15194	0.04598	0.05206	0.00130	0.04950	0.05462	0.04869	0.22066
Method 2										
InHRdir2	4:1	26923	-0.97038	0.03494	0.23362	0.00114	0.23139	0.23586	0.08952	0.29920
InHRdir2	2:1	26994	-1.12146	0.04385	0.08254	0.00127	0.08005	0.08504	0.05066	0.22509
InHRdir2	1:1	26999	-1.33956	0.06875	-0.13556	0.00160	-0.13869	-0.13243	0.08712	0.29517
InHRdir2	1:2	27000	-1.62160	0.13604	-0.41760	0.00224	-0.42200	-0.41321	0.31043	0.55716
InHRdir2	1:4	27000	-1.91903	0.29559	-0.71503	0.00331	-0.72152	-0.70855	0.80685	0.89825
Method 7										
InHRindir5	4:1	26923	-0.75272	0.17688	0.45128	0.00256	0.44625	0.45630	0.38052	0.61686
InHRindir5	2:1	26994	-0.66449	0.14584	0.53951	0.00232	0.53495	0.54406	0.43691	0.66099
InHRindir5	1:1	26999	-0.62196	0.12168	0.58204	0.00212	0.57788	0.58620	0.46045	0.67857
InHRindir5	1:2	27000	-0.63819	0.11710	0.56581	0.00208	0.56172	0.56989	0.43724	0.66124
InHRindir5	1:4	27000	-0.70738	0.12585	0.49662	0.00216	0.49239	0.50085	0.37248	0.61032
Method 8										
InHRindir6	4:1	26923	-0.52667	0.05725	0.67733	0.00146	0.67447	0.68019	0.51602	0.71835
InHRindir6	2:1	26994	-0.56874	0.07786	0.63526	0.00170	0.63193	0.63859	0.48142	0.69384
InHRindir6	1:1	26999	-0.59652	0.09527	0.60748	0.00188	0.60380	0.61116	0.46430	0.68139
InHRindir6	1:2	27000	-0.61199	0.10723	0.59201	0.00199	0.58811	0.59592	0.45771	0.67654
InHRindir6	1:4	27000	-0.60727	0.10704	0.59673	0.00199	0.59282	0.60063	0.46312	0.68053
Method 9										
InHRindir7	4:1	26923	-0.65834	0.08946	0.54566	0.00182	0.54209	0.54923	0.38720	0.62225
InHRindir7	2:1	26994	-0.60400	0.08825	0.60000	0.00181	0.59646	0.60355	0.44825	0.66952
InHRindir7	1:1	26999	-0.59652	0.09527	0.60748	0.00188	0.60380	0.61116	0.46430	0.68139
InHRindir7	1:2	27000	-0.64994	0.12148	0.55406	0.00212	0.54990	0.55822	0.42846	0.65457
InHRindir7	1:4	27000	-0.75909	0.16725	0.44491	0.00249	0.44003	0.44978	0.36518	0.60430

- Anhang -

Bias for Methods 1 through 9 with HR true = 0.3 [log(HR\_true) = -1.204]

Method	Baseline Hazard	Iterations	Theta	Variance	Bias	MCSE	Lower	Upper	MSE	RMSE
СОХ РН										
InHRobs	25%	44928	-1.26435	0.08106	-0.06035	0.00134	-0.06298	-0.05771	0.08470	0.29103
InHRobs	50%	44991	-1.26076	0.06322	-0.05676	0.00119	-0.05909	-0.05444	0.06644	0.25776
InHRobs	75%	44997	-1.26008	0.05817	-0.05608	0.00114	-0.05831	-0.05385	0.06132	0.24762
Method 1										
InHRdir1	25%	44928	-1.09775	0.06064	0.10625	0.00116	0.10397	0.10853	0.07192	0.26818
InHRdir1	50%	44991	-1.08537	0.04169	0.11863	0.00096	0.11674	0.12052	0.05576	0.2361
InHRdir1	75%	44997	-1.07803	0.03504	0.12597	0.00088	0.12424	0.12770	0.05091	0.22563
Method 2										
InHRdir2	25%	44928	-1.38522	0.24810	-0.18122	0.00235	-0.18582	-0.17661	0.28094	0.5300
InHRdir2	50%	44991	-1.39571	0.22759	-0.19171	0.00225	-0.19612	-0.18730	0.26433	0.5141
InHRdir2	75%	44997	-1.40304	0.22223	-0.19904	0.00222	-0.20340	-0.19469	0.26184	0.5117
Method 7										
InHRindir5	25%	44928	-0.71737	0.16719	0.48663	0.00193	0.48285	0.49041	0.40400	0.6356
InHRindir5	50%	44991	-0.66774	0.13088	0.53626	0.00171	0.53292	0.53961	0.41845	0.64688
InHRindir5	75%	44997	-0.64568	0.11842	0.55832	0.00162	0.55514	0.56150	0.43015	0.65585
Method 8										
InHRindir6	25%	44928	-0.60808	0.09973	0.59592	0.00149	0.59300	0.59884	0.45484	0.67442
InHRindir6	50%	44991	-0.57669	0.08675	0.62731	0.00139	0.62459	0.63003	0.48027	0.6930
InHRindir6	75%	44997	-0.56208	0.08226	0.64192	0.00135	0.63927	0.64457	0.49432	0.70308
Method 9										
InHRindir7	25%	44928	-0.68246	0.12885	0.52154	0.00169	0.51822	0.52485	0.40085	0.63313
InHRindir7	50%	44991	-0.64738	0.11153	0.55662	0.00157	0.55354	0.55971	0.42135	0.64912
InHRindir7	75%	44997	-0.63093	0.10545	0.57307	0.00153	0.57007	0.57607	0.43385	0.6586

- Anhang -

Bias for Methods 1 through 9 with HR true = 0.3 [log(HR\_true) = -1.204]

Method	Censoring Distribution	Iterations	Theta	Variance	Bias	MCSE	Lower	Upper	MSE	RMSE
СОХ РН										
InHRobs	none	45000	-1.21199	0.03042	-0.00799	0.00082	-0.00960	-0.00638	0.03049	0.17461
InHRobs	exp0.5	44917	-1.22011	0.09399	-0.01611	0.00145	-0.01894	-0.01327	0.09425	0.30700
InHRobs	unif0.5	44999	-1.35301	0.06554	-0.14901	0.00121	-0.15137	-0.14664	0.08774	0.29621
Method 1										
InHRdir1	none	45000	-0.99622	0.01494	0.20778	0.00058	0.20665	0.20891	0.05811	0.24107
InHRdir1	exp0.5	44917	-1.16381	0.07795	0.04019	0.00132	0.03760	0.04277	0.07956	0.28207
InHRdir1	unif0.5	44999	-1.10125	0.03037	0.10275	0.00082	0.10114	0.10436	0.04093	0.20232
Method 2										
InHRdir2	none	45000	-1.36766	0.15676	-0.16366	0.00187	-0.16732	-0.16001	0.18354	0.42842
InHRdir2	exp0.5	44917	-1.24668	0.20571	-0.04268	0.00214	-0.04688	-0.03849	0.20752	0.45555
InHRdir2	unif0.5	44999	-1.56936	0.28243	-0.36536	0.00251	-0.37027	-0.36045	0.41591	0.64491
Method 7										
InHRindir5	none	45000	-0.50999	0.06730	0.69401	0.00122	0.69162	0.69641	0.54895	0.74091
InHRindir5	exp0.5	44917	-0.83226	0.18521	0.37174	0.00203	0.36776	0.37572	0.32340	0.56868
InHRindir5	unif0.5	44999	-0.68876	0.11463	0.51524	0.00160	0.51211	0.51836	0.38009	0.61652
Method 8										
InHRindir6	none	45000	-0.45371	0.05145	0.75029	0.00107	0.74820	0.75239	0.61438	0.78383
InHRindir6	exp0.5	44917	-0.68279	0.10417	0.52121	0.00152	0.51823	0.52420	0.37583	0.61305
InHRindir6	unif0.5	44999	-0.61050	0.08683	0.59350	0.00139	0.59078	0.59622	0.43907	0.66262
Method 9										
InHRindir7	none	45000	-0.50998	0.06730	0.69402	0.00122	0.69163	0.69642	0.54896	0.74092
InHRindir7	exp0.5	44917	-0.76587	0.13485	0.43813	0.00173	0.43473	0.44153	0.32680	0.57167
InHRindir7	unif0.5	44999	-0.68509	0.11089	0.51891	0.00157	0.51583	0.52198	0.38015	0.61656

- Anhang -

Bias for Methods 1 through 9 with HR true = 0.3 [log(HR\_true) = -1.204]

Method	Trial Size	Iterations	Theta	Variance	Bias	MCSE	Lower	Upper	MSE	RMSE
СОХ РН										
InHRobs	N=100	44916	-1.27866	0.15370	-0.07466	0.00185	-0.07828	-0.07103	0.15927	0.39908
InHRobs	N=500	45000	-1.25453	0.03098	-0.05053	0.00083	-0.05216	-0.04890	0.03353	0.18313
InHRobs	N=1000	45000	-1.25203	0.01749	-0.04803	0.00062	-0.04925	-0.04681	0.01980	0.14070
Method 1										
InHRdir1	N=100	44916	-1.08046	0.09754	0.12354	0.00147	0.12065	0.12642	0.11280	0.33586
InHRdir1	N=500	45000	-1.08945	0.02432	0.11455	0.00074	0.11310	0.11599	0.03744	0.19349
InHRdir1	N=1000	45000	-1.09120	0.01571	0.11280	0.00059	0.11164	0.11395	0.02843	0.16862
Method 2										
InHRdir2	N=100	44916	-1.40398	0.37745	-0.19998	0.00290	-0.20567	-0.19430	0.41743	0.64609
InHRdir2	N=500	45000	-1.38990	0.17092	-0.18590	0.00195	-0.18972	-0.18208	0.20548	0.45330
InHRdir2	N=1000	45000	-1.39011	0.14982	-0.18611	0.00182	-0.18969	-0.18253	0.18446	0.42948
Method 7										
InHRindir5	N=100	44916	-1.07304	0.12439	0.13096	0.00166	0.12769	0.13422	0.14154	0.37621
InHRindir5	N=500	45000	-0.56156	0.03126	0.64244	0.00083	0.64081	0.64408	0.44399	0.66632
InHRindir5	N=1000	45000	-0.39686	0.01511	0.80714	0.00058	0.80601	0.80828	0.66658	0.81645
Method 8										
InHRindir6	N=100	44916	-0.92126	0.06479	0.28274	0.00120	0.28038	0.28509	0.14473	0.38043
InHRindir6	N=500	45000	-0.48379	0.01537	0.72021	0.00058	0.71906	0.72135	0.53407	0.73080
InHRindir6	N=1000	45000	-0.34239	0.00767	0.86161	0.00041	0.86080	0.86242	0.75005	0.86605
Method 9										
InHRindir7	N=100	44916	-1.03242	0.08585	0.17158	0.00138	0.16887	0.17429	0.11529	0.33954
InHRindir7	N=500	45000	-0.54392	0.02258	0.66008	0.00071	0.65869	0.66147	0.45829	0.67697
InHRindir7	N=1000	45000	-0.38510	0.01133	0.81890	0.00050	0.81792	0.81989	0.68193	0.82579

Bias for Methods 1 through 9 with HR true = 0.5 [log(HR\_true) = -0.693]

Method	Allocation Ratio	Iterations	Theta	Variance	Bias	MCSE	Lower	Upper	MSE	RMSE
COX PH										
InHRobs	4:1	26983	-0.73156	0.07222	-0.03856	0.00164	-0.04177	-0.03536	0.07370	0.27149
InHRobs	2:1	26999	-0.72650	0.04901	-0.03350	0.00135	-0.03614	-0.03086	0.05013	0.22390
InHRobs	1:1	27000	-0.72380	0.04129	-0.03080	0.00124	-0.03322	-0.02838	0.04224	0.20551
InHRobs	1:2	27000	-0.72736	0.04416	-0.03436	0.00128	-0.03687	-0.03186	0.04534	0.21293
InHRobs	1:4	27000	-0.72630	0.05924	-0.03330	0.00148	-0.03620	-0.03040	0.06035	0.24566
Method 1										
InHRdir1	4:1	26983	-0.66560	0.05273	0.02740	0.00140	0.02466	0.03013	0.05348	0.23125
InHRdir1	2:1	26999	-0.66129	0.03449	0.03171	0.00113	0.02949	0.03392	0.03550	0.18840
InHRdir1	1:1	27000	-0.66591	0.03034	0.02709	0.00106	0.02501	0.02917	0.03107	0.17627
InHRdir1	1:2	27000	-0.68041	0.03352	0.01259	0.00111	0.01040	0.01477	0.03368	0.18351
InHRdir1	1:4	27000	-0.69190	0.04810	0.00110	0.00133	-0.00152	0.00371	0.04810	0.21931
Method 2										
InHRdir2	4:1	26983	-0.60828	0.03580	0.08472	0.00115	0.08246	0.08698	0.04298	0.20731
InHRdir2	2:1	26999	-0.66984	0.03503	0.02316	0.00114	0.02092	0.02539	0.03556	0.18859
InHRdir2	1:1	27000	-0.75156	0.04612	-0.05856	0.00131	-0.06112	-0.05600	0.04954	0.22259
InHRdir2	1:2	27000	-0.85204	0.07776	-0.15904	0.00170	-0.16236	-0.15571	0.10305	0.32101
InHRdir2	1:4	27000	-0.94562	0.15064	-0.25262	0.00236	-0.25725	-0.24799	0.21445	0.46309
Method 7										
InHRindir5	4:1	26983	-0.57257	0.07694	0.12043	0.00169	0.11712	0.12374	0.09145	0.30240
InHRindir5	2:1	26999	-0.51924	0.05856	0.17376	0.00147	0.17088	0.17665	0.08876	0.29792
InHRindir5	1:1	27000	-0.49810	0.05312	0.19490	0.00140	0.19216	0.19765	0.09110	0.30183
InHRindir5	1:2	27000	-0.51353	0.05289	0.17947	0.00140	0.17673	0.18222	0.08510	0.29171
InHRindir5	1:4	27000	-0.55922	0.05817	0.13378	0.00147	0.13090	0.13665	0.07606	0.27580
Method 8										
InHRindir6	4:1	26983	-0.42584	0.02893	0.26716	0.00104	0.26513	0.26919	0.10031	0.31671
InHRindir6	2:1	26999	-0.46789	0.03894	0.22511	0.00120	0.22276	0.22747	0.08962	0.29936
InHRindir6	1:1	27000	-0.49111	0.04741	0.20189	0.00133	0.19929	0.20449	0.08817	0.29693
InHRindir6	1:2	27000	-0.49225	0.05039	0.20075	0.00137	0.19807	0.20343	0.09069	0.30115
InHRindir6	1:4	27000	-0.46749	0.04692	0.22551	0.00132	0.22292	0.22809	0.09777	0.31268
Method 9										
InHRindir7	4:1	26983	-0.53230	0.04521	0.16070	0.00129	0.15816	0.16324	0.07103	0.26652
InHRindir7	2:1	26999	-0.49678	0.04410	0.19622	0.00128	0.19372	0.19873	0.08261	0.28741
InHRindir7	1:1	27000	-0.49111	0.04741	0.20189	0.00133	0.19929	0.20449	0.08817	0.29693
InHRindir7	1:2	27000	-0.52266	0.05706	0.17034	0.00145	0.16749	0.17318	0.08607	0.29338

- Anhang -

Bias for Methods 1 through 9 with HR true = 0.5 [log(HR\_true) = -0.693]

Method	Baseline Hazard	Iterations	Theta	Variance	Bias	MCSE	Lower	Upper	MSE	RMSE
СОХ РН										
InHRobs	25%	44982	-0.72776	0.06434	-0.03476	0.00120	-0.03711	-0.03242	0.06555	0.25603
InHRobs	50%	45000	-0.72834	0.04977	-0.03534	0.00105	-0.03740	-0.03328	0.05101	0.22586
InHRobs	75%	45000	-0.72522	0.04545	-0.03222	0.00100	-0.03419	-0.03025	0.04649	0.2156
Method 1										
InHRdir1	25%	44982	-0.67561	0.05074	0.01739	0.00106	0.01531	0.01948	0.05104	0.22593
InHRdir1	50%	45000	-0.67399	0.03669	0.01901	0.00090	0.01724	0.02078	0.03705	0.19250
InHRdir1	75%	45000	-0.66949	0.03244	0.02351	0.00085	0.02185	0.02518	0.03299	0.18163
Method 2										
InHRdir2	25%	44982	-0.76192	0.09261	-0.06892	0.00143	-0.07173	-0.06611	0.09736	0.31202
InHRdir2	50%	45000	-0.76785	0.08091	-0.07485	0.00134	-0.07748	-0.07222	0.08651	0.29413
InHRdir2	75%	45000	-0.76669	0.07808	-0.07369	0.00132	-0.07627	-0.07111	0.08350	0.28897
Method 7										
InHRindir5	25%	44982	-0.55253	0.07257	0.14047	0.00127	0.13798	0.14296	0.09230	0.30382
InHRindir5	50%	45000	-0.52973	0.05733	0.16327	0.00113	0.16106	0.16548	0.08398	0.28980
InHRindir5	75%	45000	-0.51532	0.05162	0.17768	0.00107	0.17558	0.17978	0.08319	0.28843
Method 8										
InHRindir6	25%	44982	-0.48340	0.04839	0.20960	0.00104	0.20757	0.21163	0.09232	0.30385
InHRindir6	50%	45000	-0.46731	0.04161	0.22569	0.00096	0.22380	0.22757	0.09254	0.30421
InHRindir6	75%	45000	-0.45606	0.03892	0.23694	0.00093	0.23512	0.23876	0.09506	0.30831
Method 9										
InHRindir7	25%	44982	-0.54151	0.06126	0.15149	0.00117	0.14921	0.15378	0.08421	0.29018
InHRindir7	50%	45000	-0.52362	0.05250	0.16938	0.00108	0.16726	0.17149	0.08119	0.28494
InHRindir7	75%	45000	-0.51120	0.04935	0.18180	0.00105	0.17974	0.18385	0.08240	0.28705

- Anhang -

Bias for Methods 1 through 9 with HR true = 0.5 [log(HR\_true) = -0.693]

Method	Censoring Distribution	Iterations	Theta	Variance	Bias	MCSE	Lower	Upper	MSE	RMSE
СОХ РН										
InHRobs	none	45000	-0.69885	0.02604	-0.00585	0.00076	-0.00734	-0.00436	0.02607	0.16146
InHRobs	exp0.5	44982	-0.70212	0.07407	-0.00912	0.00128	-0.01164	-0.00661	0.07415	0.27230
InHRobs	unif0.5	45000	-0.78033	0.05521	-0.08733	0.00111	-0.08950	-0.08516	0.06284	0.25068
Method 1										
InHRdir1	none	45000	-0.63596	0.01691	0.05704	0.00061	0.05584	0.05825	0.02017	0.14201
InHRdir1	exp0.5	44982	-0.67950	0.06476	0.01350	0.00120	0.01114	0.01585	0.06494	0.25484
InHRdir1	unif0.5	45000	-0.70362	0.03587	-0.01062	0.00089	-0.01237	-0.00887	0.03598	0.18970
Method 2										
InHRdir2	none	45000	-0.74386	0.05026	-0.05086	0.00106	-0.05293	-0.04879	0.05284	0.22988
InHRdir2	exp0.5	44982	-0.71194	0.09242	-0.01894	0.00143	-0.02175	-0.01614	0.09277	0.30459
InHRdir2	unif0.5	45000	-0.84064	0.09996	-0.14764	0.00149	-0.15056	-0.14472	0.12176	0.34894
Method 7										
InHRindir5	none	45000	-0.44082	0.03828	0.25218	0.00092	0.25037	0.25399	0.10187	0.31917
InHRindir5	exp0.5	44982	-0.59532	0.07656	0.09768	0.00130	0.09513	0.10024	0.08610	0.29343
InHRindir5	unif0.5	45000	-0.56146	0.05421	0.13154	0.00110	0.12939	0.13369	0.07151	0.26741
Method 8										
InHRindir6	none	45000	-0.39324	0.03039	0.29976	0.00082	0.29815	0.30137	0.12024	0.34676
InHRindir6	exp0.5	44982	-0.51452	0.04815	0.17848	0.00103	0.17645	0.18050	0.08001	0.28286
InHRindir6	unif0.5	45000	-0.49902	0.04204	0.19398	0.00097	0.19209	0.19588	0.07967	0.28226
Method 9										
InHRindir7	none	45000	-0.44082	0.03827	0.25218	0.00092	0.25037	0.25399	0.10187	0.31917
InHRindir7	exp0.5	44982	-0.57631	0.06131	0.11669	0.00117	0.11440	0.11898	0.07493	0.27373
InHRindir7	unif0.5	45000	-0.55922	0.05310	0.13378	0.00109	0.13166	0.13591	0.07099	0.26645

- Anhang -

Bias for Methods 1 through 9 with HR true = 0.5 [log(HR\_true) = -0.693]

Method	Trial Size	Iterations	Theta	Variance	Bias	MCSE	Lower	Upper	MSE	RMSE
COX PH										
InHRobs	N=100	44982	-0.73731	0.12453	-0.04431	0.00166	-0.04757	-0.04105	0.12649	0.35566
InHRobs	N=500	45000	-0.72336	0.02279	-0.03036	0.00071	-0.03175	-0.02896	0.02371	0.15397
InHRobs	N=1000	45000	-0.72066	0.01211	-0.02766	0.00052	-0.02867	-0.02664	0.01288	0.11348
Method 1										
InHRdir1	N=100	44982	-0.66648	0.09255	0.02652	0.00143	0.02371	0.02933	0.09325	0.30537
InHRdir1	N=500	45000	-0.67601	0.01783	0.01699	0.00063	0.01576	0.01822	0.01812	0.13462
InHRdir1	N=1000	45000	-0.67659	0.00946	0.01641	0.00046	0.01552	0.01731	0.00973	0.09865
Method 2										
InHRdir2	N=100	44982	-0.77658	0.17819	-0.08358	0.00199	-0.08748	-0.07968	0.18518	0.43032
InHRdir2	N=500	45000	-0.76131	0.04376	-0.06831	0.00099	-0.07025	-0.06638	0.04842	0.22005
InHRdir2	N=1000	45000	-0.75857	0.02951	-0.06557	0.00081	-0.06716	-0.06398	0.03381	0.18387
Method 7										
InHRindir5	N=100	44982	-0.71006	0.10226	-0.01706	0.00151	-0.02002	-0.01411	0.10255	0.32023
InHRindir5	N=500	45000	-0.51247	0.01470	0.18053	0.00057	0.17941	0.18165	0.04729	0.21746
InHRindir5	N=1000	45000	-0.37512	0.00860	0.31788	0.00044	0.31703	0.31874	0.10964	0.33113
Method 8										
InHRindir6	N=100	44982	-0.62353	0.07149	0.06947	0.00126	0.06700	0.07194	0.07632	0.27626
InHRindir6	N=500	45000	-0.45246	0.00935	0.24054	0.00046	0.23965	0.24144	0.06721	0.25924
InHRindir6	N=1000	45000	-0.33084	0.00524	0.36216	0.00034	0.36149	0.36283	0.13640	0.36932
Method 9										
InHRindir7	N=100	44982	-0.69674	0.08925	-0.00374	0.00141	-0.00650	-0.00098	0.08926	0.29876
InHRindir7	N=500	45000	-0.50772	0.01327	0.18528	0.00054	0.18422	0.18635	0.04760	0.21818
InHRindir7	N=1000	45000	-0.37193	0.00785	0.32107	0.00042	0.32025	0.32189	0.11094	0.33307

Bias for Methods 1 through 9 with HR true = 0.7 [log(HR\_true) = -0.357]

Method	Allocation Ratio	Iterations	Theta	Variance	Bias	MCSE	Lower	Upper	MSE	RMSE
СОХ РН										
InHRobs	4:1	26999	-0.37526	0.06065	-0.01826	0.00150	-0.02119	-0.01532	0.06098	0.24694
InHRobs	2:1	27000	-0.37431	0.04162	-0.01731	0.00124	-0.01975	-0.01488	0.04192	0.20475
InHRobs	1:1	27000	-0.37406	0.03484	-0.01706	0.00114	-0.01929	-0.01484	0.03513	0.18744
InHRobs	1:2	27000	-0.37459	0.03939	-0.01759	0.00121	-0.01995	-0.01522	0.03970	0.19925
InHRobs	1:4	26999	-0.37691	0.05511	-0.01991	0.00143	-0.02271	-0.01711	0.05550	0.23559
Method 1										
InHRdir1	4:1	26999	-0.35677	0.05085	0.00023	0.00137	-0.00246	0.00292	0.05085	0.22549
InHRdir1	2:1	27000	-0.35671	0.03473	0.00029	0.00113	-0.00193	0.00251	0.03473	0.18637
InHRdir1	1:1	27000	-0.35797	0.02948	-0.00097	0.00104	-0.00302	0.00108	0.02948	0.17171
InHRdir1	1:2	27000	-0.36116	0.03421	-0.00416	0.00113	-0.00636	-0.00195	0.03423	0.18501
InHRdir1	1:4	26999	-0.36607	0.04904	-0.00907	0.00135	-0.01171	-0.00643	0.04912	0.22163
Method 2										
InHRdir2	4:1	26999	-0.32848	0.04115	0.02852	0.00123	0.02610	0.03094	0.04196	0.20485
InHRdir2	2:1	27000	-0.35245	0.03386	0.00455	0.00112	0.00236	0.00675	0.03388	0.18406
InHRdir2	1:1	27000	-0.38015	0.03656	-0.02315	0.00116	-0.02543	-0.02087	0.03709	0.19259
InHRdir2	1:2	27000	-0.41092	0.05308	-0.05392	0.00140	-0.05666	-0.05117	0.05599	0.23661
InHRdir2	1:4	26999	-0.44567	0.09291	-0.08867	0.00186	-0.09230	-0.08503	0.10076	0.31743
Method 7										
InHRindir5	4:1	26999	-0.37631	0.04414	-0.01931	0.00128	-0.02182	-0.01681	0.04452	0.21099
InHRindir5	2:1	27000	-0.35527	0.03105	0.00173	0.00107	-0.00037	0.00383	0.03106	0.17622
InHRindir5	1:1	27000	-0.34805	0.02562	0.00895	0.00097	0.00704	0.01086	0.02570	0.16030
InHRindir5	1:2	27000	-0.35596	0.02831	0.00104	0.00102	-0.00097	0.00304	0.02831	0.16826
InHRindir5	1:4	26999	-0.37777	0.03823	-0.02077	0.00119	-0.02311	-0.01844	0.03866	0.19661
Method 8										
InHRindir6	4:1	26999	-0.28850	0.02017	0.06850	0.00086	0.06681	0.07019	0.02486	0.15768
InHRindir6	2:1	27000	-0.32678	0.02270	0.03022	0.00092	0.02842	0.03202	0.02361	0.15366
InHRindir6	1:1	27000	-0.34620	0.02447	0.01080	0.00095	0.00893	0.01266	0.02458	0.15679
InHRindir6	1:2	27000	-0.33917	0.02677	0.01783	0.00100	0.01587	0.01978	0.02709	0.16458
InHRindir6	1:4	26999	-0.31004	0.02836	0.04696	0.00102	0.04495	0.04897	0.03056	0.17483
Method 9										
InHRindir7	4:1	26999	-0.36062	0.03152	-0.00362	0.00108	-0.00574	-0.00151	0.03153	0.17757
InHRindir7	2:1	27000	-0.34689	0.02565	0.01011	0.00097	0.00820	0.01202	0.02575	0.16047
InHRindir7	1:1	27000	-0.34620	0.02447	0.01080	0.00095	0.00893	0.01266	0.02458	0.15679
InHRindir7	1:2	27000	-0.36006	0.03026	-0.00306	0.00106	-0.00513	-0.00098	0.03026	0.17397
InHRindir7	1:4	26999	-0.38755	0.04431	-0.03055	0.00128	-0.03306	-0.02804	0.04524	0.21271

- Anhang -

Bias for Methods 1 through 9 with HR true = 0.7 [log(HR\_true) = -0.357]

Method	Baseline Hazard	Iterations	Theta	Variance	Bias	MCSE	Lower	Upper	MSE	RMSE
СОХ РН										
InHRobs	25%	44998	-0.37598	0.05403	-0.01898	0.00110	-0.02113	-0.01683	0.05439	0.23322
InHRobs	50%	45000	-0.37413	0.04410	-0.01713	0.00099	-0.01907	-0.01519	0.04440	0.21071
InHRobs	75%	45000	-0.37497	0.04083	-0.01797	0.00095	-0.01984	-0.01610	0.04115	0.20286
Method 1										
InHRdir1	25%	44998	-0.36109	0.04719	-0.00409	0.00102	-0.00610	-0.00209	0.04721	0.21727
InHRdir1	50%	45000	-0.35885	0.03751	-0.00185	0.00091	-0.00364	-0.00006	0.03751	0.19369
InHRdir1	75%	45000	-0.35926	0.03432	-0.00226	0.00087	-0.00397	-0.00055	0.03433	0.18528
Method 2										
InHRdir2	25%	44998	-0.38350	0.05967	-0.02650	0.00115	-0.02875	-0.02424	0.06037	0.2457
InHRdir2	50%	45000	-0.38269	0.05142	-0.02569	0.00107	-0.02778	-0.02359	0.05207	0.22820
InHRdir2	75%	45000	-0.38442	0.04861	-0.02742	0.00104	-0.02945	-0.02538	0.04936	0.22218
Method 7										
InHRindir5	25%	44998	-0.37009	0.03971	-0.01309	0.00094	-0.01493	-0.01125	0.03989	0.1997
InHRindir5	50%	45000	-0.36021	0.03204	-0.00321	0.00084	-0.00487	-0.00156	0.03205	0.17902
InHRindir5	75%	45000	-0.35772	0.02901	-0.00072	0.00080	-0.00230	0.00085	0.02901	0.17032
Method 8										
InHRindir6	25%	44998	-0.32750	0.02818	0.02950	0.00079	0.02795	0.03105	0.02905	0.1704
InHRindir6	50%	45000	-0.32015	0.02405	0.03685	0.00073	0.03541	0.03828	0.02540	0.15939
InHRindir6	75%	45000	-0.31877	0.02251	0.03823	0.00071	0.03685	0.03962	0.02397	0.15482
Method 9										
InHRindir7	25%	44998	-0.36628	0.03556	-0.00928	0.00089	-0.01102	-0.00754	0.03565	0.18880
InHRindir7	50%	45000	-0.35813	0.03046	-0.00113	0.00082	-0.00274	0.00048	0.03046	0.1745
InHRindir7	75%	45000	-0.35639	0.02831	0.00061	0.00079	-0.00094	0.00217	0.02831	0.16827

- Anhang -

Bias for Methods 1 through 9 with HR true = 0.7 [log(HR\_true) = -0.357]

Method	Censoring Distribution	Iterations	Theta	Variance	Bias	MCSE	Lower	Upper	MSE	RMSE
СОХ РН										
InHRobs	none	45000	-0.35979	0.02450	-0.00279	0.00074	-0.00423	-0.00134	0.02451	0.15656
InHRobs	exp0.5	44998	-0.36448	0.06172	-0.00748	0.00117	-0.00977	-0.00518	0.06177	0.24854
InHRobs	unif0.5	45000	-0.40081	0.05174	-0.04381	0.00107	-0.04591	-0.04171	0.05366	0.23165
Method 1										
InHRdir1	none	45000	-0.34408	0.02026	0.01292	0.00067	0.01161	0.01424	0.02042	0.14291
InHRdir1	exp0.5	44998	-0.35562	0.05619	0.00138	0.00112	-0.00081	0.00357	0.05619	0.23704
InHRdir1	unif0.5	45000	-0.37950	0.04193	-0.02250	0.00097	-0.02440	-0.02061	0.04244	0.20600
Method 2										
InHRdir2	none	45000	-0.36960	0.03028	-0.01260	0.00082	-0.01421	-0.01099	0.03044	0.17446
InHRdir2	exp0.5	44998	-0.36716	0.06541	-0.01016	0.00121	-0.01253	-0.00780	0.06551	0.25595
InHRdir2	unif0.5	45000	-0.41383	0.06264	-0.05683	0.00118	-0.05914	-0.05452	0.06587	0.25664
Method 7										
InHRindir5	none	45000	-0.32216	0.01791	0.03484	0.00063	0.03360	0.03608	0.01912	0.13829
InHRindir5	exp0.5	44998	-0.37649	0.04599	-0.01949	0.00101	-0.02147	-0.01751	0.04637	0.21535
InHRindir5	unif0.5	45000	-0.38938	0.03439	-0.03238	0.00087	-0.03409	-0.03066	0.03544	0.18826
Method 8										
InHRindir6	none	45000	-0.28788	0.01422	0.06912	0.00056	0.06801	0.07022	0.01900	0.13783
InHRindir6	exp0.5	44998	-0.33156	0.03200	0.02544	0.00084	0.02379	0.02709	0.03264	0.18067
InHRindir6	unif0.5	45000	-0.34697	0.02669	0.01003	0.00077	0.00852	0.01153	0.02679	0.16367
Method 9										
InHRindir7	none	45000	-0.32216	0.01791	0.03484	0.00063	0.03360	0.03608	0.01912	0.13829
InHRindir7	exp0.5	44998	-0.37075	0.04056	-0.01375	0.00095	-0.01561	-0.01189	0.04075	0.20185
InHRindir7	unif0.5	45000	-0.38789	0.03360	-0.03089	0.00086	-0.03258	-0.02920	0.03456	0.18589

- Anhang -

Bias for Methods 1 through 9 with HR true = 0.7 [log(HR\_true) = -0.357]

Method	Trial Size	Iterations	Theta	Variance	Bias	MCSE	Lower	Upper	MSE	RMSE
СОХ РН										
InHRobs	N=100	44998	-0.38049	0.10886	-0.02349	0.00156	-0.02654	-0.02044	0.10941	0.33078
InHRobs	N=500	45000	-0.37337	0.02003	-0.01637	0.00067	-0.01768	-0.01507	0.02030	0.14249
InHRobs	N=1000	45000	-0.37122	0.01003	-0.01422	0.00047	-0.01514	-0.01329	0.01023	0.10114
Method 1										
InHRdir1	N=100	44998	-0.35512	0.09181	0.00188	0.00143	-0.00092	0.00468	0.09181	0.30301
InHRdir1	N=500	45000	-0.36204	0.01808	-0.00504	0.00063	-0.00628	-0.00380	0.01810	0.13455
InHRdir1	N=1000	45000	-0.36204	0.00911	-0.00504	0.00045	-0.00592	-0.00416	0.00913	0.09557
Method 2										
InHRdir2	N=100	44998	-0.39171	0.12394	-0.03471	0.00166	-0.03796	-0.03146	0.12515	0.35376
InHRdir2	N=500	45000	-0.38096	0.02351	-0.02396	0.00072	-0.02538	-0.02255	0.02409	0.15520
InHRdir2	N=1000	45000	-0.37792	0.01214	-0.02092	0.00052	-0.02194	-0.01990	0.01258	0.11215
Method 7										
InHRindir5	N=100	44998	-0.40834	0.07523	-0.05134	0.00129	-0.05388	-0.04881	0.07786	0.27904
InHRindir5	N=500	45000	-0.35887	0.01583	-0.00187	0.00059	-0.00303	-0.00071	0.01583	0.12583
InHRindir5	N=1000	45000	-0.32082	0.00594	0.03618	0.00036	0.03547	0.03689	0.00725	0.08512
Method 8										
InHRindir6	N=100	44998	-0.35996	0.05492	-0.00296	0.00110	-0.00513	-0.00080	0.05493	0.23436
InHRindir6	N=500	45000	-0.32057	0.01263	0.03643	0.00053	0.03539	0.03747	0.01396	0.11816
InHRindir6	N=1000	45000	-0.28589	0.00448	0.07111	0.00032	0.07049	0.07173	0.00954	0.09767
Method 9										
InHRindir7	N=100	44998	-0.40284	0.06947	-0.04584	0.00124	-0.04828	-0.04341	0.07157	0.26753
InHRindir7	N=500	45000	-0.35788	0.01565	-0.00088	0.00059	-0.00204	0.00027	0.01565	0.12511
InHRindir7	N=1000	45000	-0.32007	0.00584	0.03693	0.00036	0.03622	0.03764	0.00720	0.08486

Bias for Methods 1 through 9 with HR true = 0.9 [log(HR\_true) = -0.105]

									Name of the second	
Method	Allocation Ratio	Iterations	Theta	Variance	Bias	MCSE	Lower	Upper	MSE	RMSE
COX PH										
InHRobs	4:1	27000	-0.10734	0.05541	-0.00234	0.00143	-0.00515	0.00047	0.05541	0.23539
InHRobs	2:1	27000	-0.10928	0.03847	-0.00428	0.00119	-0.00662	-0.00194	0.03849	0.19618
InHRobs	1:1	27000	-0.10957	0.03365	-0.00457	0.00112	-0.00676	-0.00238	0.03367	0.18350
InHRobs	1:2	27000	-0.11238	0.03726	-0.00738	0.00117	-0.00968	-0.00507	0.03732	0.19318
InHRobs	1:4	26999	-0.11290	0.05346	-0.00790	0.00141	-0.01066	-0.00514	0.05352	0.23134
Method 1										
InHRdir1	4:1	27000	-0.10348	0.05013	0.00152	0.00136	-0.00115	0.00420	0.05013	0.22389
InHRdir1	2:1	27000	-0.10576	0.03471	-0.00076	0.00113	-0.00299	0.00146	0.03471	0.18630
InHRdir1	1:1	27000	-0.10657	0.03041	-0.00157	0.00106	-0.00365	0.00051	0.03041	0.17439
InHRdir1	1:2	27000	-0.10969	0.03393	-0.00469	0.00112	-0.00688	-0.00249	0.03395	0.18425
InHRdir1	1:4	26999	-0.11080	0.04884	-0.00580	0.00134	-0.00844	-0.00317	0.04887	0.22106
Method 2										
InHRdir2	4:1	27000	-0.08952	0.05200	0.01548	0.00139	0.01276	0.01820	0.05224	0.22855
InHRdir2	2:1	27000	-0.10199	0.03641	0.00301	0.00116	0.00073	0.00528	0.03642	0.19083
InHRdir2	1:1	27000	-0.11026	0.03417	-0.00526	0.00112	-0.00746	-0.00306	0.03419	0.18492
InHRdir2	1:2	27000	-0.12141	0.04116	-0.01641	0.00123	-0.01883	-0.01399	0.04143	0.20355
InHRdir2	1:4	26999	-0.13398	0.06542	-0.02898	0.00156	-0.03203	-0.02593	0.06626	0.25741
Method 7										
InHRindir5	4:1	27000	-0.18689	0.03071	-0.08189	0.00107	-0.08398	-0.07980	0.03742	0.19343
InHRindir5	2:1	27000	-0.16608	0.02126	-0.06108	0.00089	-0.06282	-0.05934	0.02499	0.15807
InHRindir5	1:1	27000	-0.16031	0.01845	-0.05531	0.00083	-0.05693	-0.05369	0.02151	0.14665
InHRindir5	1:2	27000	-0.16680	0.02058	-0.06180	0.00087	-0.06351	-0.06009	0.02439	0.15619
InHRindir5	1:4	26999	-0.18727	0.02972	-0.08227	0.00105	-0.08433	-0.08022	0.03649	0.19101
Method 8										
InHRindir6	4:1	27000	-0.14576	0.01660	-0.04076	0.00078	-0.04229	-0.03922	0.01826	0.13513
InHRindir6	2:1	27000	-0.15432	0.01722	-0.04932	0.00080	-0.05089	-0.04776	0.01965	0.14017
InHRindir6	1:1	27000	-0.15968	0.01799	-0.05468	0.00082	-0.05628	-0.05308	0.02098	0.14484
InHRindir6	1:2	27000	-0.15757	0.01850	-0.05257	0.00083	-0.05419	-0.05095	0.02126	0.14582
InHRindir6	1:4	26999	-0.15072	0.01953	-0.04572	0.00085	-0.04739	-0.04406	0.02162	0.14703
Method 9										
InHRindir7	4:1	27000	-0.18220	0.02594	-0.07720	0.00098	-0.07912	-0.07527	0.03189	0.17859
InHRindir7	2:1	27000	-0.16388	0.01946	-0.05888	0.00085	-0.06054	-0.05721	0.02292	0.15140
InHRindir7	1:1	27000	-0.15968	0.01799	-0.05468	0.00082	-0.05628	-0.05308	0.02098	0.14484
InHRindir7	1:2	27000	-0.16732	0.02091	-0.06232	0.00088	-0.06405	-0.06060	0.02479	0.15745

- Anhang -

Bias for Methods 1 through 9 with HR true = 0.9 [log(HR\_true) = -0.105]

Method	Baseline Hazard	Iterations	Theta	Variance	Bias	MCSE	Lower	Upper	MSE	RMSE
СОХ РН										
InHRobs	25%	44999	-0.11097	0.05108	-0.00597	0.00107	-0.00806	-0.00388	0.05111	0.22608
InHRobs	50%	45000	-0.11076	0.04141	-0.00576	0.00096	-0.00764	-0.00388	0.04144	0.20358
InHRobs	75%	45000	-0.10915	0.03847	-0.00415	0.00092	-0.00596	-0.00233	0.03849	0.19618
Method 1										
InHRdir1	25%	44999	-0.10797	0.04665	-0.00297	0.00102	-0.00497	-0.00098	0.04666	0.21601
InHRdir1	50%	45000	-0.10762	0.03743	-0.00262	0.00091	-0.00440	-0.00083	0.03744	0.19349
InHRdir1	75%	45000	-0.10618	0.03474	-0.00118	0.00088	-0.00291	0.00054	0.03474	0.18639
Method 2										
InHRdir2	25%	44999	-0.11181	0.05278	-0.00681	0.00108	-0.00893	-0.00469	0.05282	0.22983
InHRdir2	50%	45000	-0.11196	0.04435	-0.00696	0.00099	-0.00890	-0.00501	0.04439	0.21070
InHRdir2	75%	45000	-0.11053	0.04108	-0.00553	0.00096	-0.00740	-0.00365	0.04111	0.20275
Method 7										
InHRindir5	25%	44999	-0.18252	0.02908	-0.07752	0.00080	-0.07910	-0.07594	0.03508	0.18731
InHRindir5	50%	45000	-0.17097	0.02278	-0.06597	0.00071	-0.06736	-0.06457	0.02713	0.16471
InHRindir5	75%	45000	-0.16693	0.02082	-0.06193	0.00068	-0.06326	-0.06059	0.02466	0.15703
Method 8										
InHRindir6	25%	44999	-0.16090	0.02070	-0.05590	0.00068	-0.05723	-0.05457	0.02382	0.15434
InHRindir6	50%	45000	-0.15162	0.01722	-0.04662	0.00062	-0.04784	-0.04541	0.01940	0.13927
InHRindir6	75%	45000	-0.14831	0.01597	-0.04331	0.00060	-0.04448	-0.04214	0.01785	0.13359
Method 9										
InHRindir7	25%	44999	-0.18050	0.02655	-0.07550	0.00077	-0.07701	-0.07400	0.03225	0.17957
InHRindir7	50%	45000	-0.17009	0.02217	-0.06509	0.00070	-0.06647	-0.06372	0.02641	0.16250
InHRindir7	75%	45000	-0.16629	0.02042	-0.06129	0.00067	-0.06261	-0.05997	0.02418	0.15550

- Anhang -

Bias for Methods 1 through 9 with HR true = 0.9 [log(HR\_true) = -0.105]

Method	Censoring Distribution	Iterations	Theta	Variance	Bias	MCSE	Lower	Upper	MSE	RMSE
СОХ РН										
InHRobs	none	45000	-0.10641	0.02388	-0.00141	0.00073	-0.00284	0.00001	0.02388	0.15455
InHRobs	exp0.5	44999	-0.10510	0.05690	-0.00010	0.00112	-0.00230	0.00211	0.05690	0.23853
InHRobs	unif0.5	45000	-0.11937	0.05006	-0.01437	0.00105	-0.01643	-0.01230	0.05026	0.22419
Method 1										
InHRdir1	none	45000	-0.10372	0.02176	0.00128	0.00070	-0.00008	0.00264	0.02176	0.14751
InHRdir1	exp0.5	44999	-0.10296	0.05283	0.00204	0.00108	-0.00008	0.00416	0.05284	0.22986
InHRdir1	unif0.5	45000	-0.11509	0.04414	-0.01009	0.00099	-0.01204	-0.00815	0.04424	0.21034
Method 2										
InHRdir2	none	45000	-0.10781	0.02601	-0.00281	0.00076	-0.00430	-0.00132	0.02601	0.16129
InHRdir2	exp0.5	44999	-0.10548	0.05801	-0.00048	0.00114	-0.00270	0.00175	0.05801	0.24085
InHRdir2	unif0.5	45000	-0.12101	0.05404	-0.01601	0.00110	-0.01815	-0.01386	0.05430	0.23302
Method 7										
InHRindir5	none	45000	-0.14438	0.01318	-0.03938	0.00054	-0.04044	-0.03832	0.01473	0.12135
InHRindir5	exp0.5	44999	-0.18902	0.03185	-0.08402	0.00084	-0.08567	-0.08237	0.03891	0.19725
InHRindir5	unif0.5	45000	-0.18702	0.02651	-0.08202	0.00077	-0.08352	-0.08051	0.03324	0.18231
Method 8										
InHRindir6	none	45000	-0.12885	0.01033	-0.02385	0.00048	-0.02479	-0.02291	0.01090	0.10440
InHRindir6	exp0.5	44999	-0.16630	0.02260	-0.06130	0.00071	-0.06269	-0.05991	0.02635	0.16233
InHRindir6	unif0.5	45000	-0.16568	0.02013	-0.06068	0.00067	-0.06199	-0.05937	0.02381	0.15431
Method 9										
InHRindir7	none	45000	-0.14438	0.01318	-0.03938	0.00054	-0.04044	-0.03832	0.01473	0.12135
InHRindir7	exp0.5	44999	-0.18664	0.02902	-0.08164	0.00080	-0.08321	-0.08006	0.03569	0.18890
InHRindir7	unif0.5	45000	-0.18587	0.02588	-0.08087	0.00076	-0.08236	-0.07938	0.03242	0.18006

- Anhang -

Bias for Methods 1 through 9 with HR true = 0.9 [log(HR\_true) = -0.105]

Method	Trial Size	Iterations	Theta	Variance	Bias	MCSE	Lower	Upper	MSE	RMSE
СОХ РН										
InHRobs	N=100	44999	-0.11197	0.10320	-0.00697	0.00151	-0.00994	-0.00400	0.10325	0.32133
InHRobs	N=500	45000	-0.10935	0.01862	-0.00435	0.00064	-0.00561	-0.00309	0.01864	0.13654
InHRobs	N=1000	45000	-0.10956	0.00913	-0.00456	0.00045	-0.00544	-0.00368	0.00915	0.09566
Method 1										
InHRdir1	N=100	44999	-0.10575	0.09195	-0.00075	0.00143	-0.00355	0.00206	0.09195	0.30324
InHRdir1	N=500	45000	-0.10756	0.01796	-0.00256	0.00063	-0.00380	-0.00132	0.01796	0.13403
InHRdir1	N=1000	45000	-0.10847	0.00891	-0.00347	0.00045	-0.00434	-0.00260	0.00892	0.09446
Method 2										
InHRdir2	N=100	44999	-0.11427	0.10987	-0.00927	0.00156	-0.01233	-0.00620	0.10995	0.33159
InHRdir2	N=500	45000	-0.10999	0.01902	-0.00499	0.00065	-0.00627	-0.00372	0.01904	0.13799
InHRdir2	N=1000	45000	-0.11004	0.00930	-0.00504	0.00045	-0.00593	-0.00415	0.00933	0.09659
Method 7										
InHRindir5	N=100	44999	-0.25904	0.04477	-0.15404	0.00100	-0.15599	-0.15208	0.06849	0.26171
InHRindir5	N=500	45000	-0.14029	0.01056	-0.03529	0.00048	-0.03624	-0.03434	0.01180	0.10864
InHRindir5	N=1000	45000	-0.12109	0.00632	-0.01609	0.00037	-0.01682	-0.01535	0.00658	0.08110
Method 8										
InHRindir6	N=100	44999	-0.22766	0.03236	-0.12266	0.00085	-0.12432	-0.12099	0.04740	0.21772
InHRindir6	N=500	45000	-0.12499	0.00824	-0.01999	0.00043	-0.02083	-0.01915	0.00864	0.09295
InHRindir6	N=1000	45000	-0.10819	0.00501	-0.00319	0.00033	-0.00384	-0.00254	0.00502	0.07086
Method 9										
InHRindir7	N=100	44999	-0.25595	0.04184	-0.15095	0.00096	-0.15284	-0.14907	0.06463	0.25422
InHRindir7	N=500	45000	-0.13997	0.01044	-0.03497	0.00048	-0.03591	-0.03402	0.01167	0.10801
InHRindir7	N=1000	45000	-0.12097	0.00629	-0.01597	0.00037	-0.01670	-0.01524	0.00654	0.08089

- Anhang -

Pooled Variance Estimators for Methods 1 through 6 at differing Allocation Ratios

InVobs   2:1	Method	Allocation Ratio	Iterations	Theta	Variance	MCSE	Lower	Upper
InVobs   2:1	сох РН							
InVobs   1:1   134875   0.05107   0.00743   0.00023   0.05061   0.05153     InVobs   1:2   134952   0.05179   0.00618   0.00025   0.06455   0.06551     InVobs   1:4   134953   0.06503   0.00816   0.00025   0.06455   0.06551     Method   InVdir1   4:1   134189   0.04045   0.00228   0.00013   0.04019   0.04070     InVdir1   2:1   134673   0.03455   0.00152   0.00011   0.03435   0.03476     InVdir1   1:1   134875   0.03876   0.0016   0.00012   0.03852   0.03899     InVdir1   1:2   134952   0.05761   0.00521   0.00020   0.05723   0.05800     InVdir2   1:1   134189   0.04423   0.00257   0.00014   0.04306   0.10464     InVdir2   2:1   134673   0.03796   0.00179   0.00012   0.03774   0.03819     InVdir2   1:1   134875   0.04230   0.00237   0.00013   0.04204   0.04256     InVdir2   1:2   134952   0.06181   0.00617   0.00021   0.06139   0.06223     InVdir2   1:4   134189   0.08600   0.01820   0.00037   0.06633   0.06233     InVindir1   1:1   134673   0.05606   0.00976   0.00027   0.06633   0.06138     InVindir1   1:1   134875   0.05015   0.00586   0.00027   0.06033   0.06138     InVindir1   1:1   134875   0.05015   0.00589   0.00020   0.05066   0.05164     InVindir1   1:2   134953   0.06449   0.00729   0.00023   0.06404   0.06495     Method 4   InVindir2   1:1   134189   0.07019   0.01478   0.00033   0.06495   0.07084     InVindir2   1:1   134189   0.07019   0.01478   0.00033   0.06495   0.07084     InVindir2   1:1   134189   0.07019   0.01478   0.00033   0.06495   0.07084     InVindir2   1:1   134189   0.07019   0.01478   0.00030   0.06495   0.07084     InVindir2   1:1   134189   0.07019   0.01478   0.00030   0.06495   0.07084     InVindir2   1:1   134189   0.07019   0.01478   0.00030   0.06495   0.07084     InVindir2   1:1   134189   0.07019   0.01478   0.00020   0.04077   0.04154     InVindir2   1:1   134875   0.04115   0.00519   0.00020   0.04077   0.04154     InVindir2   1:1   134875   0.04115   0.00519   0.00020   0.04077   0.04154     InVindir2   1:1   134875   0.04115   0.00519   0.00020   0.04077   0.04154	InVobs	4:1	134189	0.08804	0.02110	0.00040	0.08726	0.08881
InVobs   1:2	InVobs	2:1	134673	0.06202	0.01150	0.00029	0.06145	0.06260
InVobs         1:4         134953         0.06503         0.00816         0.00025         0.06455         0.06551           Method 1           InVdir1         4:1         134189         0.04045         0.00228         0.00013         0.04019         0.04070           InVdir1         1:1         134673         0.03455         0.00152         0.00011         0.03455         0.03476           InVdir1         1:2         134952         0.05761         0.00521         0.00020         0.05723         0.05800           InVdir1         1:4         134953         0.10385         0.02186         0.00040         0.10306         0.10464           Method 2         InVdir2         4:1         134189         0.0423         0.00257         0.00014         0.04396         0.04514           InVdir2         4:1         134673         0.03796         0.00179         0.00012         0.03774         0.03819           InVdir2         1:1         134673         0.04230         0.00237         0.00012         0.03774         0.03819           InVdir2         1:2         134952         0.06181         0.00027         0.00013         0.04204         0.04266           InVdir2         1:4	InVobs	1:1	134875	0.05107	0.00743	0.00023	0.05061	0.05153
InVdir1	InVobs	1:2	134952	0.05179	0.00618	0.00021	0.05137	0.05220
InVdir1   4:1	InVobs	1:4	134953	0.06503	0.00816	0.00025	0.06455	0.06551
InVdir1   2:1	Method 1							
InVdir1	InVdir1	4:1	134189	0.04045	0.00228	0.00013	0.04019	0.04070
InVdir1   1:2   134952   0.05761   0.00521   0.00020   0.05723   0.05800     InVdir1   1:4   134953   0.10385   0.02186   0.00040   0.10306   0.10464     Method 2	InVdir1	2:1	134673	0.03455	0.00152	0.00011	0.03435	0.03476
InVdir1         1:4         134953         0.10385         0.02186         0.00040         0.10306         0.10464           Method 2           InVdir2         4:1         134189         0.04423         0.00257         0.00014         0.04396         0.04451           InVdir2         2:1         134673         0.03796         0.00179         0.00012         0.03774         0.03819           InVdir2         1:1         134875         0.04230         0.00237         0.00013         0.04204         0.04256           InVdir2         1:2         134952         0.06181         0.00617         0.00021         0.06139         0.06223           InVdir2         1:4         134953         0.10927         0.02474         0.00043         0.10843         0.11011           Method 3         InVindir1         4:1         134189         0.08600         0.01820         0.00037         0.08527         0.08672           InVindir1         1:1         134673         0.06086         0.00976         0.00027         0.06033         0.06138           InVindir1         1:2         134952         0.05125         0.00529         0.00020         0.04973         0.05066           InVindir2	InVdir1	1:1	134875	0.03876	0.00196	0.00012	0.03852	0.03899
InVdir2   4:1   134189   0.04423   0.00257   0.00014   0.04396   0.04451     InVdir2   2:1   134673   0.03796   0.00179   0.00012   0.03774   0.03819     InVdir2   1:1   134875   0.04230   0.00237   0.00013   0.04204   0.04256     InVdir2   1:2   134952   0.06181   0.00617   0.00021   0.06139   0.06223     InVdir2   1:4   134953   0.10927   0.02474   0.00043   0.10843   0.11011     Method 3	InVdir1	1:2	134952	0.05761	0.00521	0.00020	0.05723	0.05800
InVdir2   4:1	InVdir1	1:4	134953	0.10385	0.02186	0.00040	0.10306	0.10464
InVdir2         2:1         134673         0.03796         0.00179         0.00012         0.03774         0.03819           InVdir2         1:1         134875         0.04230         0.00237         0.00013         0.04204         0.04256           InVdir2         1:2         134952         0.06181         0.00617         0.00021         0.06139         0.06223           InVdir2         1:4         134953         0.10927         0.02474         0.00043         0.10843         0.11011           Method 3           InVindir1         4:1         134189         0.08600         0.01820         0.00037         0.08527         0.08672           InVindir1         1:1         134673         0.06086         0.00976         0.00027         0.06033         0.06138           InVindir1         1:1         134875         0.05015         0.00598         0.00021         0.04973         0.05056           InVindir1         1:4         134952         0.05125         0.00529         0.00020         0.06404         0.06495           Method 4           InVindir2         4:1         134673         0.04947         0.00815         0.00025         0.04898         0.04995	Method 2							
InVdir2 1:1 134875 0.04230 0.00237 0.00013 0.04204 0.04256 InVdir2 1:2 134952 0.06181 0.00617 0.00021 0.06139 0.06223 InVdir2 1:4 134953 0.10927 0.02474 0.00043 0.10843 0.11011  Method 3  InVindir1 4:1 134189 0.08600 0.01820 0.00037 0.08527 0.08672 InVindir1 2:1 134673 0.06086 0.00976 0.00027 0.06033 0.06138 InVindir1 1:1 134875 0.05015 0.00598 0.00021 0.04973 0.05056 InVindir1 1:2 134952 0.05125 0.00529 0.00020 0.05086 0.05164 InVindir1 1:4 134953 0.06449 0.00729 0.00023 0.06404 0.06495  Method 4  InVindir2 4:1 134189 0.07019 0.01478 0.00033 0.06954 0.07084 InVindir2 2:1 134673 0.04947 0.00815 0.00025 0.04898 0.04995 InVindir2 1:1 134875 0.04115 0.00519 0.00020 0.04077 0.04154 InVindir2 1:2 134952 0.04274 0.00424 0.00018 0.04239 0.04309	InVdir2	4:1	134189	0.04423	0.00257	0.00014	0.04396	0.04451
InVdir2         1:2         134952         0.06181         0.00617         0.00021         0.06139         0.06223           InVdir2         1:4         134953         0.10927         0.02474         0.00043         0.10843         0.11011           Method 3           InVindir1         4:1         134189         0.08600         0.01820         0.00037         0.08527         0.08672           InVindir1         2:1         134673         0.06086         0.00976         0.00027         0.06033         0.06138           InVindir1         1:1         134875         0.05015         0.00598         0.00021         0.04973         0.05056           InVindir1         1:2         134952         0.05125         0.00529         0.00020         0.05086         0.05164           InVindir2         4:1         134953         0.06449         0.00729         0.00023         0.06404         0.06495           Method 4           InVindir2         4:1         134673         0.04947         0.00815         0.00025         0.04898         0.04995           InVindir2         1:1         134875         0.04115         0.00519         0.00020         0.04077         0.04154	InVdir2	2:1	134673	0.03796	0.00179	0.00012	0.03774	0.03819
InVdir2         1:4         134953         0.10927         0.02474         0.00043         0.10843         0.11011           Method 3           InVindir1         4:1         134189         0.08600         0.01820         0.00037         0.08527         0.08672           InVindir1         2:1         134673         0.06086         0.00976         0.00027         0.06033         0.06138           InVindir1         1:1         134875         0.05015         0.00598         0.00021         0.04973         0.05056           InVindir1         1:2         134952         0.05125         0.00529         0.00020         0.05086         0.05164           InVindir1         1:4         134953         0.06449         0.00729         0.00023         0.06404         0.06495           Method 4         InVindir2         4:1         134189         0.07019         0.01478         0.00033         0.06954         0.07084           InVindir2         2:1         134673         0.04947         0.00815         0.00025         0.04898         0.04995           InVindir2         1:1         134875         0.04115         0.00519         0.00020         0.04077         0.04154           InVindir2<	InVdir2	1:1	134875	0.04230	0.00237	0.00013	0.04204	0.04256
Method 3         InVindir1       4:1       134189       0.08600       0.01820       0.00037       0.08527       0.08672         InVindir1       2:1       134673       0.06086       0.00976       0.00027       0.06033       0.06138         InVindir1       1:1       134875       0.05015       0.00598       0.00021       0.04973       0.05056         InVindir1       1:2       134952       0.05125       0.00529       0.00020       0.05086       0.05164         InVindir1       1:4       134953       0.06449       0.00729       0.00023       0.06404       0.06495         Method 4       InVindir2       4:1       134189       0.07019       0.01478       0.00033       0.06954       0.07084         InVindir2       2:1       134673       0.04947       0.00815       0.00025       0.04898       0.04995         InVindir2       1:1       134875       0.04115       0.00519       0.00020       0.04077       0.04154         InVindir2       1:2       134952       0.04274       0.00424       0.00018       0.04239       0.04309	InVdir2	1:2	134952	0.06181	0.00617	0.00021	0.06139	0.06223
InVindir1         4:1         134189         0.08600         0.01820         0.00037         0.08527         0.08672           InVindir1         2:1         134673         0.06086         0.00976         0.00027         0.06033         0.06138           InVindir1         1:1         134875         0.05015         0.00598         0.00021         0.04973         0.05056           InVindir1         1:2         134952         0.05125         0.00529         0.00020         0.05086         0.05164           InVindir1         1:4         134953         0.06449         0.00729         0.00023         0.06404         0.06495           Method 4           InVindir2         4:1         134189         0.07019         0.01478         0.00033         0.06954         0.07084           InVindir2         2:1         134673         0.04947         0.00815         0.00025         0.04898         0.04995           InVindir2         1:1         134875         0.04115         0.00519         0.00020         0.04077         0.04154           InVindir2         1:2         134952         0.04274         0.00424         0.00018         0.04239         0.04309	InVdir2	1:4	134953	0.10927	0.02474	0.00043	0.10843	0.11011
InVindir1         2:1         134673         0.06086         0.00976         0.00027         0.06033         0.06138           InVindir1         1:1         134875         0.05015         0.00598         0.00021         0.04973         0.05056           InVindir1         1:2         134952         0.05125         0.00529         0.00020         0.05086         0.05164           InVindir1         1:4         134953         0.06449         0.00729         0.00023         0.06404         0.06495           Method 4           InVindir2         4:1         134189         0.07019         0.01478         0.00033         0.06954         0.07084           InVindir2         2:1         134673         0.04947         0.00815         0.00025         0.04898         0.04995           InVindir2         1:1         134875         0.04115         0.00519         0.00020         0.04077         0.04154           InVindir2         1:2         134952         0.04274         0.00424         0.00018         0.04239         0.04309	Method 3							
InVindir1 1:1 134875 0.05015 0.00598 0.00021 0.04973 0.05056 InVindir1 1:2 134952 0.05125 0.00529 0.00020 0.05086 0.05164 InVindir1 1:4 134953 0.06449 0.00729 0.00023 0.06404 0.06495  Method 4 InVindir2 4:1 134189 0.07019 0.01478 0.00033 0.06954 0.07084 InVindir2 2:1 134673 0.04947 0.00815 0.00025 0.04898 0.04995 InVindir2 1:1 134875 0.04115 0.00519 0.00020 0.04077 0.04154 InVindir2 1:2 134952 0.04274 0.00424 0.00018 0.04239 0.04309	InVindir1	4:1	134189	0.08600	0.01820	0.00037	0.08527	0.08672
InVindir1 1:2 134952 0.05125 0.00529 0.00020 0.05086 0.05164 InVindir1 1:4 134953 0.06449 0.00729 0.00023 0.06404 0.06495  Method 4  InVindir2 4:1 134189 0.07019 0.01478 0.00033 0.06954 0.07084 InVindir2 2:1 134673 0.04947 0.00815 0.00025 0.04898 0.04995 InVindir2 1:1 134875 0.04115 0.00519 0.00020 0.04077 0.04154 InVindir2 1:2 134952 0.04274 0.00424 0.00018 0.04239 0.04309	InVindir1	2:1	134673	0.06086	0.00976	0.00027	0.06033	0.06138
InVindir1       1:4       134953       0.06449       0.00729       0.00023       0.06404       0.06495         Method 4       InVindir2       4:1       134189       0.07019       0.01478       0.00033       0.06954       0.07084         InVindir2       2:1       134673       0.04947       0.00815       0.00025       0.04898       0.04995         InVindir2       1:1       134875       0.04115       0.00519       0.00020       0.04077       0.04154         InVindir2       1:2       134952       0.04274       0.00424       0.00018       0.04239       0.04309	InVindir1	1:1	134875	0.05015	0.00598	0.00021	0.04973	0.05056
Method 4         InVindir2       4:1       134189       0.07019       0.01478       0.00033       0.06954       0.07084         InVindir2       2:1       134673       0.04947       0.00815       0.00025       0.04898       0.04995         InVindir2       1:1       134875       0.04115       0.00519       0.00020       0.04077       0.04154         InVindir2       1:2       134952       0.04274       0.00424       0.00018       0.04239       0.04309	InVindir1	1:2	134952	0.05125	0.00529	0.00020	0.05086	0.05164
InVindir2       4:1       134189       0.07019       0.01478       0.00033       0.06954       0.07084         InVindir2       2:1       134673       0.04947       0.00815       0.00025       0.04898       0.04995         InVindir2       1:1       134875       0.04115       0.00519       0.00020       0.04077       0.04154         InVindir2       1:2       134952       0.04274       0.00424       0.00018       0.04239       0.04309	InVindir1	1:4	134953	0.06449	0.00729	0.00023	0.06404	0.06495
InVindir2       2:1       134673       0.04947       0.00815       0.00025       0.04898       0.04995         InVindir2       1:1       134875       0.04115       0.00519       0.00020       0.04077       0.04154         InVindir2       1:2       134952       0.04274       0.00424       0.00018       0.04239       0.04309	Method 4							
InVindir2 1:1 134875 0.04115 0.00519 0.00020 0.04077 0.04154 InVindir2 1:2 134952 0.04274 0.00424 0.00018 0.04239 0.04309	InVindir2	4:1	134189	0.07019	0.01478	0.00033	0.06954	0.07084
InVindir2 1:2 134952 0.04274 0.00424 0.00018 0.04239 0.04309	InVindir2	2:1	134673	0.04947	0.00815	0.00025	0.04898	0.04995
	InVindir2	1:1	134875	0.04115	0.00519	0.00020	0.04077	0.04154
InVindir2 1:4 134953 0.05566 0.00577 0.00021 0.05525 0.05606	InVindir2	1:2	134952	0.04274	0.00424	0.00018	0.04239	0.04309
	InVindir2	1:4	134953	0.05566	0.00577	0.00021	0.05525	0.05606

## – Anhang –

N/I	eth	2	-
IVI	eu	lou	J

InVindir3	4:1	134189	0.03103	0.00113	0.00009	0.03085	0.03121
InVindir3	2:1	134673	0.03233	0.00129	0.00010	0.03214	0.03252
InVindir3	1:1	134875	0.03417	0.00158	0.00011	0.03396	0.03438
InVindir3	1:2	134952	0.03669	0.00218	0.00013	0.03644	0.03694
InVindir3	1:4	134953	0.03968	0.00328	0.00016	0.03938	0.03999
Method 6							
InVindir4	4:1	134189	0.04849	0.00277	0.00014	0.04820	0.04877
InVindir4	4:1 2:1	134189 134673	0.04849 0.03651	0.00277 0.00165	0.00014	0.04820	0.04877
InVindir4	2:1	134673	0.03651	0.00165	0.00011	0.03629	0.03672

- Anhang -

Pooled Variance Estimators for Methods 1 through 6 at differing Baseline Hazards

Method	Baseline Hazard	Iterations	Theta	Variance	MCSE	Lower	Upper
СОХ РН							
InVobs	25%	224055	0.07609	0.01664	0.00027	0.07556	0.07663
InVobs	50%	224703	0.06012	0.00912	0.00020	0.05973	0.06052
InVobs	75%	224884	0.05452	0.00713	0.00018	0.05417	0.05487
Method 1							
InVdir1	25%	224055	0.06379	0.01002	0.00021	0.06337	0.06420
InVdir1	50%	224703	0.05259	0.00614	0.00017	0.05226	0.05291
InVdir1	75%	224884	0.04887	0.00542	0.00016	0.04857	0.04918
Method 2							
InVdir2	25%	224055	0.06792	0.01113	0.00022	0.06749	0.06836
InVdir2	50%	224703	0.05662	0.00709	0.00018	0.05627	0.05697
InVdir2	75%	224884	0.05292	0.00637	0.00017	0.05259	0.05325
Method 3							
InVindir1	25%	224055	0.07493	0.01487	0.00026	0.07442	0.07543
InVindir1	50%	224703	0.05914	0.00761	0.00018	0.05877	0.05950
InVindir1	75%	224884	0.05356	0.00569	0.00016	0.05324	0.05387
Method 4							
InVindir2	25%	224055	0.06465	0.01336	0.00024	0.06417	0.06513
InVindir2	50%	224703	0.04837	0.00584	0.00016	0.04806	0.04869
InVindir2	75%	224884	0.04249	0.00375	0.00013	0.04223	0.04274
Method 5							
InVindir3	25%	224055	0.04164	0.00322	0.00012	0.04140	0.04187
InVindir3	50%	224703	0.03287	0.00140	0.00008	0.03271	0.03302
InVindir3	75%	224884	0.02988	0.00103	0.00007	0.02974	0.03001
Method 6							
InVindir4	25%	224055	0.05334	0.00592	0.00016	0.05302	0.05365
InVindir4	50%	224703	0.04205	0.00252	0.00011	0.04184	0.04226
InVindir4	75%	224884	0.03821	0.00184	0.00009	0.03803	0.03838

- Anhang -

Pooled Variance Estimators for Methods 1 through 6 at differing Censoring Distributions

Method	Censoring Distribution	Iterations	Theta	Variance	MCSE	Lower	Upper
СОХ РН							
InVobs	none	224999	0.03066	0.00135	0.00008	0.03050	0.03081
InVobs	exp0.5	223750	0.09404	0.02178	0.00031	0.09343	0.09465
InVobs	unif0.5	224893	0.06617	0.00804	0.00019	0.06580	0.06654
Method 1							
InVdir1	none	224999	0.02968	0.00158	0.00008	0.02951	0.02984
InVdir1	exp0.5	223750	0.07141	0.00973	0.00021	0.07100	0.07182
InVdir1	unif0.5	224893	0.06423	0.00940	0.00020	0.06383	0.06463
Method 2							
InVdir2	none	224999	0.03271	0.00192	0.00009	0.03253	0.03289
InVdir2	exp0.5	223750	0.07376	0.01037	0.00022	0.07334	0.07418
InVdir2	unif0.5	224893	0.07104	0.01136	0.00022	0.07060	0.07149
Method 3							
InVindir1	none	224999	0.03068	0.00132	0.00008	0.03053	0.03083
InVindir1	exp0.5	223750	0.09217	0.01889	0.00029	0.09160	0.09274
InVindir1	unif0.5	224893	0.06489	0.00634	0.00017	0.06456	0.06521
Method 4							
InVindir2	none	224999	0.02248	0.00047	0.00005	0.02239	0.02257
InVindir2	exp0.5	223750	0.08760	0.01846	0.00029	0.08703	0.08816
InVindir2	unif0.5	224893	0.04558	0.00214	0.00010	0.04539	0.04577
Method 5							
InVindir3	none	224999	0.01758	0.00027	0.00003	0.01751	0.01765
InVindir3	exp0.5	223750	0.05194	0.00378	0.00013	0.05169	0.05220
InVindir3	unif0.5	224893	0.03493	0.00109	0.00007	0.03479	0.03507
Method 6							
InVindir4	none	224999	0.02244	0.00047	0.00005	0.02235	0.02253
InVindir4	exp0.5	223750	0.06665	0.00706	0.00018	0.06630	0.06700
InVindir4	unif0.5	224893	0.04459	0.00190	0.00009	0.04441	0.04477

- Anhang -

Pooled Variance Estimators for Methods 1 through 6 at differing Hazard Ratios

Method	Hazard Ratio	Iterations	Theta	Variance	MCSE	Lower	Upper
COX PH							
InVobs	0.1	133747	0.12006	0.03279	0.00050	0.11909	0.12103
InVobs	0.3	134916	0.06259	0.00841	0.00025	0.06210	0.06308
InVobs	0.5	134982	0.04950	0.00440	0.00018	0.04915	0.04986
InVobs	0.7	134998	0.04429	0.00307	0.00015	0.04399	0.04459
InVobs	0.9	134999	0.04189	0.00253	0.00014	0.04162	0.04216
Method 1							
InVdir1	0.1	133747	0.08615	0.01987	0.00039	0.08540	0.08691
InVdir1	0.3	134916	0.05854	0.00661	0.00022	0.05811	0.05898
InVdir1	0.5	134982	0.04773	0.00362	0.00016	0.04741	0.04805
InVdir1	0.7	134998	0.04277	0.00259	0.00014	0.04250	0.04304
InVdir1	0.9	134999	0.04045	0.00218	0.00013	0.04021	0.04070
Method 2							
InVdir2	0.1	133747	0.09588	0.02276	0.00041	0.09507	0.09668
InVdir2	0.3	134916	0.06342	0.00741	0.00023	0.06296	0.06388
InVdir2	0.5	134982	0.05047	0.00399	0.00017	0.05013	0.05080
InVdir2	0.7	134998	0.04450	0.00283	0.00014	0.04422	0.04479
InVdir2	0.9	134999	0.04180	0.00236	0.00013	0.04154	0.04206
Method 3							
InVindir1	0.1	133747	0.11478	0.02539	0.00044	0.11393	0.11563
InVindir1	0.3	134916	0.06262	0.00844	0.00025	0.06213	0.06311
InVindir1	0.5	134982	0.04951	0.00439	0.00018	0.04916	0.04986
InVindir1	0.7	134998	0.04430	0.00307	0.00015	0.04400	0.04459
InVindir1	0.9	134999	0.04190	0.00254	0.00014	0.04163	0.04217
Method 4							
InVindir2	0.1	133747	0.07981	0.02225	0.00041	0.07901	0.08061
InVindir2	0.3	134916	0.05220	0.00671	0.00022	0.05176	0.05264
InVindir2	0.5	134982	0.04507	0.00374	0.00017	0.04474	0.04540
InVindir2	0.7	134998	0.04198	0.00273	0.00014	0.04171	0.04226
InVindir2	0.9	134999	0.04031	0.00231	0.00013	0.04006	0.04057

## - Anhang -

## Method 5

InVindir3	0.1	133747	0.04182	0.00371	0.00017	0.04149	0.04214
InVindir3	0.3	134916	0.03611	0.00196	0.00012	0.03588	0.03635
InVindir3	0.5	134982	0.03340	0.00146	0.00010	0.03319	0.03360
InVindir3	0.7	134998	0.03185	0.00123	0.00010	0.03166	0.03204
InVindir3	0.9	134999	0.03082	0.00110	0.00009	0.03064	0.03100
Method 6							
InVindir4	0.1	133747	0.05382	0.00712	0.00023	0.05337	0.05427
InVindir4	0.3	134916	0.04620	0.00350	0.00016	0.04588	0.04651
InVindir4	0.5	134982	0.04266	0.00254	0.00014	0.04239	0.04292
InVindir4	0.7	134998	0.04067	0.00214	0.00013	0.04042	0.04091
InVindir4	0.9	134999	0.03934	0.00191	0.00012	0.03911	0.03958

- Anhang -

Pooled Variance Estimators for Methods 1 through 6 at differing Trial Sizes

Method	Trial Size	Iterations	Theta	Variance	MCSE	Lower	Upper
СОХ РН							
InVobs	N=100	223649	0.14964	0.02096	0.00031	0.14904	0.15024
InVobs	N=500	224993	0.02793	0.00092	0.00006	0.02780	0.02805
InVobs	N=1000	225000	0.01364	0.00017	0.00003	0.01359	0.01369
Method 1							
InVdir1	N=100	223649	0.12821	0.01315	0.00024	0.12774	0.12869
InVdir1	N=500	224993	0.02498	0.00043	0.00004	0.02489	0.02507
InVdir1	N=1000	225000	0.01246	0.00011	0.00002	0.01242	0.01250
Method 2							
InVdir2	N=100	223649	0.13812	0.01477	0.00026	0.13761	0.13862
InVdir2	N=500	224993	0.02656	0.00048	0.00005	0.02647	0.02665
InVdir2	N=1000	225000	0.01322	0.00012	0.00002	0.01318	0.01327
Method 3							
InVindir1	N=100	223649	0.14647	0.01686	0.00027	0.14593	0.14701
InVindir1	N=500	224993	0.02792	0.00082	0.00006	0.02780	0.02804
InVindir1	N=1000	225000	0.01368	0.00017	0.00003	0.01363	0.01374
Method 4							
InVindir2	N=100	223649	0.12020	0.01520	0.00026	0.11969	0.12071
InVindir2	N=500	224993	0.02392	0.00085	0.00006	0.02380	0.02404
InVindir2	N=1000	225000	0.01176	0.00016	0.00003	0.01171	0.01181
Method 5							
InVindir3	N=100	223649	0.08063	0.00246	0.00010	0.08042	0.08083
InVindir3	N=500	224993	0.01601	0.00008	0.00002	0.01597	0.01605
InVindir3	N=1000	225000	0.00799	0.00002	0.00001	0.00798	0.00801
Method 6							
InVindir4	N=100	223649	0.10323	0.00501	0.00015	0.10293	0.10352
InVindir4	N=500	224993	0.02046	0.00017	0.00003	0.02041	0.02052
InVindir4	N=1000	225000	0.01022	0.00004	0.00001	0.01020	0.01025