

## Heidelberger Kolloquium Medizinische Biometrie, Informatik und Epidemiologie

Sehr geehrte Damen und Herren,

hiermit laden wir Sie herzlich ein zu dem Vortrag:

**“Stratified and personalised medicine  
using model-based recursive partitioning“**

VON

**Heidi Seibold,**

Institut für Epidemiologie, Biostatistik und Prävention (EBPI), Universität Zürich

am Montag, 07.11.2016, 16.15 Uhr

im **Kommunikationszentrum des DKFZ, Hörsaal K2**, Im Neuenheimer Feld 280, 69120 Heidelberg

---

Established statistical procedures for the analysis of primary endpoints in randomized clinical trials assume that there is a universal (i.e. constant) treatment effect that applies to all patients in the trial and - even more importantly - to all future patients potentially to be treated with the novum under consideration. Methods for subgroup analysis relax this assumption and allow the treatment effect to depend on patient characteristics. This means that the treatment effect and thus the potential benefit or harm of a specific therapy is different in subgroups of patients who have been diagnosed with the same disease. We introduce model-based recursive partitioning as a procedure for the automated detection of patient subgroups that are identifiable by patient characteristics. For more individualised treatment effects we propose the use of ensembles of model-based trees, i.e. model-based random forests.

---

Alle Interessenten sind herzlich eingeladen!

Gezeichnet: Dickhaus, Gabrysch, Kieser, Knaup, Kopp-Schneider, Wellek

**Organisation: Birgit Schleweis**

Institut für Medizinische Biometrie und Informatik, Im Neuenheimer Feld 130.3, 69120 Heidelberg Tel. 06221/56-4142. Möchten Sie die Ankündigung der Vorträge per E-Mail erhalten, senden Sie bitte eine Nachricht an: [schleweis@imbi.uni-heidelberg.de](mailto:schleweis@imbi.uni-heidelberg.de)